

総説（招待）

イネの栽培化過程で獲得された種子の非脱粒性の遺伝学的解剖

石川 亮

(神戸大学大学院農学研究科植物育種学研究室)

Breeding Science 74: 285–294 (2024)

総説（一般）

アズキとその近縁野生種遺伝資源の分類学的歴史，形態，進化，ジーンプールおよびストレス耐性

高橋 有・友岡憲彦

(農研機構遺伝資源研究センター)

Breeding Science 74: 295–310 (2024)

原著論文

比較トランスクリプトームプロファイリングによって明らかにされた，トウモロコシ *opaque2*， *opaque16* および *waxy1* 遺伝子のピラミディングによるリジンおよびトリプトファン含量増加メカニズム

Peizhen Wu¹⁾・Yanli Yuan¹⁾・Zhoujie Ma¹⁾・Kaiwu Zhang^{2,3)}・Lei Deng^{2,3)}・Hong Ren^{2,3)}・Wenpeng Yang^{2,3)}・Wei Wang^{2,3)}

¹⁾Key Laboratory of Plant Resource Conservation and Germplasm Innovation in Mountainous Region (Ministry of Education), College of Life Sciences/Institute of Agro-bioengineering, Guizhou University, China, ²⁾Guizhou Institute of Upland Food Crops, Guizhou Academy of Agricultural Sciences, China, ³⁾Key Laboratory of Maize Biology and Genetic Breeding in Karst Mountainous Region (Ministry of Agriculture and Rural Affairs), China)

Breeding Science 74: 311–323 (2024)



Brassica 属における NGS を用いた A ゲノムおよび C ゲノム間の組換え箇所の同定

瀬川天太¹⁾・熊澤利輝¹⁾・Muluneh Tamiru-Oli²⁾・花野哲幸¹⁾・原 蒔士¹⁾・西川みなみ¹⁾・齊賀空知¹⁾・

高田茉莉奈¹⁾・伊藤正樹³⁾・今村智弘¹⁾・高木宏樹¹⁾

(¹⁾石川県立大学, ²⁾ラトロープ大学, ³⁾金沢大学)

Breeding Science 74: 324–336 (2024)



