

口頭発表講演方法

口頭発表の発表形式はプロジェクターによるプレゼンテーションのみです。発表にはご自分のパソコンをご使用ください。大会当日は試写室に試写用のプロジェクターをご用意いたします。発表者はあらかじめ余裕を持って試写を行い、スライドのレイアウトや動作をご確認いただくとともに、パソコンの画面出力先の設定（ミラーリング）方法を必ずご確認ください。

また、パソコンの不具合に備えて大会運営委員会では予備のパソコン（Windows XPまたは7, Power Point）をご用意しますので、**データのバックアップを入れたUSBメモリを必ずご準備ください。**

1. 使用するノートパソコンの「画面の解像度」をXGA（1024×768ピクセル）に設定してからスライドのレイアウトを確認してください。これよりも大きい画面サイズやワイド画面のパソコンを使用すると、プロジェクターから正しく投影されないことがあります。
2. 画面出力端子の形状がD-sub15ピン（ミニ）であることを確認してください。この形状と異なる場合、Macをご使用になる場合は変換アダプタを準備してください。
3. スクリーンセーバー、省電力設定は解除し、起動音をミュート（消音）にしてください。
4. バッテリートラブルが生じないように電源タップを用意しますので、パソコンの電源コードを準備してください。
5. 次講演者席、次次講演者席に着席したら、電源コード、モニターケーブルを順に接続し、パソコンを起動してください。
6. 発表者の交替の際に、モニターケーブルの記号（A, B, C, D）に合わせて係員がモニター切替器を操作します。発表者の画面がプロジェクターから投影されない場合、発表者はミラーリングの変更を行ってください。なお、トラブルの時間も講演時間に含まれますのでご了承ください。
7. 動画はミラーリングによってプロジェクターから投影されないことがありますので、発表者は試写の際にミラーリング方法をご確認ください。
8. 試写室にはスタッフが常駐しています。パソコンの設定、予備のパソコンの貸し出しにつきましては試写室のスタッフにお申し付けください。

その他、ご不明の点は大会運営委員会にお問い合わせください。

口頭発表 講演番号・座長一覧

会場 日程	第1会場 1号館5階 531教室	第2会場 1号館5階 532教室	第3会場 1号館5階 533教室	第4会場 1号館5階 544教室	第5会場 1号館5階 543教室	第6会場 1号館5階 542教室	第7会場 1号館5階 541教室
3月27日 午前	101-104 山本 敏央 10:00-11:00	201-204 築山 拓司 10:00-11:00	301-304 村井 耕二 10:00-11:00	401-404 久保友彦 10:00-11:00	501-504 齊藤 大樹 10:00-11:00	601-604 青木 秀之 10:00-11:00	701-704 雑賀 啓明 10:00-11:00
	105-108 一谷 勝之 11:00-12:00	205-208 高畑 義人 11:00-12:00	305-308 田中 淳一 11:00-12:00	405-407 肥塚 信也 11:00-11:45	505-508 高牟禮逸朗 11:00-12:00	605-608 平野 博之 11:00-12:00	705-708 小川 洋一 11:00-12:00

3月28日 午前	ポスター発表 9:00-12:00						
3月28日 午後	109-112 内藤 健 13:00-14:00	209-212 江頭 宏昌 13:00-14:00	309-312 浅尾 浩史 13:00-14:00	408-411 本田 裕 13:00-14:00	509-512 木富 悠花 13:00-14:00	609-612 安彦 友美 13:00-14:00	709-712 松島 良 13:00-14:00
	113-116 白澤 健太 14:00-15:00	213-216 布目 司 14:00-15:00	313-316 氷見 英子 14:00-15:00	412-415 和田 卓也 14:00-15:00	513-516 西田 英隆 14:00-15:00	613-616 千田 峰生 14:00-15:00	713-716 宅見 薫雄 14:00-15:00
	117-119 松村 英生 15:00-15:45		317-318 中村 郁郎 15:00-15:30	416-419 石川 隆二 15:00-16:00	517-519 加藤 鎌司 15:00-15:45	617-620 高橋 宏和 15:00-16:00	717-720 山本 将之 15:00-16:00

日本育種学会 優秀発表賞 投票方法の改正に関連した注意点

1. エントリー制を採用します。

演題登録時に優秀発表賞の選考対象演題としてエントリーした演題を審査の対象とします。

2. 発表者マークの変更

プログラムや要旨において優秀発表賞の選考対象としてエントリーした演題の発表者印は☆で表記されています。ポスターやスライド作成時に発表者印を表記する際にも統一した記号を使ってください。よろしくお願いいたします。

3月27日	第1会場 (1号館5階531教室)	第2会場 (1号館5階532教室)	第3会場 (1号館5階533教室)	第4会場 (1号館5階544教室)
	◆座長 山本敏夫 (生物研)	◆座長 築山拓司 (京大院農)	◆座長 村井耕二 (福井県大生物資源)	◆座長 久保友彦 (北大院農)
10:00	101 QTL-seq法によるイネ高度穂孕み期耐冷性遺伝子座の同定 ☆阿部陽1, 高木宏樹1,2, 八重樫弘樹1, 菅原浩規3, 福島陽4, 寺内良平1 (1. 岩手生物工学研究センター, 2. 岩手大学大学院連合農学研究科, 3. 岩手県農業研究センター, 4. 農研機構 東北農業研究センター)	201 異なる草型形質を制御するダイズのD12座の高精度連鎖解析 ☆佐山貴司1, 山口直矢2, 笹間博子1, 横田侑子1, 三好智明2, 石本政男1 (1. 生物研, 2. 道総研十勝農試)	301 インキュベーターを利用した胚救出と分けつ除去を要しない簡易なイネの世代促進システム sBBS(simplified Biotoron Breeding System) ○田中淳一1, 林武司2 (1. 農業・食品産業技術総合研究機構 作物研究所, 2. 農業・食品産業技術総合研究機構 中央農業総合研究センター)	401 Complete sequence of mitochondrial genome of an alloplasmic line of common wheat with <i>Aegilops geniculata</i> cytoplasm ☆ Gyawali Yadav Prasad, 寺地徹 (京産大・総合生命科学)
10:15	102 MutMap+: イネ突然変異体の自殖後代における新規遺伝子同定法 ☆八重樫弘樹1, Fekih Rym1, 高木宏樹1,2, Tamiru Muluneh1, 阿部陽1, 夏目俊1,2, 植村亜衣子1, 寺内良平1 (1. 岩手生物工学研究センター, 2. 岩手大学大学院連合農学研究科)	202 国産ダイズ品種における6K SNPアレイの開発と評価 ○加賀秋人1, 清水武彦1, 松本敏美1, 渡辺啓史1,2, 金森裕之1, 上野博英1, 片寄裕一1, 石本政男1 (1. 農業生物資源研究所, 2. 佐賀大学)	302 ゲノミックセレクションモデルに基づくイネF ₂ 集団における出穂期分離の予測 ○岩田洋佳1,2, 吉岡拓磨3, 小野木章雄1,2, 江花薫子4, 林武司5, 山崎将紀3 (1. 東大院農学生命科学, 2. 独立行政法人科学技術振興機構, CREST, 3. 神戸大院農, 4. 生物研, 5. 農研機構中央農研)	402 Brassica napusにおけるミトコンドリアゲノムに対するMsh1遺伝子の機能解析 ☆寺尾圭陽, 大西美香, 尾城俊也, 今村順 (玉川大学大学院農学研究科)
10:30	103 完全な全ゲノム配列が決定されていないイネ品種の突然変異体における迅速な原因遺伝子単離方法 ☆高木宏樹1,2, 八重樫弘樹1, 植村亜衣子1, 阿部陽1, 夏目俊1,2, 宇津志博恵1, 寺内良平1,2 (1. 岩手生物工学研究センター, 2. 岩手大・連合農学研究科)	203 近縁野生種を用いたアズキの耐塩性関連QTLの解析 ☆小木曾映里1, 吉田裕太郎2, 伊勢村武久1, 加賀秋人1, 内藤健1,3, 奥野員敏2, 友岡憲彦1 (1. (独) 農業生物資源研究所多様性活用研究ユニット, 2. 筑波大学生命環境科学研究科, 3. 科学技術振興機構さきがけ)	303 開花期が他の形質に与える影響の構造方程式モデル(SEM)を用いた定量化: 出穂期が稈長及び穂長に与える影響 ☆小野木章雄1,2, 堀清純3, 江花薫子3, 岩田洋佳1,2 (1. 東大院農学生命科学, 2. JST CREST, 3. 生物研)	403 ダイコンミトコンドリアゲノムのプロモーター構造とゲノム組換えの関連性 ☆島塚悠太, 今村順, 肥塚信也 (玉川大学大学院 農学研究科)
10:45	104 イネ雑種弱勢遺伝子HWA1, HWA2の高密度連鎖解析 ○一谷勝之1, 浦田千恵子1, 田浦悟2, 手塚孝弘3, 沖山友哉4, 久保山勉4, 佐藤宗治1 (1. 鹿大・農学, 2. 鹿大・遺伝子実験施設, 3. 大阪府大院・生命環境, 4. 茨大・農学)	204 カブ(Brassica rapa L.) 肥大形質のQTL解析 ☆高橋有1, 横井修司1, 畠山勝徳2, 福岡浩之2, 松元哲2, 高畑義人1 (1. 岩手大・農学部, 2. 農研機構・野菜茶業研究所)	304 ゲノムワイドモデルおよびQTLモデルを用いたイネ戻し交雑近交系の開花フェノロジー予測 ☆渡部真哉1, 望月俊宏2, 林武司3, 中川博規3, 長谷川利雄4, 岩田洋佳1 (1. 東大院農学生命科学, 2. 九大農, 3. 農研機構中央農研, 4. 農環研)	404 オグラ型雄性不稔ダイコンの稔性回復に関わるRft遺伝子座の構造解析 安本景太1, 高木宏樹2, 寺内良平2, 寺地徹1, ○山岸博1 (1. 京産大・総合生命科学, 2. 岩手生物工学研究センター)
	◆座長 一谷勝之 (鹿兒島大農)	◆座長 高畑義人 (岩手大農)	◆座長 田中淳一 (作物研)	◆座長 肥塚信也 (玉川大院農)
11:00	105 著しい長稈現型を示すイネd1変異体、新黒谷矮(Xinheiguai)の持つ、草丈の伸長を促進する新奇QTLの同定 ☆三浦孝太郎1, 瀬上修平1, 佐々木実奈美1, 中村麻由美1, 若井基行2, 北野英己2, 銭前3, 岩崎行玄1 (1. 福井県立大学生物資源学部, 2. 名古屋大学生物機能開発利用研究センター, 3. 中国水稲研究所)	205 ソラマメのEST-SSRマーカー開発と連鎖地図作成 ○磯部祥子1, El-Rodeny Walid2, 木村光宏1, 平川英樹1 (1. かずさDNA研究所, 2. エジプト農業研究センター)	305 ジャガイモシストセンチュウ抵抗性遺伝子H1数の迅速推定法の開発と多重系統の選抜 ☆浅野賢治, 田宮誠司 (農研機構・北海道農業研究センター)	405 Brassica rapaの属間雑種形成能QTL領域内に座乗する遺伝子の解析 ☆殿崎薫1, 北柴大泰1, 金子幸雄2, 西尾剛1 (1. 東北大院・農学, 2. 宇大・農)
11:15	106 日本の超多収イネ品種に必要なインド型ゲノム領域の表現型アノテーション ○米丸淳一1, 溝淵律子1, 加藤浩2, 山本敏夫1, 山本英司1, 松原一樹2, 平林秀介2, 竹内善信2, 常松浩2, 石井卓朗2,3, 太田久稔2,4, 前田英郎2,5, 江花薫子1, 矢野昌裕1 (1. 農業生物資源研究所, 2. 作物研, 3. 近中四農研, 4. 東北農研, 5. 農林水産技術会議)	206 アズキ裂葉性遺伝子のファインマッピング ☆内藤健, 武藤千秋, 坂井寛章, 小木曾映里, 加賀秋人, 友岡憲彦 (農業生物資源研究所)	306 モデル草本植物ブラキポディウムにおける研究基盤整備 ○氷室泰代1, 石山加奈子2, 持田恵一1,3, 高橋史憲1,3, 権藤崇裕4, 明石良4, 小林正智1,2, 篠崎一雄1,3 (1. 理研・BMEP, 2. 理研・BRC実験植物, 3. 理研・PSC, 4. 宮崎大・FSRC)	406 トランスクリプトームおよびプロテオーム解析によるオオムギ近縁自家不和合性種の花粉側S因子の探索 ☆橋本翔1, 山田力志2, 澤田均2, 掛田克行1 (1. 三重大院生物資源, 2. 名大院理・臨海実験所)
11:30	107 次世代型シーケンサーから得られた塩基配列を用いた効率的な変異検出系の開発. II. F2分離集団の場合 ○宮尾安藝雄, 中込マリコ, ソロビヨワイエレナ, 長村吉見, 伊藤剛, 堀清純, 山本敏夫 (農業生物資源研・農業生物先端ゲノム研究センター)	207 インゲンマメと近縁種のゲノム構造、進化の解析 ☆岩田愛子1, Tek Ahmet2, Pedrosa-Harand Andrea3, Geoffroy Valerie4, 長岐清孝2, Jackson Scott1 (1. ジョージア大, 2. 岡山大, 3. Pernambuco大, 4. Paris-Sud大)	307 新型シーケンサーカイク配列からのDNA多型統合データベースと解析ワークフローの構築 ☆望月孝子1,2, 長崎英樹1, 神沼英里1, 大柳一3,4, 清水徳朗5, 豊田敦6, 藤山秋佐夫6, 倉田のり3, 二河成男2, 中村保一1 (1. 遺伝研・生命情報・大量遺伝情報, 2. 放送大・教養, 3. 遺伝研・系統生物・植物遺伝, 4. 三菱スペース・ソフトウェア, 5. 果樹研究所・カンキョウ研究領域, 6. 遺伝研・生命情報・比較ゲノム解析)	407 日本のテンサイ育種に利用された祖先品種集団におけるRf1アレルの多様性 ○田口和憲1, 久保友彦2 (1. 農研機構 北海道農業研究センター, 2. 北海道大学)
11:45	108 系譜ハプロタイプ情報を利用した日本水稲に受け継がれる穂ばらみ期耐冷性関連ゲノム領域の推定 ○山本敏夫1, 佐伯研一2, 遠藤貴司2, 水林達実1, 安藤露1, 福岡修一1 (1. 農業生物資源研究所, 2. 宮城県古川農業試験場)	208 ダイズの葉焼病抵抗性遺伝子rxpのファインマッピング ○山田直弘1, 佐山貴司2, 加賀秋人2, 笹間博子2, 山田哲也3, 平田香里3, 石本政男2, 羽根牧太3 (1. 長野県野菜花き試, 2. 生物研, 3. 作物研)	308 3大栄養素欠乏条件下におけるイネの根の網羅的遺伝子発現プロファイルリング ☆竹久紀奈子, 佐藤豊, アントニオバルタザール, 長村吉見 (農業生物資源研究所)	

3月27日(水) 午前 口頭発表プログラム

第5会場 (1号館5階543教室)		第6会場 (1号館5階542教室)		第7会場 (1号館5階541教室)		3月27日
◆座長 齊藤 大樹 (京大院農)		◆座長 青木 秀之 (農研中央農業総合研究セ)		◆座長 雑賀 啓明 (生物研)		
501	イネにおける栄養成長期メリステムの維持制御機構 大森 良弘 ^{1,3} , 田中 若奈 ¹ , 小嶋 美紀子 ² , 榊原 均 ² , ☆平野 博之 ¹ (1. 東大・理・生物, 2. 理研・植物セ, 3. 東大・農・生命化)	601	イネもみ枯細菌病抵抗性遺伝子のマッピング ○溝淵 律子 ¹ , 佐藤 宏之 ² , 福岡 修一 ¹ , 七夕 高也 ³ , 對馬 誠也 ⁴ , 井辺 時雄 ⁵ , 矢野 昌裕 ¹ (1. 農業生物資源研究所, 2. 作物研究所, 3. 理化学研究所, 4. 農業環境技術研究所, 5. 農研機構)	701	国内産小麦の製粉特性評価に関する研究. 16. 中心粒径・平均粒度および種子断面構造と製粉特性との関連 ○中村 洋 (農研機構作物研究所)	10:00
502	イネにおける根端分裂組織のオーガニゼーションに関わる <i>QHB/OsWOX5</i> 遺伝子の解析 ☆柴田 恭佑 ¹ , 佐塚 隆志 ² , 伊藤 純一 ³ , 犬飼 義明 ¹ (1. 名大・院生命農学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター, 3. 東大・院農生命科学)	602	イネ白葉枯病抵抗性突然変異系統 XM 6 の抵抗性. 1. 抵抗性突然変異遺伝子 <i>xa20</i> の座乗染色体 ○田浦 悟 ¹ , 恒吉 宏昭 ² , 一谷 勝之 ² , 河邊 弘太郎 ¹ , 佐藤 宗治 ² (1. 鹿大遺伝子実験施設, 2. 鹿大農)	702	バイオマス作物スイッチグラスの超低温保存と形質転換 ○小川 洋一 ¹ , 本多 真穂 ¹ , 近藤 康弘 ¹ , 西村 いくこ ² (1. ホンダ・リサーチ・インスティテュート・ジャパン, 2. 京大・院理学)	10:15
503	イネ第7染色体に座乗する奇形小穂遺伝子の解析 大島 健人, 袋井 康輔, 奈良 有至, 中田 章子, 貴島 祐治, ○高牟禮 逸朗 (北海道大学大学院農学研究院)	603	cDNA Subtraction 法を用いたヘアリーベッチにおけるシアナミド生合成経路の解析 ☆山口 智弘 ¹ , 和佐野 直也 ¹ , 加茂 綱嗣 ² , 藤井 義晴 ¹ (1. 農工大・院農, 2. 農業環境技術研究所)	703	ムギ類とパールミレットの垂科間交雑における雌雄の動原体特異的ヒストン <CENH3> の挙動と染色体脱落の関係 ☆石井 孝佳 ¹ , 砂村 直洋 ² , 上田 登史恵 ² , エリタ エブアミン E3, 辻本 壽 ³ (1. 鳥取大・院連合農学, 2. 鳥取大・農学, 3. 鳥取大・乾燥地研究センター)	10:30
504	イネの初期胚発生時に細胞特異的発現をする遺伝子マーカーの探索と利用 ☆大前 南美 ¹ , 八木 陽也 ¹ , 石本 聖絵 ¹ , 野田 祐作 ¹ , 佐藤 豊 ² , 松原 健一郎 ³ , 伊藤 純一 ³ , 佐藤 豊 ¹ (1. 名大院・生命農学, 2. 生物資源研究所, 3. 東大院・農学生命科学)	604	圃場における被食度達観評価により見出された新規ハスモンヨトウ抵抗性 QTL ☆大木 信彦 ¹ , 小松 邦彦 ² , 佐山 貴司 ³ , 石本 政男 ³ , 高橋 将一 ¹ , 高橋 幹 ¹ , 河野 雄飛 ¹ (1. 九冲農研, 2. 北海道農研, 3. 生物研)	704	講演取り消し	10:45
◆座長 高牟禮 逸朗 (北大院農)		◆座長 平野 博之 (東大院理)		◆座長 小川 洋一 (ホンダ・リサーチ・インスティテュート・ジャパン)		
505	出穂期遺伝子による生育相の改変が生産性に及ぼす多面的効果の検証 ☆齊藤 大樹, 今村 優見, 菊澤 恭子, 桂 圭佑, 吉竹 良洋, 横尾 敬行, Kamal Mustafa, 廣瀬 郁夫, 谷坂 隆俊, 奥本 裕 (京大・院農学)	605	ダイズ種皮の難吸水性に関する候補遺伝子の特定 ☆張 聖珍 ¹ , 佐藤 昌子 ¹ , 佐藤 圭一 ¹ , 高橋 良二 ² , 劉 宝輝 ³ , 山田 哲也 ¹ , 阿部 純 ¹ (1. 北海道大学農学院生物資源科学, 2. 作物研究所, 3. 中国科学院東北地理学及び農業生態学研究所)	705	鑄型を誘導的にゲノムから切り出すジーンターゲティング法 ☆遠藤 真咲 ¹ , ゲルビン スタントン ² , 土岐 精一 ¹ (1. 生物研・ゲノム機能改変, 2. パデュー大学)	11:00
506	イネの成長・生育における ABA 応答性キチナーゼ <i>CHT11</i> の役割 浦丸 公猛, ○築山 拓司, 井上 國世, 寺石 政義, 中崎 鉄也, 谷坂 隆俊, 奥本 裕 (京都大学大学院農学研究科)	606	ダイズの出芽時冠水耐性に関する QTL 解析 佐藤 昌子 ¹ , 佐藤 圭一 ¹ , 張 聖珍 ¹ , 関 功介 ² , 劉 宝輝 ³ , 山田 哲也 ¹ , ○阿部 純 ¹ (1. 北海道大学大学院農学研究科, 2. 長野県野菜花き試験場, 3. 中国科学院東北地理学及び農業生態学研究所)	706	遺伝子ターゲティングによるイネアレゲン遺伝子の破壊 ☆雑賀 啓明 ¹ , 横井 彩子 ¹ , 刑部 敬史 ^{1,2} , 土岐 精一 ^{1,3} (1. 生物研・先端ゲノムセンター, 2. 埼玉大・環境科学研究センター, 3. 横浜市大・木原生研)	11:15
507	オオムギの芒長遺伝子 <i>Lks2</i> の起源ならびにイネ科における芒長遺伝子の位置比較 ○武田 真, 湯尾 崇央, 氷見 英子 (岡山大学資源植物科学研究所)	607	白葉枯病真性抵抗性遺伝子 <i>Xa26</i> に類似した配列を持つ圃場抵抗性遺伝子 <i>NRKc2</i> の解析 ○青木 秀之, 齋藤 浩二, 矢頭 治 (中央農業総合研究センター)	707	ジーンターゲティングによる <i>OsIRE1</i> ミスセンス変異導入イネ系統の作出 ☆若 佐雄也, 林 晋平, 小沢 憲二郎, 高岩 文雄 (農業生物資源研究所)	11:30
508	細胞質置換コムギ系統における pistillody (雄ずいの雌ずい化) を誘発する新規ミトコンドリア遺伝子 <i>orf260</i> の機能は? 加藤 晴菜, ○村井 耕二 (福井県大・生物資源)	608	日本晴/カサラス CSSL ラインを用いた高温登熟障害耐性因子の探索 松原 香菜 ¹ , 余 高志 ¹ , 草野 博彰 ¹ , ☆島田 浩章 ^{1,2} (1. 東京理科大・生物工, 2. 東京理科大・RNA 研究センター)	708	ミヤコグサ遠縁交雑 RIL 集団におけるレトロトランスポソンの活性化 ☆深井 英吾 ¹ , サンダル ニールス ² , 吉川 学 ¹ , 平川 英樹 ³ , 梅原 洋佐 ¹ , 河内 宏 ¹ , 佐藤 修正 ³ , ストゥゴード イェンス ² , 廣近 洋彦 ¹ , 林 誠 ¹ (1. 生物研, 2. オーフス大, 3. かずさ DNA 研究所)	11:45

3月28日(木) 午後 口頭発表プログラム

3月28日	第1会場 (1号館5階531教室)	第2会場 (1号館5階532教室)	第3会場 (1号館5階533教室)	第4会場 (1号館5階544教室)
	◆座長 内藤 健 (生物研)	◆座長 江頭 宏昌 (山形大農)	◆座長 浅尾 浩史 (奈良農総セ)	◆座長 本田 裕 (農研東北)
13:00	109 コムギ祖先種 RNA-seq による転写産物のゲノム識別法の開発 ☆三科 興平 1, 川浦 香奈子 1, 神谷 容子 1, 持田 恵一 2, 樽井 寛 3, 鈴木 直子 3, 河合 純 3, 五十嵐 香理 4, 矢野 健太郎 4, 萩原 保成 1 (1. 横浜市大・木原生研, 2. 理研・PSC, 3. 理研・OSC, 4. 明治大・農・バイオインフォマ)	209 トマト単為結果性遺伝子 <i>pat-2</i> の同定 ○布目 司 1, 本多 一郎 2, 大山 暁男 1, 宮武 宏治 1, 山口 博隆 1, 福岡 浩之 1 (1. 農研機構野菜茶研, 2. 前橋工科大学)	309 オオムギプロアントシアニンフラリ突然変異体のマイクロアレイ解析 ☆氷見 英子, 前川 雅彦, 武田 真 (岡山大学資源植物科学研究所)	408 低アミロースの巨大胚水稲新品種「東北胚 202 号」の育成 ☆佐伯 研一, 遠藤 貴司 1, 永野 邦明 2, 佐々木 都彦 3, 千葉 文弥 2, 我妻 謙介 4, 早坂 浩志 5, 酒井 球絵 1 (1. 宮城県古川農業試験場, 2. 宮城県北部地方振興事務所, 3. 宮城県病害虫防除所, 4. 宮城県農業振興課, 5. 宮城県農業・園芸総合研究所)
13:15	110 アレイベース多型検出システムによるパンコムギ高密度連鎖地図の構築 ○木村 達郎 1, 榎 宏征 1, 西村 哲 1, 大野 良子 2, Ichisa Masaru 2, 宅見 薫雄 2, 那須田 周平 3 (1. トヨタ自動車(株) FP 部バイオ・ラボ, 2. 神戸大院農, 3. 京大院農)	210 トマトの全ゲノムリシークエンスにより見出したゲノムワイドな SNP の解析 ○白澤 健太 1, 福岡 浩之 2, 松永 啓 2, 小林 裕子 3, 小林 一成 3, 平川 英樹 1, 磯部 祥子 1, 田畑 哲之 1 (1. かずさ DNA 研, 2. 野茶研, 3. 三重大)	310 人工マイクロ RNA を介したダイズ貯蔵タンパク質の質的変化 ☆森 芳広 1, 安江 一穂 2, 丸山 伸之 3, 阿部 純 1, 山田 哲也 1 (1. 北大院農, 2. 北大農, 3. 京大院農)	409 中華めん適性に優れた秋播きコムギ新品種「つるぎ」の育成 ☆小林 聡 1, 吉村 康弘 1, 神野 裕信 1, 佐藤 三佳子 1, 来嶋 正朋 1, 足利 奈奈 1, 西村 努 2, 池永 充伸 2, 中道 浩司 3, 柳沢 朗 4, 荒木 和哉 3, 谷藤 健 3 (1. 道総研北見農業試験場, 2. 道総研中央農業試験場, 3. 道総研十勝農業試験場, 4. 道総研道南農業試験場)
13:30	111 タルホコムギの穂および種子形態の種内分化に関する QTL 解析 岡本 裕樹, 西嶋 遼, 久木 康伸, 坂口 晃平, 吉岡 資洋, ○宅見 薫雄 (神戸大学大学院農学研究科)	211 ニガウリ雌性型 SNP マーカーの作出 ○松村 英生 1, 谷合 直樹 2, 宮城 徳道 2, 福島 舞 1, 太郎 良和 彦 2, 首藤 亜耶乃 2, 浦崎 直也 2 (1. 信大遺伝子, 2. 沖繩県農研セ)	311 トマトにおけるホスホエノールピルビン酸カルボキシキナーゼの生理機能解析 ☆黄 永興, 讚岐 温子, 尹 永根, 本田 謙一郎, 福田 直也, 江面 浩, 松倉 千昭 (筑波大・院・生命環境科学研究科)	410 日本産タケ連植物の遺伝育種学的研究 XXXIII. 雑種植物の生育と形質の観察 ○村松 幹夫
13:45	112 次世代シーケンスによるコムギ染色体欠損系統の新規活性型レトロトランスポゾン座乗部位解析 ☆高井 健 1, 田原 誠 2, 門田 有希 2 (1. 岡山大学・院自然科学, 2. 岡山大学・院環境生命科学)	212 メロン日持ち性関連遺伝子の一塩基多型 ☆柴田 睦子, 棚瀬 (日和佐) 京子, 有泉 亨, 江面 浩 (筑波大・院生命環境)	312 イネ開花期耐冷性 QTL の集積効果の確認 ○品田 博史 1, 岩田 夏子 2, 佐藤 毅 1, 藤野 賢治 3 (1. 上川農試, 2. ホクレン農総研, 3. 北農研センター)	411 交雑育種によるサツマイモの不和合因子について ☆長谷川 晃一, 種坂 英次, 吉田 元信 (近畿大・院農学)
	◆座長 白澤 健太 (かずさ DNA 研)	◆座長 布目 司 (野菜茶研)	◆座長 氷見 英子 (岡山大資源生物研)	◆座長 和田 卓也 (福岡農試)
14:00	113 「ミカモゴールド」と「Harrington」のオオムギ倍加半数体集団を用いた高密度連鎖地図の構築と麦芽品質の QTL 解析 ○周 天魁 1, 飯牟礼 隆 1, 木原 誠 1, 佐藤 和広 2, 山田 真司 1 (1. サッポロビール(株), 2. 岡山大・植物研)	213 RAD-seq 解析法を用いたクワの種間及び品種間の大規模ゲノム多型解析 ☆西原 莉央 1, 松村 英生 2 (1. 信大院理工, 2. 信大遺伝子)	313 強勢成長を示す形質転換アラビドプシス植物の作出 真壁 壮 1, 本田 裕一 2, ☆中村 郁郎 1 (1. 千葉大・院園芸, 2. 千葉大・園芸)	412 ハトムギ育種のための寒冷地におけるジュズダマ遺伝資源の探索 ○本田 裕 (農研機構 東北農研)
14:15	114 オオムギ麦芽エキスに關与する 2H 染色体上の QTL ○飯牟礼 隆 1, 周 天魁 1, 保木 健宏 1, 木原 誠 1, 佐藤 和広 2, 山田 真司 1 (1. サッポロビール(株) バイオ研究開発部, 2. 岡山大学資源植物科学研究所)	214 SSR マーカーを用いた新潟県および山形県を中心とする在来食用グクの系統分類 ○江頭 宏昌 1, 小笠原 宣好 1, 武田 優季 2, 齊藤 裕太郎 3, 高品 善 3, 遠藤 幸子 3, 金森 裕之 4, 佐藤 淳 5 (1. 山形大農, 2. 山形・西置賜農技普課, 3. 山形農総研セ園試, 4. 農業生物資源研究所, 5. 新潟・農園課)	314 次世代シーケンスを利用した活動型レトロトランスポゾンファミリーの新規同定方法の確立 ☆門田 有希 1, 山口 健太郎 2, 田原 誠 1 (1. 岡山大・院環境生命科学, 2. 岡山大・院自然科学)	413 酒造好適米から見出した低温糊化系統の特性について ○岡本 和之 1, 田畑 美奈子 1, 川又 快 1, 青木 法明 2, 梅本 貴之 3 (1. 茨城県農業総合センター生物工学研究所, 2. 独立行政法人 農業・食品産業技術総合研究機構 作物研究所, 3. 独立行政法人 農業・食品産業技術総合研究機構 北海道農研センター)
14:30	115 オオムギ発現データベース:bex-db ○田中 剛 1, 坂井 寛章 1, 藤井 信之 2, 中村 信吾 3, 呉 健忠 1, 伊藤 剛 1, 松本 隆 1 (1. 農業生物資源研究所, 2. 日立公共システムエンジニアリング株式会社, 3. 作物研究所)	215 コムギ・エギロブス属植物のミトコンドリアゲノムの解析 2. <i>Aegilops speltoides</i> の細胞質を持つ置換系統のミトコンドリアゲノム ☆辻村 真衣 1, 森 直樹 2, 山岸 博 1, 寺地 徹 1 (1. 京都産大総合生命科学, 2. 神戸大院農学)	315 キクへのフロリゲン(Hd3a)直接導入による <i>CmAP1</i> の発現解析 ☆浅尾 浩史 1, 辻 寛之 2, 鷲田 治彦 2, 島本 功 2 (1. 奈良農総セ, 2. 奈良先端大バイオ)	414 野生イネの多様性評価に関する研究 1. WGS 情報によるレトロトランスポゾン挿入領域の検出によるオーストラリア野生イネ系統解析への応用 ☆外 和昌 大 1, 大塚 健太 1, 寺内 良平 2, 石川 隆二 1 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2.(財) 岩手生物工学研究センター)
14:45	116 PLUG マーカーの bin mapping によるコムギ物理地図作成とオオムギゲノムとの比較 ☆齊藤 美香 1, 新畑 智也 2, 春原 愛 2, 田中 剛 3, 石川 吾郎 1, 猪熊 貴之 2, 瀧屋 俊幸 2, 中村 俊樹 1 (1. 農研機構 東北農研, 2. 日本製粉(株) 中央研究所, 3. 農業生物資源研究所)	216 ソルガムにおける非生物的ストレス耐性のために連鎖不平衡とアノシエーション分析の使用 ☆シェザド タリク 1, サキ ショジア 1, 2, 福田 武弘 1, 奥野 員敏 1 (1. 筑波大学 生命環境系, 2. コハト科学技術大学)	316 モモの品種分化における選抜遺伝子群のゲノムワイド解析 ☆赤木 剛士 1, 2, Henry Isabelle 2, Gradziel Thomas 2, Comai Luca 2 (1. 京都大・院農学, 2. カリフォルニア大 デービス校)	415 野生イネの多様性評価に関する研究 2. WGS 情報による細胞質ゲノム多型領域の検出とオーストラリア野生イネ系統解析への応用 大塚 健太 1, 寺内 良平 2, ○石川 隆二 1 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2.(財) 岩手生物工学研究センター)

3月28日(木)午後 口頭発表プログラム

第5会場 (1号館5階543教室)		第6会場 (1号館5階542教室)		第7会場 (1号館5階541教室)		3月28日
◆座長 木富悠花 (東大院農)		◆座長 安彦友美 (国際農林水産業研究セ)		◆座長 松島良 (岡山大資源植物科学)		
509	コムギの日長反応性遺伝子 <i>Ppd-1</i> が下流遺伝子 <i>TaCO1</i> の発現パターンに及ぼす影響 山下舞1, ○西田英隆2, 加藤謙司2 (1. 岡山大農, 2. 岡山大院環境生命)	609	低温種皮着色抵抗性黄ダイズ品種トヨハルカは <i>SMV</i> 褐斑症状を緩和する ○千田峰生1, 大久保喜光1, 松本拓郎1, 佐野輝男1, 大西志全2 (1. 弘前大・農学生命, 2. 道総研中央農試)	709	準同質遺伝子系統を用いた高温耐性 QTL の集積効果 ○小林麻子1, 杉本和彦2, 岩澤紀生3, 近藤始彦3, 園田純也4, 塚口直史5, 富田桂1 (1. 福井県農業試験場, 2. 農業生物資源研究所, 3. 作物研究所, 4. 鹿児島県農総セ, 5. 石川県立大)	13:00
510	コムギ秋播型品種の <i>Vrn-D1 5'</i> 上流域及び第1イントロンにおける配列変異の解析 高橋ひとみ1, 西田英隆2, ○加藤謙司2 (1. 岡山大農, 2. 岡山大院環境生命)	610	ダイズの低温着色抵抗性の <i>SMV</i> による褐斑形成への効果 ○猿田正恭1, 高田吉丈1, 船附秀行1, 大西志全2, 三好智明3 (1. 近中四農研, 2. 道総研中央農試, 3. 道総研十勝農試)	710	登熟期の遮光処理により発生する水稻玄米のリング型乳白粒発現に関する QTL 解析 宮原克典, 宮崎真行, ○和田卓也, 坪根正雄 (福岡県農業総合試験場)	13:15
511	種子成熟制御因子がコムギ種子休眠性に及ぼす影響 ○力石和英, 前川雅彦 (岡山大学 資源植物科学研究所)	611	GRH2 によって賦与されるツマグロココバイ抵抗性には2つの NBS-LRR 遺伝子が必須である ☆末貞辰朗, 山形悦透, 吉村淳, 安井秀 (九大院農)	711	高温登熟で発生するイネの乳白粒は α -アミラーゼの活性化によって引き起こされる ☆羽方誠1, 黒田昌治1, 宮下朋美1, 山口武志1, 小嶋美紀子2, 榎原均2, 三ツ井敏明3, 山川博幹1 (1. 農研機構・中央農研北陸センター, 2. 理研・植物科学研究センター, 3. 新潟大学)	13:30
512	一粒系コムギ早生突然変異系統は <i>PHYTOCLOCK 1</i> 遺伝子のコムギホモログを欠失している ☆水野信之1,2, 新田みゆき1, 佐藤和広3, 那須田周平1 (1. 京大院農, 2. 日本学術振興会特別研究員 PD, 3. 岡大植物研)	612	塩分ストレスに対するスキの発芽, 生長, 光合成およびイオン蓄積の応答 ○孫西1, 高野哲夫1, 山田敏彦2 (1. 東大アジアセンター, 2. 北海道大学北方生物圏フィールド科学センター)	712	低アミロース性を示すスターチシンターゼ (<i>SS</i>) IV <i>b</i> 欠損変異体の登熟温度の澱粉構造への影響 ☆小玉郁子1, 川本朋彦1, 加藤和直1, 佐藤健介1, クロフツ高子2, 追留那緒子2, 松波麻耶2, 藤田直子2 (1. 秋田県農業試験場, 2. 秋田県立大学)	13:45
◆座長 西田英隆 (岡山大農)		◆座長 千田峰生 (弘前大農)		◆座長 宅見薫雄 (神戸大院農)		
513	登熟初期の高温処理による胴割れ米の発生機序に関する研究 ☆大西孝幸, 関根大輔, 木下哲 (奈良先端科学技術大学院大学)	613	窒素欠乏および嫌気条件下で形成されるイネ根の通気組織形成の比較 ☆安彦友美, 小原実広 (国際農研)	713	小麦粉の色相に対する品種系統間差異と環境変動 ○佐藤三佳子1, 神野裕信1, 吉村康弘1, 西村努1,2, 前島秀和3, 石川吾郎4, 中村和弘4,5, 伊藤裕之4, 齋藤美香4, 上原泰3, 中村俊樹4 (1. 道総研北見農業試験場, 2. 現・道総研中央農試, 3. 長野県農試, 4. 農研機構 東北農研, 5. 現・農研機構九州沖縄農研)	14:00
514	中国早生ダイズの非感光性に関する QTL 解析 ☆竹島亮馬1, 林隆文1, 徐美蘭1, 劉宝輝2, 山田哲也1, 阿部純1 (1. 北海道大学大学院農学研究院, 2. 中国農業科学院東北地理学・農業生態学研究所)	614	イネの根のスベリンラメラ形成過程に発現する <i>CYP86</i> 遺伝子および <i>GPAT</i> 遺伝子の探索 ☆渡邊宏太郎, 西内俊策, 中園幹生 (名古屋大学大学院生命農学研究科)	714	コムギ胚乳明度の品種系統間差異および環境変動 ○前島秀和1, 石川吾郎2, 中村和弘2,4, 伊藤裕之2, 齋藤美香2, 中村俊樹2, 上原泰1, 佐藤三佳子3, 西村努3,5, 神野裕信3, 吉村康弘3 (1. 長野県農試, 2. 農研機構 東北農研, 3. 道総研北見農試, 4. 現・農研機構九州沖縄農研, 5. 現・道総研中央農試)	14:15
515	ダイズにおける juvenile-adult 相転換の解析 ☆吉川貴徳1, 小澤傑2, 佐山貴司3, 笹間博子3, 松原健一郎1, 伊藤純一1, 石本政男3, 横井修司2, 長戸康郎1 (1. 東大院農生命科学, 2. 岩手大学農学部, 3. 生物研)	615	イネの根の通気組織形成におけるオーキシンの関与 ☆山内卓樹, 稲橋宏樹, 犬飼義明, 中園幹生 (名古屋大学大学院生命農学)	715	小麦粉の色相およびその関連形質に関するゲノムワイドアソシエーション解析 ○石川吾郎1, 中村和弘1,2, 伊藤裕之1, 齋藤美香1, 中村俊樹1, 佐藤三佳子3, 神野裕信3, 吉村康弘3, 西村努3,4, 前島秀和5, 上原泰5 (1. 農研機構 東北農研, 2. 現・農研機構九州沖縄農研, 3. 道総研北見農試, 4. 現・道総研中央農試, 5. 長野農試)	14:30
516	イネの juvenile-adult 相転換を制御する <i>MOR1</i> 遺伝子の機能解析 ☆木富悠花1, 田中伸裕1, 小嶋美紀子2, 榎原均2, 松原健一郎1, 伊藤純一1, 長戸康郎1 (1. 東大院農生命科学, 2. 理研植物科学セ)	616	ダイズの二次通気組織におけるトリテルペン合成遺伝子の発現解析 ☆高橋宏和1, 柳川麻子1, 清水裕子2, 福島エリオレット2, 平賀勸3, 島村聡4, 關光2, 村中俊哉2, 中園幹生1 (1. 名古屋大・院生命農学, 2. 大阪大・院工学, 3. 作物研, 4. 東北農研)	716	コムギのピロロインドリンおよびグルテンサブユニット遺伝子型が製粉性、製パン性に及ぼす影響 ☆足利奈奈1, 阿部珠代2, 鈴木孝子2, 来嶋正朋1, 神野裕信1, 吉村康弘1 (1. 道総研北見農試, 2. 道総研中央農試)	14:45

3月28日(木)午後 口頭発表プログラム

3月28日	第1会場 (1号館5階531教室)	第2会場 (1号館5階532教室)	第3会場 (1号館5階533教室)	第4会場 (1号館5階544教室)
	◆座長 松村 英生 (信州大ヒト環境科学研)		◆座長 中村 郁郎 (千葉大院自然科学)	◆座長 石川 隆二 (弘前大農学生命科学)
15:00	117 普通ソバの高密度連鎖地図構築とQTL解析 ☆原 尚資 1, 矢部 志央理 2, 上野 まりこ 3, 榎 宏征 4, 木村 達郎 4, 西村 哲 4, 安井 康夫 3, 岩田 洋佳 2, 大澤 良 1 (1. 筑波大・院生命環境科学, 2. 東大・院農学生命, 3. 京大・院農, 4. トヨタ自動車(株)FP部バイオ・ラボ)		317 オオムギ染色体導入コムギ系統を用いたフタテンチビヨコバイ吸汁によるゴール形成に関わる遺伝子の探索 ○川浦 香奈子 1, 吉田 圭祐 1, 神代 瞬 2, 徳田 誠 3, 松倉 啓一郎 4, 松村 正哉 4, 萩原 保成 1 (1. 横浜市大木原生研, 2. 鹿児島大連合大学院, 3. 佐賀大農, 4. 九州沖縄農研)	416 大規模ひとめぼれ突然変異系統群の育成および利用 ☆宇津志 博恵, 阿部 陽, 高木 宏樹, 落合 祐介, 八重樫 弘樹, リム フェキラリビ, 寺内 良平 (岩手生物工学研究センター)
15:15	118 普通ソバ育種集団における連鎖不平衡とゲノミックセレクションへの展望 ☆矢部 志央理 1, 原 尚資 2, 上野 まりこ 3, 榎 宏征 4, 木村 達郎 4, 西村 哲 4, 安井 康夫 3, 大澤 良 2, 岩田 洋佳 1 (1. 東大・院農学生命, 2. 筑波大・院生命環境科学, 3. 京大・院農, 4. トヨタ自動車(株)FP部バイオ・ラボ)		318 イネにおける病害抵抗性反応にตอบสนองするレドックスタンパク質 OsCSP2の解析 ○森野 和子, 木水 真由美, 斉藤 浩二 (独立行政法人 農業・食品産業技術総合研究機構 中央農業総合研究センター)	417 野生二粒系コムギの小穂内に見られる穎果の大きさの二型性と種子休眠性の遺伝様式 上ノ町 直矢, 菊安 理恵, 山内 彩紗子, 渡部 美樹, ○大田 正次 (福井県大・生物資源)
15:30	119 ニラ遺伝資源の類縁関係解析に用いるEST-SSRマーカーの作出 ○生井 潔 1, 田崎 公久 2, 柏谷 祐樹 3, 中澤 佳子 1 (1. 栃木県農業試験場, 2. 栃木県上都賀農業振興事務所, 3. 栃木県農政経営技術課)			418 トレニア10種の系統関係と染色体進化 ☆菅野 健太, 菊池 真司, 佐々 英徳, 木庭 卓人 (千葉大・院園芸)
15:45				419 有色リボ欠大豆系統の開発 ○河野 雄飛, 高橋 将一, 大木 信彦, 高橋 幹 (九州沖縄農業研究センター)
16:00				
16:15				グループ研究集会1(16:15~18:15) 「米の食味育種と遺伝解析」 世話人: 竹内 善信 (作物研究所) 和田 卓也 (福岡県農業総合試験場) 話題提供: 「極良食味品種“つや姫”の育成とその食味の客観的評価」 後藤 元 (山形県農業総合研究センター 水田農業試験場)

3月28日(木)午後 口頭発表プログラム

第5会場 (1号館5階543教室)		第6会場 (1号館5階542教室)		第7会場 (1号館5階541教室)		3月28日
◆座長 加藤 鎌司 (岡山農大)		◆座長 高橋 宏和 (名大院生命農学)		◆座長 山本 将之 (富山大院理工)		
517	茶樹の挿し木における着蕾性と穂木のフロリゲン遺伝子 (CsFT1) 発現レベル ☆山田真希, 加藤 啓介, 北川 哲, 村井 耕二 (福井県大・生物資源)	617	シロイヌナズナの細胞内小胞輸送因子 AP-3 μ は三量体 G タンパク質 β サブユニット AGB1 と相互作用し、種子発芽と初期成長の過程に関与する ☆ガンサップ ジラーボン, 津釜 大祐, 高野 哲夫 (東大アジアセンター)	717	半数体において稔性花粉を生産するトウモロコシ系統をアジ化ナトリウム突然変異誘発法によって作出した ☆杉原 奈穂, 東川 武之, 荒本 大樹, 〇加藤 章夫 (京都府立大学 生命環境科学研究科)	15:00
518	ウンシュウミカン由来ジベレリン 2 酸化酵素遺伝子の機能解析 〇古藤田 信博 1, 矢野 加奈子 1, 松尾 哲 2, 本多 一郎 3, 藤井 浩 1, 島田 武彦 1, 遠藤 朋子 1, 清水 徳朗 1 (1. 農研機構果樹研, 2. 農研機構野菜茶研, 3. 前橋工科大学)	618	イネの耐湿性獲得に重要な Radial Oxygen Loss バリア形成を制御する植物ホルモンの同定 〇塩野 克宏 1, 吉川 真理奈 1, 山下 優子 2, 松浦 恭和 2, 平山 隆志 2, 吉岡 俊人 1, 森 泉 2 (1. 福井県大・生物資源学, 2. 岡山大・植物研)	718	オオムギ 1HS 染色体断片転座による小麦生地物性の向上 〇池田 達哉 1, 高田 兼則 1, 栗本 洋一 2, 寺沢 洋平 1, 谷中 美貴子 1, 武田 真 3 (1. 農研機構・近畿中国四国農業研究センター, 2. 日本製粉 (株), 3. 岡大植物研)	15:15
519	シロイヌナズナの核細胞質往復タンパク質 VIP1 の機能解析 ☆津釜 大祐, 高野 哲夫 (東大アジアセンター)	619	合成バンコムギの幼苗における ABA 感受性の QTL 解析 ☆ Iehisa Masaru, 宅見 薫雄 (神戸大学大学院農学研究科)	719	Characterization and Genetic Mapping of Micro-Tom mutants exhibiting elongated fruit shape ☆チュウシイヤム カタラット, 浅水 恵理香, 有泉 亨, 岡部 佳弘, 江面 浩 (筑波大院・生命環境)	15:30
		620	塩ストレスに応答するコムギ TaSAMT 遺伝子の機能解析 ☆増井 ゆりか, 川浦 香奈子, 関根 佳祐, 成瀬 恒之, 萩原 保成 (横浜市大・木原生研)	720	スカシユリの花弁においてしぶき斑点の発生に関わる新規 MYB 遺伝子の解析 〇山岸 真澄, 戸田 真也, 田崎 啓介 (北大院農)	15:45
						16:00
グループ研究会 2 (16:15 ~ 18:15) 「育種学と農学のこれからを考える 25」(若手の会主催・研究会)		グループ研究会 3 (16:15 ~ 18:15) 「遺伝資源海外学術調査の現状と課題 (13)・第 42 回 生物進化・細胞遺伝談話会 共同開催」		グループ研究会 4 (16:15 ~ 18:15) 「モデリングでデータに潜む知を引き出せ -Breeding Informatics 研究 XI」		16:15
世話人: 高橋 有 (岩手大) 内藤 健 (生物研) 話題提供: 1. 「アブラナ科植物の種内、種間雑種に見られる非相加的遺伝子発現」 藤本 龍 (新潟大) 2. 「果樹類におけるゲノムワイド解析の可能性と展望」 〜カキの雌雄制御、サクラ属果樹の分化に伴うゲノム進化の研究を踏まえて〜 赤木 剛士 (京都大)		世話人: 大田 正次 (福井県立大) 加藤 鎌司 (岡山大) 佐藤 雅志 (東北大) 森 直樹 (神戸大) 木庭 卓人 (千葉大) 話題提供: 「東・南アジアにおける伝統的作物栽培の現状と遺伝資源を軸とした共同研究」 河瀬 真琴 ((独) 農業生物資源研究所遺伝資源センター)		世話人: 矢野 健太郎 (明治大) 岩田 洋佳 (東大) 話題提供: 「その遺伝子、田んぼで発現していますか? 気象データとトランスクリプトームの統計モデリングから見ること」 永野 惇 (京大・生態研セ・さきがけ)		

ポスター発表プログラム (3月28日)
奇数番号 9:30-10:30 偶数番号 10:30-11:30 (1号館6階)

01. 育種法・データベース

P001 W14/15遺伝子マーカーを用いたリンドウ品種の越冬率の評価

○日影孝志 1,2, 久米浩平 2, 斎藤靖史 2, 堤賢一 2 (1. 八幡平市花き研究開発センター, 2. 岩手大学農学部附属寒冷バイオフロンティア研究センター)

P002 表現形質評価システム「FieldBook」によるイネ出穂期測定効率化

☆岡田聡史 1, Garcia Arturo 2, 合田喬 1, 前田道弘 1, 片岡知守 3, 末廣美紀 1, 山崎将紀 1 (1. 神戸大学大学院農学研究科附属食資源教育研究センター, 2. アメリカ農務省農業研究部門, 3. 農研機構九州沖縄農業研究センター)

P003 大規模配列情報に基づく網羅的な SNP 探索とゲノムアノテーション解析

☆土田博子 1, 朽木大器 1, 原田清令 1, 佐々木陽平 1, 鈴木貴之 1, 横山幸治 1, 浅水恵理香 2, 白澤健太 3, 平川英樹 3, 青木考 4, 矢野健太郎 1 (1. 明治大・農・バイオインフォマティクス, 2. 筑波大・生命環境系, 3. かずさ DNA 研, 4. 大阪府大・生命環境)

P004 画期的な農畜産物作出のためのゲノム情報データベース 3 共通開発基盤の構築

☆ソロビヨワ イェレナ, 寺本由美子, 長村吉見, 伊藤剛, 宮尾安藝雄 (農業生物資源研究所 農業生物先端ゲノム研究センター)

P005 いもち病発病階級値変換プログラム Blast Converter

○鬼頭英樹, 善林薫 (農業・食品産業技術総合研究機構 東北農業研究センター)

02. 遺伝資源・品種育成

P006 青臭みのない黒大豆新品種「くろさやか」の育成

○高橋将一 1, 高橋幹 1, 河野雄飛 1, 大木信彦 1, 小松邦彦 2, 中澤芳則 1, 松永亮一 3 (1. 農研機構 九農研, 2. 農研機構 北農研, 3. 国際農研)

P007 良食味で菓子加工にも向くサツマイモ新品種「あいこまち」の育成

○高田明子 1, 熊谷亨 1,2, 藏之内利和 1, 中村善行 1, 藤田敏郎 1, 中谷誠 1,3, 田宮誠司 1,4, 片山健二 1 (1. (独) 農研機構 作物研究所, 2. (独) 農研機構 本部, 3. 農林水産省, 4. (独) 農研機構 北海道農業研究センター)

P008 寒天添加水耕培地を用いた鉄毒耐性に関するイネ遺伝的変異の解明

富田朝美, ○福田普通, びすば まであす ((独) 国際農林水産業研究センター)

P009 イネ半矮性遺伝子 *sd1* 座の異なる対立遺伝子の形質発現—外生ジベレリンが半矮性同質遺伝子系統の節間伸長に及ぼす影響—

○入江憲治, 松下玲子, 小塩海平, 志和地弘信, 豊原秀和 (東京農業大学)

P010 閉花受粉性イネ準同質遺伝子系統の特性解析

☆大森伸之介 1, 秋山高 2, 田淵宏朗 1, 吉田均 2 (1. 中央農研北陸研究センター, 2. 作物研)

P011 北コーカサスで採集されたタルホコムギのジェノタイプング

○笹沼恒男 1, 柿崎彩佳 1, 阿部利徳 1, 河原太八 2, Smekalova Tamara N.3, 佐藤和広 4 (1. 山形大農, 2. 京大院農学, 3. バビロフ研究所, 4. 岡山大植物研)

P012 地上部へのカドミウム蓄積様式におけるソルガム品種間差異の同定

☆佐藤(永澤) 奈美子 1, 米田淳一 2, 奥野員敏 3, 浦口晋平 2, 藤原徹 2, 林辰星 2, 徳永毅 4, 伊藤裕介 4, 伊藤正志 5, 服部浩之 1, 永澤信洋 1, 伊藤るみ子 1, 赤木宏守 1, 高橋秀和 1, 櫻井健二 1, 渡辺明夫 1, 堤伸浩 2 (1. 秋田県大生物資源, 2. 東大院農学生命科学, 3. 筑波大院生命環境, 4. (株) アースノート, 5. 秋田県農業試験場)

P013 アワにおけるイネ *HD1(HEADING DATE 1)* 遺伝子ホモログのスプライシング変異と地理的分布

○福永健二 1, 井塚奈央子 1, 一谷勝之 2 (1. 県立広島大学生命環境学部, 2. 鹿児島大学農学部)

P014 分子マーカーに基づくチモフェービ系コムギで見られる遺伝的に分化した 3 グループ間の系統関係

☆工藤瑛司, 大谷修平, 阿部利徳, 笹沼恒男 (山形大農)

P015 トウガラシ *chinense* 種における果実色と *Psy* 遺伝子の関係について

☆稲葉有紀, 相澤由佳里, 赤池隆亮, 阿部利徳, 笹沼恒男 (山形大農)

P016 野生エゾリンドウ (*Gentiana triflora* var. *japonica*) およびその変種の形態的差異と地理的変異

○高橋由衣 1, 日影孝志 2, 若目田圭祐 1, 斎藤靖史 1, 堤賢一 1 (1. 岩手大学農学部寒冷バイオフロンティア研究センター, 2. 八幡平市花き開発研究センター)

P017 レトロポゾン *p-SINE1* を用いた野生イネ集団の遺伝構造解析

宇佐見純平 1, ○宍戸理恵子 1, 土本卓 2, 秋本正博 3, 石井尊生 4, Minn San Thein 5, Than Sein 5, Tin Htut 5, Men Sarom 6, Nguyen Thi Lang 7 (1. 日本大生物資源, 2. 大阪大院工, 3. 帯畜大, 4. 神戸大院農, 5. ミャンマー農林灌漑省, 6. カンボジア農業研究所, 7. クーロンデルタ稲研究所)

P018 ラン科トキソウ属 3 種間人為雑種の細胞遺伝育種学的研究

○高橋知佐子 1, 近藤勝彦 2 (1. 尾道市役所, 2. 東京農大・農・遺伝育種)

- P019 収量と品質が良好な蒸切干加工用サツマイモ新品種「ほしこがね」
○藏之内利和1, 高田明子1, 中村善行1, 藤田敏郎1, 熊谷亨2, 中谷誠3, 片山健二1 (1. 農研機構作物研究所, 2. 農研機構本部, 3. 農林水産省)

03. 変異創成

- P020 デンプンが糊化しやすいイネ突然変異系統の解析
☆池ヶ谷智仁1, 松葉修一1, 石井卓朗2, 野田高弘1, 中浦嘉子3, 井ノ内直良3, 芦田かなえ1, 清水博之1, 梅本貴之1 (1. 独立行政法人農業・食品産業技術総合研究機構 北海道農業研究センター, 2. 独立行政法人 農業・食品産業技術総合研究機構 近畿中国四国農業研究センター, 3. 福山大学 生命工学部 生命栄養科学科)
- P021 複合病害抵抗性遺伝子組換えイネの開発 1. 隔離ほ場栽培のための承認手続他
○山崎宗郎, 後藤新悟, 高辻博志 (農業生物資源研究所)
- P022 葉緑体の遺伝子組換えを用いた高濃度グルタチオン含有植物の育成
☆福永明日美1, 辻村朋彦1, 植村香織2, 寺地徹2 (1. 京産大院・工, 2. 京産大・総合生命科学)
- P023 イネ温度感受性 *virescent* 変異体の解析2
○森田竜平1, 中川蘭2, 小暮祥子1, 林依子1, 東海林英夫1, 竹久妃奈子3, 佐藤雅志4,5, 阿部知子1,5 (1. 理研・仁科センター, 2. 名古屋大院生命農学, 3. 生物研, 4. 東北大・院生命科学, 5. 理研・イノベーションセンター)
- P024 頂芽優勢を失い側枝が長期間伸長を続けるシロイヌナズナ T-32 変異体の解析
○渡辺明夫, 百目木幸枝, 佐藤奈美子, 櫻井健二, 高橋秀和, 赤木宏守 (秋田県大・生物資源科学)
- P025 重イオンビームを用いたシロイヌナズナタンデム遺伝子破壊ラインの構築
☆風間裕介1, 平野智也1,3, 石井公太郎2, 大部澄江2, 白川侑希2, 林祐子2, 阿部知子1,2 (1. 理研・イノベーションセンター, 2. 理研・仁科センター, 3. 東電大・院先端研)
- P026 重イオンビームにより誘発したシロイヌナズナ変異体の全ゲノム解析
☆平野智也1,2, 風間裕介1, 石井公太郎3, 大部澄江3, 白川侑希3, 林祐子3, 阿部知子1,3 (1. 理研・イノベーションセンター, 2. 東電大・院先端研, 3. 理研・仁科センター)
- P027 重イオンビーム照射によって誘導されるイネ遺伝子の網羅的解析
☆石井公太郎1, 森田竜平1, 小暮祥子1, 林依子1, 平野智也2,3, 渋川登美子4, 長村吉晃4, 阿部知子1,2 (1. 理研・仁科センター, 2. 理研・イノベーションセンター, 3. 東電大・院先端研, 4. 生物研)
- P028 植物におけるトランスポゾンを用いた足跡を残さないマーカー遺伝子除去系の開発
☆横井彩子1, 土岐精一1,2 (1. 生物研・ゲノム機能改変, 2. 横浜市大・木原生研)
- P029 重イオンビームで誘発されたイネわい性突然変異体集団の解析
☆小暮祥子1, 森田竜平1, 林依子1, 一瀬勝紀1, 若菜妙子1, 東海林英夫1, 石井公太郎1, 馬立秋1,2, 畠山晋2, 田中秀逸2, 佐藤雅志3,4, 阿部知子1,3 (1. 理研・仁科センター, 2. 埼玉大・院理工, 3. 理研・イノベーションセンター, 4. 東北大・院生命科学)
- P030 マメ科植物の根で貧窒素栄養に応答する *MYB101* の機能
櫛引はるか1, 穴井豊昭2, ○赤田辰治1 (1. 弘前大・農学生命, 2. 佐賀大・農)
- P031 ニホングリとモーパングリの種間雑種における堅果形質の変異
岡部慎也1, ○井上栄一1, 角田鈴奈1, 高津康正2, 東尾久雄1 (1. 茨大・農, 2. 茨農総セ・生工研)
- P032 アポミクシス性特異的遺伝子の機能解析—胚のう分析法によるシロイヌナズナの生殖様式の観察—
○陳蘭莊1, 西村佳子1, 鉄村琢哉2, 杉田亘3, 長田龍太郎3, 吉田薫4, 市川裕章5 (1. 南九州大・環境園芸, 2. 宮崎大・農, 3. 宮崎県総合農試, 4. 東京大・農, 5. 農業生物資源研究所)
- P033 アポミクシス性特異的遺伝子の機能解析—*ASG1::GFP* 遺伝子組換えシロイヌナズナでの蛍光発現—
○西村佳子1, 鉄村琢哉2, 杉田亘3, 長田龍太郎3, 吉田薫4, 栗原大輔5, 東山哲也5, 陳蘭莊1 (1. 南九州大・環境園芸, 2. 宮崎大・農, 3. 宮崎県総合農業試験場, 4. 東京大・農, 5. 名古屋大・理)
- P034 ダイズのフェリチン遺伝子を葉緑体ゲノムに持つ組換えレタスの作出
○井上理恵子1, 植村香織2, 寺地徹2 (1. 京産大院・工, 2. 京産大・総合生命科学)
- P035 アグロバクテリウム法による *Begonia Semperflorens* における形質転換系の確立
☆下前和紀, 蛭谷早紀子, 矢口彰, 陳東波, 三位正洋 (千葉大・院園芸)
- P036 グルタミン酸脱水素酵素遺伝子 (*gdh1*) を葉緑体ゲノムに持つ組換えタバコの作出
☆大矢悠貴1, 寺地徹2 (1. 京産大院工, 2. 京産大総合生命科学)
- P037 アポミクシス性特異的遺伝子の機能解析—*ASG1::GFP* 遺伝子組換えシロイヌナズナを用いた PCR 解析と変異体検出—
☆内藤琢仁1, 西村佳子1, 鉄村琢哉2, 杉田亘3, 長田龍太郎3, 吉田薫4, 栗原大輔5, 東山哲也5, 陳蘭莊1 (1. 南九州大・環境園芸, 2. 宮崎大・農, 3. 宮崎県総合農業試験場, 4. 東京大・農, 5. 名古屋大・理)
- P038 アポミクシス性特異的遺伝子の機能解析—ギニアグラス成熟種子由来カルスからの効率的植物体再生—
☆梅木一馬, 西村佳子, 陳蘭莊 (南九州大・環境園芸)

04. 抵抗性・耐性

- P039 水稻の胴割れ耐性の新規評価法の開発
☆林 猛, 小林 麻子, 富田 桂 (福井県農業試験場)
- P040 リン酸欠乏下における根からシュートへの移行シグナルに関する研究
☆吉田 明希子 1,2, Zhang Zhaoliang2, 経塚 淳子 1, Lucas William John2 (1. 東京大学大学院 農学生命科学研究科, 2. University of California, Davis)
- P041 Transgenic tomato plants expressing two antifungal protein genes driven by a root-specific AtNRT2.1 promoter confer tolerance against root pathogen
☆ kong kynet, makabe so, ntui V.O, khan R.S, nakamura ikuo (千葉大学 園芸学研究所)
- P042 ハクサイ類由来の根こぶ病抵抗性遺伝子を有する合成ナプスと西洋ナタネの F₁における根こぶ病抵抗性
○小原 隆由, 柿崎 智博, 吹野 伸子, 畠山 勝徳, 松元 哲, 石田 正彦 (農研機構・野菜茶研)
- P043 ダイズシストセンチュウ・レース 1 抵抗性と新たに報告された *Rhg4* 遺伝子の関係
○鈴木 千賀, 山下 陽子, 小倉 玲奈 (道総研中央農試)
- P044 イモゾウムシに対するサツマイモの品種抵抗性評価 I. 成虫による塊根選好性と塊根上の幼虫発生
☆岡田 吉弘 1, 市瀬 克也 2, 境 哲文 3, 吉田 陸浩 1, 吉永 優 3 (1. 九沖農研セ, 2. 九沖農研セ糸満, 3. 九沖農研セ都城)
- P045 塩ストレス下のデュラム小麦の遺伝資源間の遺伝的多様性
☆トリキナジラ 1, シェザドタリク 1, ハラビ モンシフ 2, 奥野 員敏 1 (1. 筑波大学 生命環境系, 2. 栽培の国立研究所 チュニジア)
- P046 イネ穂ばらみ期耐冷性 QTL (*qCTB8*) 領域導入系統群の特性
○黒木 慎 1, 池ヶ谷 智仁 2, 松葉 修一 2, 横上 晴郁 2, 清水 博之 2, 佐藤 裕 2, 斎藤 浩二 3 (1. 農研機構作物研究所, 2. 農研機構北海道農研, 3. 農研機構中央農研)
- P047 *Oryza meridionalis* の染色体断片導入系統群を用いた高温登熟耐性 QTL の探索
○平林 秀介, 佐藤 宏之, 竹本 陽子, 竹内 善信 (農研機構・作物研究所)
- P048 水稻穂ばらみ期耐冷性遺伝子を集積した「ほしのゆめ」準同質遺伝子系統の開発
○松葉 修一 1, 黒木 慎 2, 池ヶ谷 智仁 1, 横上 晴郁 1, 清水 博之 1, 斎藤 浩二 3 (1. 農研機構・北海道農研, 2. 農研機構・作物研, 3. 農研機構・中央農研)
- P049 東北・関東地域の津波被災水田に適する耐塩性飼料用水稲系統の開発
○竹内 善信, 小林 伸哉, 荒井 (三王) 裕見子, 竹本 陽子, 加藤 浩, 近藤 始彦, 根本 博 (農研機構 作物研究所)
- P050 イネ品種ひとめぼれの穂ばらみ期耐冷性に関する遺伝解析と遺伝子探索
☆山村 香織 1, 坂園 聡美 1, 前田 隼輔 1, 藤岡 智明 2, 鈴木 (増子) 潤美 1, 永野 邦明 3, 遠藤 貴司 4, 佐伯 研一 4, 寺内 良平 5, 矢野 健太郎 6, 鈴木 剛 7, 諏訪部 圭太 2, 渡辺 正夫 1 (1. 東北大学大学院 生命科学研究科, 2. 三重大学生物資源学研究所, 3. 宮城県北部地方振興事務所, 4. 宮城県古川農業試験場, 5. 岩手生物工学研究所, 6. 明治大学農学部, 7. 大阪教育大学自然科学研究専攻)
- P051 炭酸塩ストレスが高等植物に与える影響
☆小林 紫緒, 高野 哲夫 (東大アジアセンター)
- P052 Enhancement of wheat tolerance to aluminum by adding chromosomes from the wild wheat-relative *Leymus racemosus*
Mohammed Yasir Serag Alnor1, Elayeb Amin Elsadig2, ○Tsujiyama Hisashi3 (1. United Graduate School of Agricultural Sciences, Tottori University, 2. Arid Land Research Center, Tottori University, 3. Arid Land Research Center, Tottori University)
- P053 イネ属の A ゲノム野生種における *OsHMA3* 遺伝子の進化とカドミウム移行の多様性
☆熊谷 さおり 1, 堀川 悠佑 2, 中島 (相馬) 美紗子 2, 佐藤 (永澤) 奈美子 2, 櫻井 健二 2, 高橋 秀和 2, 渡辺 明夫 2, 赤木 宏守 2 (1. 秋田県立大院生物資源, 2. 秋田県立第生物資源)
- P054 ヘビノゴザにおける Ca 代謝と Cd 耐性 - A C A 遺伝子の単離と Ca および Cd 応答性について -
☆鶴飼 優子 1,2, 北崎 一義 2, 北崎 真由 1,2, 橋田 慎之介 2, 庄子和博 2, 後藤 文之 2, 島田 浩章 1, 吉原 利一 1,2 (1. 東理大 基礎工, 2. 電中研)
- P055 シロイヌナズナにおける、推定の Major Facilitator Superfamily タンパク質 AtSIM1 と AtSIM2 の機能解析
☆李 学佳, 高野 哲夫 (東京大学アジア生物資源環境研究センター)
- P056 温度と光に反応したダイコンの種子発芽制御
☆中村 淳, 吉野 幸則, 斎藤 光紀, 佐田 貴彦, 伊藤 隆志, 立石 亮, 窪田 聡, 野村 和成 (日本大生物資源)
- P057 耐冷性の異なるイネ品種間の葍における miRNA 発現プロファイルの比較
☆前田 隼輔 1, 坂園 聡美 1, 矢野 健太郎 2, 山村 香織 1, 鈴木 (増子) 潤美 1, 藤岡 智明 3, 永野 邦明 4, 遠藤 貴司 5, 佐伯 研一 5, 牧野 周 6, 寺内 良平 7, 鈴木 剛 8, 諏訪部 圭太 3, 渡辺 正夫 1 (1. 東北大・院生命, 2. 明治大・農, 3. 三重大・生物資源, 4. 宮城県北部地方振興事務所, 5. 宮城県古川農業試験場, 6. 東北大・農, 7. 岩手生工研, 8. 大阪教育大・自然)
- P058 イネ染色体断片置換系統で見られた褐色斑を抑制する因子の遺伝学的解析
○福田 篤徳, 杉本 和彦, 山本 敏矢, 矢野 昌裕 (独立行政法人 農業生物資源研究所)
- P059 春化関連遺伝子 *BvFL1* および *BvFT1* の発現量からみたテンサイの抽苔耐性の変異
☆黒田 洋輔, 田口 和憲, 岡崎 和之, 高橋 宙之 (北海道農業研究センター)

05. 品質成分・収量

- P060 黒大豆に含まれるプロアントシアニジン含量に関与する QTL**
○寺石 政義, Phommalth Siviengkhek, 石井 隆介, 築山 拓司, 奥本 裕 (京都大学大学院農学研究科)
- P061 コシヒカリの良食味遺伝子の単離・同定に向けた評価法の開発**
○鈴木 啓太郎 1, 岡咲 洋三 2, 堀 清純 3, 竹内 善信 1 (1. (独) 農研機構 作物研究所, 2. (独) 理化学研究所, 3. (独) 農業生物資源研究所)
- P062 コシヒカリの良食味遺伝子に関連するメタボローム解析**
○岡咲 洋三 1, 鈴木 啓太郎 2, 堀 清純 3, 松田 史生 1, 草野 都 1, 中林 亮 1, 及川 彰 1, 斉藤 和季 1,4, 竹内 善信 2 (1. 理研 PSC, 2. 農研機構作物研, 3. 生物研, 4. 千葉大院薬)
- P063 空育 162 号由来のアミロース含有率を制御する遺伝子座のファインマッピング**
○竹本 陽子 1, 竹内 善信 1, 平林 秀介 1, 安東 郁男 2 (1. 農研機構作物研, 2. 農研機構九沖農研)
- P064 第 3 染色体短腕に座乗するコシヒカリの良食味 QTL のファインマッピング**
☆堀 清純 1, 竹内 善信 2, 竹本 陽子 2, 佐藤 宏之 2, 平林 秀介 2, 太田 久稔 3, 安東 郁男 4, 加藤 浩 2, 根本 博 2, 井辺 時雄 5, 矢野 昌裕 1 (1. 生物研, 2. 農研機構作物研, 3. 農研機構東北農研, 4. 農研機構九沖農研, 5. 農研機構)
- P065 炊飯米の白さは精米で効率的に評価できる**
☆小木 芳恵 1, 七夕 高也 2, 富田 桂 1, 小林 麻子 1 (1. 福井県農業試験場, 2. 理研・PSC)
- P066 超低リノレン酸ダイズ系統の作出**
○穴井 豊昭, 渡邊 啓史, 高木 胖 (佐賀大学 農学部)
- P067 カルコフロール溶液を用いた簡易検定手法による高 β -グルカン含有大麦系統の選抜**
○一ノ瀬 靖則, 金子 成延, 小前 幸三 ((独) 農研機構 作物研究所)
- P068 チャのカフェインレス系統におけるカフェイン合成酵素遺伝子の構造および発現**
山田 哲也 1, 金井 美樹 2, ○山本 将之 1, 若杉 達也 1, 荻野 暁子 3, 山田 恭司 1 (1. 富山大・院・理工, 2. 富山大・理, 3. 農研機構・野菜茶業研究所)
- P069 野生イネイントログレッション系統の玄米中元素濃度分析**
☆大森 良弘, 藤原 徹 (東大院・農学生命科学)
- P070 組換え型自殖系統を用いたキュウリ果実形態の QTL 解析**
○吉岡 洋輔 1, 吹野 伸子 1, 坂田 好輝 2, 杉山 充啓 1, 下村 晃一郎 1 (1. 農研機構野菜茶研, 2. 農研機構九沖農研)
- P071 イネ高温登熟による乳白粒発生メカニズムの解析: α -アミラーゼ遺伝子の過剰発現が玄米外観およびデンプン粒形態に及ぼす影響**
☆宮下 朋美 1, 羽方 誠 1, 黒田 昌治 1, 山口 武 1, 三ツ井 敏明 2, 山川 博幹 1 (1. 農研機構・中央農研北陸センター, 2. 新潟大学)
- P072 超多粒系統, NP-6 における 1 穂穎花数増加に関与する QTL の集積がシンクおよびソース器官に与える影響**
☆池田 真由子 1, 森中 洋一 1, 保浦 徳昇 1, 土井 一行 2, 芦荻 基行 1, 松岡 信 1, 北野 英己 1 (1. 名大生物機能開発利用研究センター, 2. 名大院生命農学)
- P073 イネの長穂性を制御する QTL における候補遺伝子の同定**
☆保浦 徳昇 1, 安藤 考紀 2, 藤城 靖子 2, 池田 真由子 1, 芦荻 基行 1, 松岡 信 1, 土井 一行 2, 北野 英己 1 (1. 名大生物機能開発利用研究センター, 2. 名大院生命農学)
- P074 NERICA の親系統 WAB181-18 を用いた形態形質に関する遺伝学的解析**
☆武田 泰実 1, 保浦 徳昇 2, 榎原 大悟 3, 土井 一行 1, 北野 英己 2 (1. 名大院生命農学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター, 3. 名大農国センター)
- P075 ホウレンソウの補光栽培における成長促進効果の品種間差異**
☆北崎 一義, 庄子 和博, 後藤 文之, 橋田 慎之介, 吉原 利一 (電力中央研究所)
- P076 ススキ *Hdi* 遺伝子におけるパラログ構造**
○長野 宏則, 内野 紀彦, 山田 敏彦 (北海道大学北方生物圏フィールド科学センター)
- P077 高バイオマスイネを用いた茎葉部諸形質に関わる QTL 解析**
☆國島 健 1, 保浦 徳昇 2, 北野 英己 2 (1. 名古屋大・農学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター)
- P078 スベルタコムギとパンコムギにおける競争力とアレロパシー能力における遺伝変異**
○林 和希 1, 山口 慎司 1, 河原 太八 2, 三浦 秀穂 1, 大西 一光 1 (1. 帯広畜産大学, 2. 京都大学)
- P079 コムギ starch synthase IIa 同祖遺伝子の欠損型変異系統から得られたデンプンの特性解析**
○猪熊 貴之 1, 藤田 雅也 2, 新畑 智也 1, Ai Yongfeng 3, Vrinten Patricia 4, 春原 愛 1, 齊藤 美香 5, 瀧屋 俊幸 1, Jane Jay-lin 3, 中村 俊樹 5 (1. 日本製粉 (株) 中央研究所, 2. 農研機構 九州沖縄農研, 3. Dept. Food Sci. Human Nutr., Iowa State Univ., 4. Bioriginal Food and Science Corp., 5. 農研機構東北農研)
- P081 精米から炊飯米の「白さ」を推定する手法の検討**
☆後藤 元 1, 浅野 目 謙之 2, 鈴木 啓太郎 3, 佐野 智義 1, 齋藤 寛 1, 阿部 洋平 1, 中場 勝 1 (1. 山形県農総研セ水田農試, 2. 山形県農総研セ, 3. 農研機構 作物研究所)

P082 サクラソウ花弁色素量の品種間変異との年次間安定性
☆橋本 奈々 1, 岩科 司 2, 大澤 良 1 (1. 筑波大院生命環境, 2. 国立科博・植物)

06. 発生

- P084 短粒で矮性を示すイネ 3 量体 G タンパク質 α サブユニット欠損変異体 (*d1*) とブラシノステロイド関連変異体の組織学的な形態の比較
☆瀬上 修平 1, 井沢 有希 1, 香野 みずき 1, 北野 英己 2, 三浦 孝太郎 1, 岩崎 行玄 1 (1. 福井県立大学生物資源, 2. 名古屋大学生物機能開発利用研究センター)
- P085 倍数性コムギにおけるクラス D MADS ボックス遺伝子の同祖遺伝子発現パターンの変異
☆田中 美久, 田中 紘子, 加藤 啓介, 北川 哲, 村井 耕二 (福井県立大学生物資源学部)
- P086 シロツメクサ多葉性変異株における複葉形成の解析
☆瀬川 香, 堤 賢一, 斎藤 靖史 (岩手大・農・寒冷バイオフィロンティア)
- P087 イネの葉の形態形成に異常を示す *leaf lateral symmetry1* 変異体の解析
☆本田 恵倫子, Yew Chow Lih, 長戸 康郎, 伊藤 純一 (東大院農学生命科学)
- P088 イネの葉間期制御における *PLASTOCHRON* 遺伝子と *OsSPL* 遺伝子との関係
☆三村 真生, Luo Le, 経塚 淳子, 長戸 康郎, 伊藤 純一 (東大院農学生命科学)
- P089 一粒系コムギの極早生突然変異体 (*extra early-flowering*) における花成形成質と花成関連遺伝子の発現パターンの解析
☆西浦 愛子 1, 風間 裕介 3, 阿部 知子 2, 新田 みゆき 4, 那須田 周平 4, 村井 耕二 1 (1. 福井県大・生物資源, 2. 理研・仁科センター, 3. 理研・イノベーションセンター, 4. 京大・院農)
- P090 イネ科植物の澱粉粒の形状多様性についての研究
☆松島 良, 山下 純, 前川 雅彦, 坂本 亘 (岡山大学資源植物科学研究所)

07. 増殖・生殖

- P091 ホウレンソウにおける雄特異的ゲノム領域の構造解析
織田 裕二 1, 小野寺 康之 1, 豊田 敦 2, 山本 将之 3, 三上 哲夫 1 (1. 北大院農, 2. 遺伝研, 3. 富山大・院・理工)
- P092 リンドウの未受精胚珠培養における遺伝子型の影響
☆土井 寿子 1, 星 伸枝 2, 横井 修司 1, 高畑 義人 1 (1. 岩手大学農学部, 2. 岩手県農業研究センター)
- P093 肥後菊における培養系の確立およびシュート形成過程の組織学的観察
☆佐藤 越萌, 松田 靖, 村田 達郎 (東海大学農学部)
- P094 デンプン高蓄積イネ培養細胞の解析
☆松野 幸也, 藤村 達人 (筑波大・院生命環境科学)
- P095 *Brassica rapa* 自家和合性変異体 *TSC4* の QTL 解析
☆古武城 由貴 1, 坂園 聡美 1, 大坂 正明 1, 高山 誠司 2, Yong Pyo Lim 3, 鈴木 剛 4, 諏訪部 圭太 5, 渡辺 正夫 1 (1. 東北大・院生命, 2. 奈良先端・バイオサイエンス, 3. 忠南大学, 4. 大阪教育大・自然科学, 5. 三重大・生物資源)
- P096 テンサイ Owen 型細胞質雄性不稔性に働く新規の花粉稔性回復遺伝子 *Rf2* 座乗領域の塩基配列解析
☆本間 雄二期 1, 田口 和憲 2, 樋山 肇 1, 栗野 里香 1, 久保 友彦 1, 三上 哲夫 1 (1. 北海道大学大学院農学院 生物資源科学科遺伝子制御学研究室, 2. 北海道農業研究センター)
- P097 イネ胚乳発達初期で発現する F-box タンパク質の細胞内局在・相互作用因子の解析
☆藤原 奈津美, 堤 賢一, 斎藤 靖史 (岩手大学・農・寒冷バイオフィロンティア)
- P098 High-throughput SuperSAGE 法によるニガウリ花芽のトランスクリプトーム解析
○浦崎 直也 1, 宮城 徳道 1, 谷合 直樹 1, 太郎 良和 彦 1, 首藤 亜耶乃 1, 護得久 聡子 1, 福島 舞 2, 松村 英生 2 (1. 沖縄県農業研究センター, 2. 信州大学遺伝子実験センター)

08. ゲノム解析・DNA マーカー

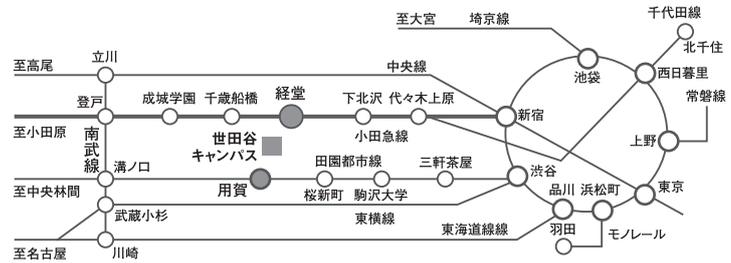
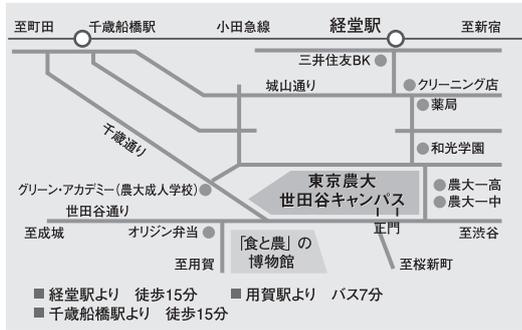
- P099 キュウリおよびその近縁種における主要品種の染色体識別に有効な分子マーカーの選抜
○星 良和 1, 上籠 光 2, 城戸 美智子 2, 田頭 紀和 3, Płader Wojciech 4, Malepszy Stefan 4, 森川 充実 1, 山本 義郎 5 (1. 東海大・農, 2. 東海大・院農, 3. 広島女学院大・国際教養, 4. ワルシャワ農大・園芸, 5. 東海大・理)

- P100 シクラメン八重咲き関連遺伝子変異の解析と DNA マーカーとしての育種利用
☆有賀大輔 1, 杉山 正夫 1, 田中 悠里 1, 長谷川 久和 1, 大坪 憲弘 2, 寺川 輝彦 1 (1. 北興化学・開発研, 2. 農研機構・花き研)
- P101 クラスター状に染色体に分布する Revolver トランスポゾンの多様な PCR 産物
○富田 因則, 田中 恵理 (鳥取大・農)
- P102 Comparison of transcriptomes between newly synthesized triploid and its amphidiploidized wheat maintained through long-term self-pollinations
○鄭 蓮珠, 川浦 香奈子, 岸井 正浩, 佐藤 伸一, 荻原 保成 (横浜市立大学 木原生物研究所)
- P103 パパイア Yh、Y 染色体の配列構造の比較
☆上野 広樹 1, 浦崎 直也 2, 吉田 健太郎 3, 夏目 俊 3, 太郎良 和彦 2, 首藤 亜耶乃 2, 寺内 良平 2, 松村 英生 4 (1. 信大院 総研科, 2. 沖縄県農研セ, 3. 岩手県生物工学研究センター, 4. 信大 遺伝子)
- P104 QTL Analysis of Spike Morphology, Threshability, and Brittleness in Common Wheat *Triticum aestivum* L.
○Katkout Mazen 1, 岸井 正浩 1, 川浦 香奈子 1, 三科 興平 1, 梅田 加寿子 1, 宅見 薫雄 2, 荻原 保成 1 (1. 横浜市立大学木原生物学研究所, 2. 神戸大学)
- P105 少分げつ品種「嘉平」のもつ分げつを制御する QTL の検出
☆清水 義弘, 瀬上 修平, 佐々木 実奈美, 中村 麻由美, 杉田 伊澄, 松村 美里, 岩崎 行玄, 三浦 孝太郎 (福井県立大学)
- P106 ナタネ A05 染色体に存在するミトコンドリアプラスミドに関する QTL 領域の精密化と周辺領域の構造
☆大嶋 雅夫 1, 半田 裕一 2 (1. 筑波大生命環境, 2. 農業生物資源研)
- P107 タルホコムギの突然変異遺伝子 *triple glume* のマッピング
○雨谷 弓弥子, 久保山 勉, 渡部 信義 (茨城大・農)
- P108 イネ種子におけるグルテリンの細胞内輸送に関する *GLUP7* 遺伝子の連鎖地図の構築
○北原 真衣, 田代 康介, 熊丸 敏博 (九州大学大学院 生物資源環境科学府)
- P109 ナス単為結果性遺伝子 *Cop8.1* をカバーする BAC クローンの配列決定と候補遺伝子の推定
○宮武 宏治, 齊藤 猛雄, 根来 里美, 山口 博隆, 布目 司, 大山 暁男, 福岡 浩之 (農研機構・野菜茶研)
- P110 ハクサイ根こぶ病抵抗性遺伝子座 *CRa* の研究
○前沢 みなみ 1, 上野 広樹 2, 松本 悦夫 3, 有賀 大輔 2, 北川 哲 1, 松村 英生 4, 林田 信明 5 (1. 信大院工研科, 2. 信大院総研科, 3. 長野野花試, 4. 信大遺伝子, 5. 信大応生系)
- P111 EST-SSR と EST-SNP を用いたアサガオ連鎖地図の作成
☆伊東 拓朗 1, 奥野 董 1, 勝山 弘章 1, 森山 拳斗 1, 仁田坂 英二 2, 星野 敦 3, 飯田 滋 4, 福岡 浩之 5, 磯部 祥子 6, 佐藤 修正 6, 渡部 信義 1, 久保山 勉 1 (1. 茨城大農, 2. 九州大学大学院理学研究院, 3. 基生研, 4. 静岡県立大生活健康科学研究科・薬学研究科, 5. 農研機構・野菜茶研, 6. かずさ DNA 研)
- P112 シンビジウム品種内判別のための DNA マーク開発
○古川 浩二 1, 阿部 知子 2, 田畑 哲之 3, 松山 知樹 4 (1. 株式会社向山蘭園, 2. 理研・仁科センター, 3. かずさ DNA 研究所, 4. 理研・基幹研)
- P113 イチゴ SSR マーカーの開発
☆松本 雄一 1, 寺門 巖 1, 2, 山本 俊哉 3, 宮城 慎 1, 4, 石井 亮二 1 (1. 茨城農総生工研, 2. 茨城県立農大, 3. 農研機構・果樹研, 4. 茨城県農林水産部)
- P114 ダイコン 2 品種の次世代ゲノムシークエンスデータを利用した SSR マーカー作成
☆安食 政史, 川邊 隆大, 福島 亜紀, 北柴 大泰, 西尾 剛 (東北大院・農学)

09. 分子育種・網羅的解析

- P115 トマト ADP-glucose pyrophosphorylase *Agp51* 遺伝子の発現様式の解明
☆後藤 幸久 1, 小岩 央幸 1, 尹 永根 1, 2, 野中 聡子 1, 江面 浩 1, 松倉 千昭 1 (1. 筑波大・院生命環境, 2. 原子力機構・高崎)
- P116 タンパク質の翻訳における終止コドン認識に関するイネ *ESP1/eRF1* の機能解析
☆山城 憲子, 牛島 智一, 熊丸 敏博 (九州大学 生物資源環境科学府)
- P117 窒素欠乏にตอบสนองして変動するストリゴラクトン関連遺伝子の発現解析
菊池 沙安, ○梅原 三貴久 (東洋大学生命科学部 応用生物科学科)
- P118 形質転換イネを用いたコムギ *WAP2* 同祖遺伝子間の機能の比較解析 II . 穂の形態変化
☆櫻井 徳康, 川浦 香奈子, 石黒 郁美, 一色 正之, 荻原 保成 (横浜市大・木原生研)
- P119 モデル植物の遺伝子発現ネットワーク情報を活用した大規模な種間比較解析
☆小林 正明 1, 朽木 大器 1, 原田 清令 1, 土田 博子 1, 菊江 佳世子 1, 五十嵐 香理 1, 鈴木 貴之 1, 佐々木 陽平 1, 高野 知之 1, 横山 幸治 1, 吉田 有希 1, 千葉 洋 2, 多田 欣史 2, 清水 顕史 3, 安益 公一郎 4, 松岡 信 4, 渡辺 正夫 5, 諏訪部 圭太 6, 矢野 健太郎 1 (1. 明治大・農学, 2. 東北化学薬品株式会社, 3. 滋賀県立大・環境科学, 4. 名古屋大・生物機能開発利用研究センター, 5. 東北大・院・生命科学, 6. 三重大・院・生物資源学)
- P120 トマト *SlVirp1* エピ変異体の獲得とその特性
☆葛西 厚史, 北條 初音, 佐野 輝男, 原田 竹雄 (弘前大学農学生命科学部)

講演会場へのアクセス



電車

- ・小田急電車（新宿方面から）「経堂」下車 徒歩20分「経堂門」
- ・小田急電車（町田方面から）「千歳船橋」下車 徒歩15分「桜丘門」

バス

渋谷駅から

- ・渋谷駅西口バス34番乗り場
東急バス「渋23」系統 祖師ヶ谷大蔵駅行き「農大前」下車 徒歩1分「正門」
- ・渋谷駅西口バス3番乗り場
小田急バス・東急バス「渋24」系統 成城学園前駅行き「農大前」下車 徒歩1分「正門」
- ・渋谷駅西口バス3番乗り場
小田急バス「渋26」系統 調布駅南口行き「農大前」下車 徒歩1分「正門」

千歳船橋駅から

- ・千歳船橋駅前バス乗り場B
東急バス「用01」系統 用賀駅行き「農大成人学校前」下車 徒歩1分「桜丘門」
- ・千歳船橋駅前バス乗り場B
東急バス「渋23」系統 渋谷駅行き「農大成人学校前」下車 徒歩1分「桜丘門」

東急三軒茶屋駅から

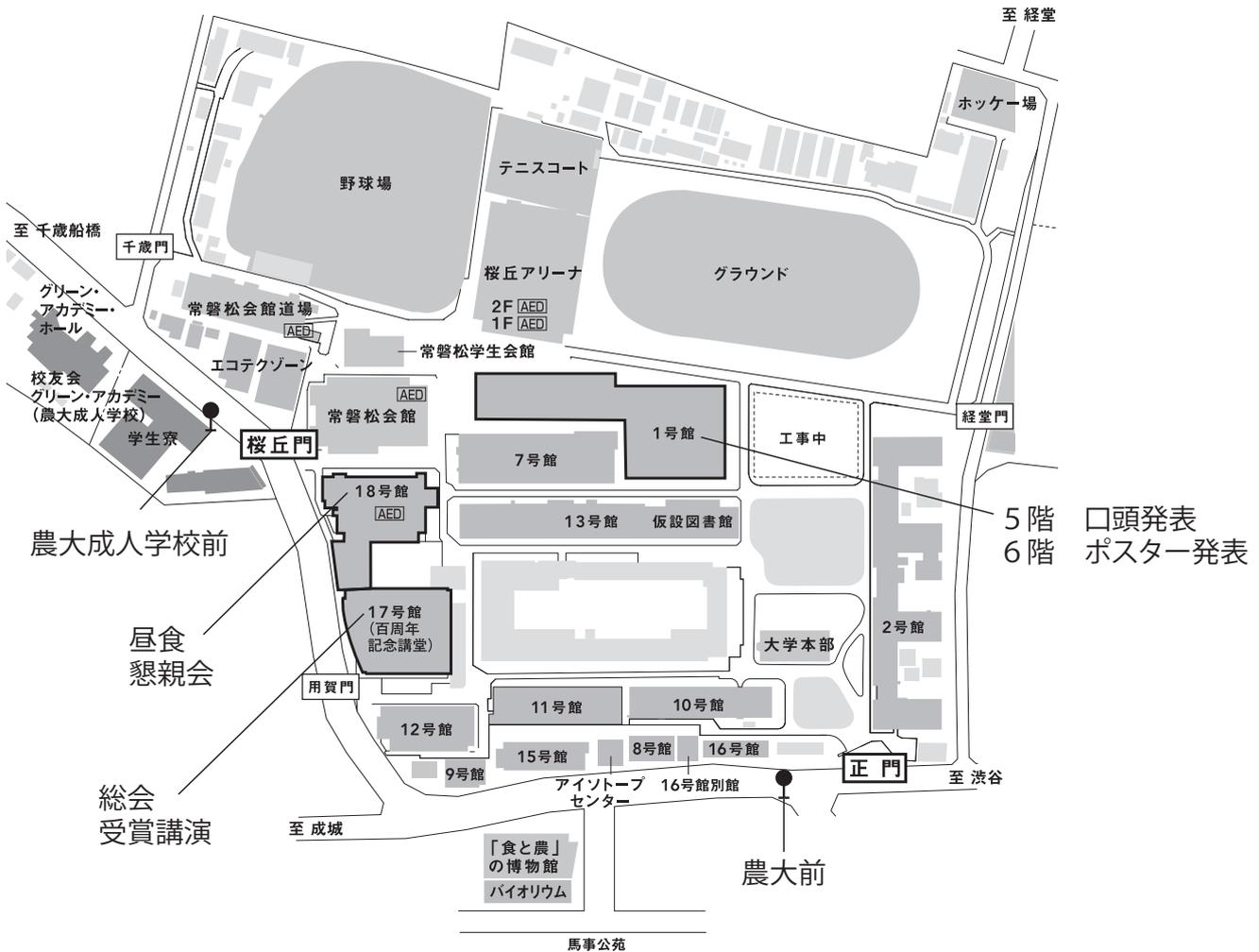
- ・東急三軒茶屋駅前バス7番乗り場
東急バス「渋23」系統 祖師ヶ谷大蔵駅行き「農大前」下車 徒歩1分「正門」、または「農大成人学校前」下車 徒歩1分「桜丘門」

東急用賀駅から

- ・東急用賀駅前バス2番乗り場
東急バス「用01」系統 祖師ヶ谷大蔵駅行き「農大成人学校前」下車 徒歩1分「桜丘門」

なお会場には駐車場はありません。 乗用車でのご来場はご遠慮ください。

講演会場案内図



5階 口頭発表
6階 ポスター発表

総会
受賞講演

昼食
懇親会

農大成人学校前

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

野球場

常磐松会館道場

常磐松学生会館

常磐松会館

エコテクゾーン

学生会寮

校友会
グリーン・アカデミー
(農大成人学校)

グリーン・
アカデミー・
ホール

至 千歳船橋

千歳門

工事中

大学本部

2号館

13号館 仮設図書館

1号館

7号館

18号館

17号館
(百周年
記念講堂)

用賀門

12号館

11号館

10号館

9号館

15号館

8号館

16号館

16号館別館

至 成城

至 渋谷

桜丘門

正門

農大前

馬事公苑

アイソトープ
センター

「食と農」
の博物館
バイオリウム

至 成城

至 渋谷

経堂門

至 経堂

ホッケー場

グラウンド

桜丘アリーナ

テニスコート

講演会場案内図

