

総説 (一般)

植物パンゲノム時代におけるテロメア・ツー・テロメアでのゲノム解読のインパクト

青柳優太・飯村秀明・佐藤光彦・白澤健太
(かずさ DNA 研究所)

Breeding Science 75: 3–12 (2025)



オオムギの遺伝資源とパンゲノム解析

佐藤和広^{1,2)}
(¹⁾ 摂南大学農学部, ²⁾ かずさ DNA 研究所)

Breeding Science 75: 13–20 (2025)



ゲノミクスによるカンキツ遺伝資源の育種利用拡大

清水徳朗^{1,2)}・野中圭介¹⁾
(¹⁾ 農研機構果樹茶業研究部門, ²⁾ かずさ DNA 研究所カンキツ研究領域)

Breeding Science 75: 21–33 (2025)



ウリ科作物におけるパンゲノム研究の現状と展望

嶋田玄太郎^{1,2)}・田中克典³⁾・加藤鎌司⁴⁾
(¹⁾ 筑波大学生命環境系, ²⁾ ミュンヘン工科大学生命科学部, ³⁾ 弘前大学農学生命科学部, ⁴⁾ 岡山大学環境生命自然科学学域)

Breeding Science 75: 34–50 (2025)



パンゲノム時代の育種における野生イネ属遺伝資源の利用

吉川貴徳・佐藤 豊
(国立遺伝学研究所)

Breeding Science 75: 51–60 (2025)

原著論文

パンゲノムアプローチに基づく、未利用マメ科作物ラブラブの新たな育種資源

Mark A. Chapman
(University of Southampton, School of Biological Sciences, Highfield Campus, UK)

Breeding Science 75: 61–66 (2025)

総説 (一般)

ダイズのストレス耐性向上におけるマイクロ RNA とヒストン修飾の役割およびそれらの分子育種への応用

Kejing Fan • Long-Yiu Chan • Sze-Wing Chan • Wai-Shing Yung • Liping Wang • Hui Zhang • Hon-Ming Lam

(School of Life Sciences and Centre for Soybean Research of the State Key Laboratory of Agrobiotechnology, The Chinese University of Hong Kong, P. R. China)

Breeding Science 75: 67–78 (2025)