

原著論文

Betula platyphylla における PLATZ 転写因子遺伝子のゲノムワイド同定および塩ストレス発現解析

Yang Li • Mingyu Yu • Yao Chi • Meiqi Zhou • Zihan Wang • Yan Gao • Xu Li • Caiqiu Gao • Chao Wang
(State Key Laboratory of Tree Genetics and Breeding (Northeast Forestry University), China)

Breeding Science 74: 393–402 (2024)



高次倍数体 QTL-seq 法によるバレイショ塊茎の肉色とデンプンリン含量を制御する量的形質遺伝子座の同定

山川博幹¹⁾・水林達実¹⁾・北澤則之¹⁾・山内歌子¹⁾・安藤 露¹⁾・向井喜之¹⁾・下坂悦生²⁾・野田高弘²⁾・浅野賢治²⁾・赤井浩太郎²⁾・片山健二²⁾
(¹⁾農研機構作物研究部門, ²⁾農研機構北海道農業研究センター)

Breeding Science 74: 403–414 (2024)



ミャンマーのインド型イネ集団を用いたゲノムワイド関連解析による到穂日数に関するゲノム領域の検出

Moe Moe Hlaing • Khin Thanda Win • 安井 秀 • 吉村 淳 • 山形悦透
(九州大学大学院農学研究院)

Breeding Science 74: 415–426 (2024)



東北地方で収集したナシ属植物の在来品種「サネナシ」(*Pyrus L.*)の無核果実形成

三ツ橋昇平^{1,2)}・中野誠士¹⁾・植松千代美³⁾・片山寛則¹⁾
(¹⁾神戸大学大学院農学研究科附属食資源教育研究センター, ²⁾現: 農研機構畜産研究部門, ³⁾大阪市立大学附属植物園)

Breeding Science 74: 427–434 (2024)



in situ 胚救助法によるラッカセイ属の交雑不和合性の克服

Chun Jiao Jiang¹⁾・Hao Jie Sun¹⁾・Jia Kai Li¹⁾・Wei Jie Qi¹⁾・Guang Di Yuan¹⁾・Zhi Wei Wang¹⁾・Ming Jun Zhang²⁾・Xuan Qiang Liang³⁾・Chuan Tang Wang¹⁾
(¹⁾Shandong Peanut Research Institute, China, ²⁾Shandong Rainbow Agri-Tech Co. Ltd., China, ³⁾Guangdong Academy of Agricultural Sciences, China)

Breeding Science 74: 435–442 (2024)



イネ矮性変異体 *d1* の第 2 節間長を制御する QTLs の検出

Quynh T. Ha¹⁾・Sandar Moe¹⁾・Vincent Pamugas Reyes¹⁾・土井一行¹⁾・三浦孝太郎²⁾・水嶋 滯¹⁾・前野哲輝³⁾・津田勝利^{3,4)}・永井啓祐⁵⁾・芦莉基行⁵⁾

(¹⁾名古屋大学生命農学研究科, ²⁾福井県立大学農学部, ³⁾国立遺伝学研究所, ⁴⁾総合研究大学院大学, ⁵⁾名古屋大学生物機能開発利用研究センター)

Breeding Science 74: 443–453 (2024)



グラフィカルジェノタイプ作成ツール「GenoSee」

橋本舜平

(東京大学大学院農学生命科学研究科)

Breeding Science 74: 454–461 (2024)

ノート

低カドミウム特性およびごま葉枯病抵抗性を合わせもつコシヒカリの優良同質遺伝子系統の育成

溝淵律子¹⁾・大橋里美²⁾・松本憲悟²⁾・太田雄也²⁾・山川智大^{2,3)}・安部 匡⁴⁾・石川 覚⁴⁾・大森伸之介¹⁾・竹内善信¹⁾・後藤昭俊¹⁾・松下 景¹⁾・池ヶ谷智仁¹⁾・金咲耶花^{1,5)}・鈴木信裕¹⁾・對木千加子¹⁾・山内歌子¹⁾・安藤 露¹⁾・佐藤宏之¹⁾

(¹⁾農研機構作物研究部門, ²⁾三重県農業研究所, ³⁾現：三重県庁, ⁴⁾農研機構農業環境研究部門, ⁵⁾現：農研機構野菜花き研究部門)

Breeding Science 74: 462–467 (2024)