原著論文

SPAR フェノタイピングプラットフォームを用いたトウモロコシ雑種の初期乾燥ストレス耐性のスクリーニング

Ajaz Ahmad Lone[1)]・Shamshir ul Hussan[1)]・Salah H. Jumaa[2)]・Zahoor Ahmad Dar[1)]・K. Raja Reddy[2)]
([1)]Dryland Agriculture Research Station, Sher e Kashmir University of Agriculture Science & Technology of Kashmir, India, [2)]Department of Plant and Soil Sciences, Mississippi State University, USA)

Breeding Science 74: 173–182 (2024)

◇◇

在来イネ品種‘Rathu Heenati’（*Oryza sativa* L.）のトビイロウンカ抵抗性遺伝子の置換マッピングと特性解析

Saw Bo Day Shar[1,2)]・Cuong Dinh Nguyen[1,3)]・真田幸代[4)]・鄭　紹輝[1,5)]・藤田大輔[1,5)]
([1)]鹿児島大学大学院連合農学研究科，[2)]Loikaw Research Center, Department of Agricultural Research, Myanmar, [3)]Biotechnology Department, College of Food Industry, Vietnam, [4)]農研機構植物防疫研究部門，[5)]佐賀大学農学部)

Breeding Science 74: 183–192 (2024)

◇◇

新規の推定膜貫通領域をもつタンパク質 THB1 がイネの雑種崩壊を引き起こす

若林妙恵・加藤清明
(帯広畜産大学)

Breeding Science 74: 193–203 (2024)

◇◇

キュウリ F_2 集団における多雌花性と着生節位を制御する遺伝子座の検出

Nattawat Anankul[1,2)]・Wannapa Sattayachiti[2)]・Namfon Onmanee[2)]・Saengchit Chanmoe[2)]・Weenun Bundithya[1)]・Jutamas Kumchai[1)]
([1)]Department of Plant and Soil Sciences, Faculty of Agriculture, Chiang Mai University, Thailand, [2)]Hortigenetics Research (S.E. Asia) Company Limited, Thailand)

Breeding Science 74: 204–213 (2024)

◇◇

サツマイモ苗を用いたサツマイモ基腐病抵抗性室内検定法の開発

田淵宏朗[1)]・小林　晃[1)]・川田ゆかり[1)]・岡田吉弘[2)]・小林有紀[1)]
([1)]農研機構九州沖縄農業研究センター都城研究拠点，[2)]農研機構九州沖縄農業研究センター糸満駐在)

Breeding Science 74: 214–222 (2024)

◇◇

ゲノムワイド連関解析によるダイズの粒重遺伝子の検出

Tingting Sun[1)]・Qi Zhang[1)]・Lu Liu[1)]・Yujie Tang[2)]・Jiabao Wang[1)]・Kun Wang[1)]・Boran Yuan[1)]・Piwu Wang[1)]
([1)]Jilin Agricultural University, China, [2)]Jilin Academy of Agricultural Sciences, China)

Breeding Science 74: 223–231 (2024)

北海 240 号由来のコムギ縞萎縮ウイルス抵抗性に関与する 2A 短腕染色体上の主要 QTL の同定

川口謙二[1,2,3)]・大木健広[4)]・石川吾郎[5)]・佐山　充[1,6)]・寺沢洋平[1)]・小田俊介[7,8)]・藤田雅也[7,8)]・伊藤美環子[1,3)]・八田浩一[1,7,9)]
([1)] 農研機構北海道農業研究センター芽室研究拠点，[2)] 帯広畜産大学，[3)] 現：農研機構西日本農業研究センター，[4)] 農研機構北海道農業研究センター，[5)] 農研機構作物研究部門，[6)] 現：農研機構北海道農業研究センター，[7)] 農研機構九州沖縄農業研究センター，[8)] 現：農研機構本部，[9)] 現：農研機構作物研究部門)

Breeding Science 74: 232–239 (2024)

トウジンビエのエリートラインの表現型解析とゲノムワイド関連解析

神原昂太[1)]・Shashi Kumar Gupta[2)]・高野哲夫[1)]・津釜大侑[1)]
([1)] 東京大学大学院農学生命科学研究科附属アジア生物資源環境研究センター，[2)] 国際半乾燥熱帯作物研究所)

Breeding Science 74: 240–246 (2024)

第 5 染色体上に座乗する芒発達を正に制御する *An7* 遺伝子の同定

水谷未耶[1,6)]・村瀬李梨[2)]・青木振一郎[2)]・佐藤　豊[3)]・山形悦透[4)]・安井　秀[4)]・吉村　淳[4)]・芦苅基行[1,2)]・別所–上原奏子[5)]
([1)] 名古屋大学生物機能開発利用研究センター，[2)] 名古屋大学大学院生命農学研究科，[3)] 国立遺伝学研究所，[4)] 九州大学農学部，[5)] 東北大学大学院生命科学研究科，[6)] 現：奈良先端科学技術大学院大学先端科学技術研究科バイオサイエンス領域)

Breeding Science 74: 247–258 (2024)

日本コムギコアコレクションのゲノム多様性と育種過程における農業形質関連アレルの選択

水野信之[1)]・小林史典[1)]・森田　匠[2)]・半田裕一[2)]
([1)] 農研機構作物研究部門，[2)] 京都府立大学大学院生命環境科学研究科)

Breeding Science 74: 259–273 (2024)

イネ出穂期に関する SNP ジェノタイピングアッセイの開発

北澤則之[1)]・正村純彦[1)]・水林達実[1)]・安藤　露[1)]・林　長生[2)]・矢部志央理[1)]・松原一樹[1)]・江花薫子[3)]・山内歌子[1)]・福岡修一[1)]
([1)] 農研機構作物研究部門，[2)] 農研機構生物機能利用研究部門，[3)] 農研機構基盤技術研究本部遺伝資源研究センター)

Breeding Science 74: 274–284 (2024)