

一般社団法人日本育種学会 第133回講演会プログラム
2018年春季 九州大学

3月24日 (土)	午後	代議員会 15:00-18:00 (農学部1号館6階大会議室)
--------------	----	---------------------------------

3月25日 (日)	午前	受付 8:00 開始 (文系地区 共通講義棟1階)					
		第1会場	第2会場	第3会場	第4会場	第5会場	第6会場
		101	102	201	202	301	302
		ゲノム解析・ ゲノム育種 101-112 9:00-12:00	オミクス・データベース 201-203 9:00-9:45	品種育成・ 遺伝資源 301-311 9:00-11:45	収量・品質 401-412 9:00-12:00	育種法・ 育種技術 501-512 9:00-12:00	発生・生理 601-609 9:00-11:15
			抵抗性・耐性 204 9:45-10:00				
			オミクス・データベース 205-207 10:00-10:45				
			抵抗性・耐性 208-212 10:45-12:00				増殖・生殖 610-611 11:15-11:45
		総会・学会賞授賞式 13:00-14:05 (文系地区 大講義室)					
		午後	学会賞受賞講演 14:15-17:30 (文系地区 大講義室)				
	学会賞						
	14:15-14:50		◎遺伝資源を利用したダイズの開花および伸育性に関する分子遺伝学的研究 阿部 純(北海道大学大学院農学研究院)				
	14:50-15:25		◎北海道の栽培に適したジャガイモシストセンチュウ抵抗性、生食・調理加工用品種「キタアカリ」「とうや」「さやか」の育成 農研機構北海道農業研究センター バレイショ育種グループ(代表者:森 元幸)				
	15:25-16:00		◎欧州ブドウの食味を持ち、栽培容易な大粒ブドウ品種「シャインマスカット」の育成 農研機構・果樹茶業研究部門 ブドウ「シャインマスカット」育成グループ(代表者:山田 昌彦)				
	奨励賞						
	16:15-16:40		◎インド型イネに関する収量性関連遺伝子の同定と改良 藤田 大輔(佐賀大学農学部)				
	16:40-17:05		◎高速シーケンサーによるレトロトランスポゾン遺伝解析技術の開発とその活用 門田 有希(岡山大学大学院環境生命科学研究科)				
	17:05-17:30		◎イネの栄養応答機構解明のための遺伝子発現情報基盤の構築と応用研究への展開 竹久 妃奈子(農研機構 次世代作物開発研究センター)				
	懇親会 18:20-20:20 (福岡リーセントホテル2階 舞鶴の間)						

3月26日 (月)	午前	受付 8:00 開始 (文系地区 共通講義棟1階および福岡リーセントホテル2階 舞鶴の間)					
		ポスター発表 9:00-12:00 (福岡リーセントホテル2階 舞鶴の間) 奇数番号発表 9:30-10:30 偶数番号発表 10:30-11:30					
	午後	第1会場	第2会場	第3会場	第4会場	第5会場	第6会場
		101	102	201	202	301	302
		ゲノム解析・ ゲノム育種 113-118 13:30-15:00	抵抗性・耐性 213-219 13:30-15:15	品種育成・ 遺伝資源 312-318 13:30-15:15	収量・品質 413-419 13:30-15:15	遺伝子機能 513-518 13:30-15:00	増殖・生殖 612-617 13:30-15:00
		グループ研究集会 第47回 生物進化・細胞遺伝談話会 / 遺伝資源海外調査の現状と課題(18) 共同開催 15:30-17:30					

3月25日(日)午前 口頭発表プログラム							
3月25日	第1会場 (101)		第2会場 (102)		第3会場 (201)		
	◆座長 久野 裕 (岡山大・資源植物科学研究所)		◆座長 井澤 毅 (東大・院・農学生命科学)		◆座長 島村 聡 (農研機構・東北農研)		
9:00	101	トウジンビエ系統間における塩ストレス応答の de novo トランスクリプトームプロファイリング ☆ Harshraj Shinde ¹ , 田中 恵介 ² , Ambika Dudhate ¹ , 津釜 大侑 ³ , 柳 参奎 ⁴ , 高野 哲夫 ¹ (1. 東京大学アジア生物資源環境研究センター 環境ストレス耐性機構研究室, 2. 東京農大学生物資源ゲノム解析センター, 3. 北海道大学, 4. 中国東北林業大学)	201	RNA-Seqに基づく国内オオムギ品種多様性解析と育種利用 ○田中 剛 ¹ , 石川 吾郎 ¹ , 小木曾 映里 ¹ , 柳澤 貴司 ¹ , 佐藤 和広 ² (1. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 2. 岡山大・植物研)	301	4 遺伝子集積水稻品種「岩手 117 号」に新たに早生遺伝子を導入して育成した系統の出穂特性と食味特性 ○仲條 真介 ¹ , 阿部 陽 ² , 上村 豊和 ³ , 齊藤 智宏 ¹ , 中西 商量 ⁴ , 小館 琢磨 ¹ , 太田 裕貴 ¹ (1. 岩手農研セ, 2. 岩手生工研, 3. 青森産技セ, 4. 岩手中央農改セ)	
9:15	102	異なる環境における作物成長の統合的解析に向けて: 生育モデルを通じたイネ成長形質の遺伝解析 ☆戸田 悠介 ¹ , 若月 ひとみ ² , 鐘ヶ江 弘美 ¹ , 山崎 将紀 ³ , 吉岡 拓磨 ³ , 江花 薫子 ⁴ , 林 武司 ⁵ , 中川 博規 ² , 長谷川 利雄 ⁶ , 岩田 洋佳 ¹ (1. 東京大・院農学生命科学, 2. 農環研, 3. 神戸大・院農附属食資源センター, 4. 農研機構・遺伝資源センター, 5. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 6. 農研機構・東北農業研究センター)	202	RNA-seq データに基づく一粒系コムギのゲノムワイド多型の検出とその利用 ☆道川 麻美 ¹ , 吉田 健太郎 ¹ , 佐藤 和広 ² , 宅見 薫雄 ¹ (1. 神戸大院農, 2. 岡山大植物研)	302	DNA マーカーを用いた山形県大江町の伝統工芸作物「青苧」の遺伝的多様性の解明 ☆西田 悠希 ¹ , 村上 弘子 ² , 高橋 里奈 ³ , 松田 淳一 ⁴ , 笹沼 恒男 ¹ (1. 山形大・農, 2. 青苧復活夢見隊, 3. 大江町地域おこし協力隊, 4. 大江町教育委員会)	
9:30	103	普通ソバにおける AmpliSeq を利用した効率的な遺伝解析 ☆竹島 亮馬 ¹ , 小木曾 映里 ¹ , 安井 康夫 ² , 松井 勝弘 ¹ (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 京都大・院農)	203	MinION を用いた食用アスパラガスゲノムのリシーケンシング ☆津釜 大侑, 藤野 介延 (北大・院農)	303	アジアとオーストラリアの野生イネ間の雑種第一代で見出された雑種黄化原因遺伝子の連鎖分析 保木 良太 ¹ , 植村 真郷 ¹ , 池本 悠一郎 ¹ , 田浦 悟 ² , ○一谷 勝之 ¹ (1. 鹿大・農学, 2. 鹿大・遺伝子実験施設)	
9:45	104	大玉トマト品種群の全ゲノム配列関連解析 ○山本 英司 ^{1,2} , 松永 啓 ³ , 白澤 健太 ¹ , 磯部 祥子 ¹ (1. かずさ DNA 研究所, 2. JST さきがけ, 3. 農研機構・野菜花き部門)	204	ソナレシバのカリウムトランスポーターを発現する植物はカリウム肥料をナトリウムで代替して生育できる ○多田 雄一, 遠藤 千里, 来須 孝光 (東京工科大学 応用生物学部)	304	NBRP-KOMUGI 保有の世界のデュラム小麦 80 系統の福井県における栽培特性調査 ○村井 耕二 ¹ , 新田 みゆき ² , 竹中 祥太郎 ³ , 那須 田 周平 ² (1. 福井県大・生物資源, 2. 京大院・農, 3. 龍谷大・農)	
10:00	◆座長 木富 悠花 (農研機構・次世代作物開発研究セ)		◆座長 内藤 健 (農研機構)		◆座長 土井 一行 (名大・院・生命農学)		
	105	トマト組換え自殖系統群の全ゲノムリシーケンシングによる遺伝子型解析で明らかになったこと ○白澤 健太 ¹ , 遠藤 誠 ² , 田中 和幸 ² , 山本 英司 ¹ , 島中 誠 ² , 磯部 祥子 ¹ (1. かずさ DNA 研究所, 2. タキイ種苗)	205	全国 7 か所で複数年栽培したコシヒカリ葉サンプルのフィールドトランスクリプトームデータの環境応答モデル構築 ○井澤 毅 ^{1,2} , 松崎 潤 ² , 伊藤 博紀 ^{2,3} , コシヒカリ野外サンプリング 有志研究者 4 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 生物研, 3. 農研機構, 4. 地方農試・大学・農研機構)	305	中国青海省で収集したパンコムギ遺伝資源の基本農業形質及び製パン性関連形質に関する多様性評価 ○笹沼 恒男 ¹ , 澤田 小春 ¹ , 田中 裕之 ² , 佐藤 和広 ³ , 高田 兼則 ⁴ , 朱 明娟 ⁵ , 龍 春林 ⁵ (1. 山形大・農, 2. 鳥取大・農, 3. 岡山大・植物研, 4. 農研機構・西日本農研, 5. 中央民族大学)	
10:15	106	コムギ品種「しゅんよう」がもつ土壌伝染性ウイルス病抵抗性に関するゲノムワイド解析 ○石川 吾郎 ¹ , 小林 史典 ¹ , 前島 秀和 ² , 丸山 (上原) 泰 ² , 坂 紀邦 ³ , 鈴木 良地 ³ , 加藤 周平 ³ , 辻 孝子 ³ , 伊藤 幸司 ³ , 藤田 由美子 ¹ , 中村 和弘 ⁴ , 中村 俊樹 ⁵ (1. 農研機構 作物開発セ, 2. 長野県農業試験場, 3. 愛知県農業総合試験場, 4. 農研機構 九州沖縄農研, 5. 農研機構 東北農研)	206	野外栽培イネのフロリゲン遺伝子等の深層学習による環境応答モデリング ☆細貝 拓磨, 井澤 毅 (東大院農学生命科学)	306	RNA-seq データからみたエギロブス属 Sitopsis 節の種間関係とパンコムギ B ゲノムの起原 ☆三木 祐香 ¹ , 吉田 健太郎 ¹ , 佐藤 和広 ² , 宅見 薫雄 ¹ (1. 神戸大院農, 2. 岡山大植物研)	
10:30	107	野生イネ集団 (<i>Oryza rufipogon</i>) を用いた種子形質制御因子の GWAS 解析 ☆ Nhung Ta, 佐藤 (志水) 佐江, 高橋 (野坂) 実鈴, 鈴木 俊哉, 佐藤 豊 (国立遺伝学研究所)	207	小胞体ストレス応答に関わる AtbZIP28 のターゲット遺伝子解析 ○川勝 泰二, 林 晋平, 若佐 雄也 (農業・食品産業技術総合研究機構)	307	日本産タケ連植物の遺伝育種学的研究 XLII(42). クマザサの考察—分類学的系統、 <i>Sasa veitchii</i> , と日本文化の一般名称におけるクマザサについて ○村松 幹夫 (岡山大 名誉教授)	
10:45	108	種子休眠性遺伝子 <i>Qsd1</i> のコムギゲノムにおける配列的多様性 ○佐藤 和広 ¹ , 大西 一光 ² , 小松田 隆夫 ³ , 呉 健忠 ³ (1. 岡山大植物研, 2. 帯広畜産大, 3. 農研機構次世代作物研)	208	冠水耐性を指標としたコムギ・エギロブス属細胞質的多様性評価 ☆竹中 祥太郎, 山本 涼平, 中村 千春 (龍谷大学農学部植物生命科学科)	308	Evaluation of genetic diversity in Ethiopian rice cultivars based on nuclear and cytoplasmic DNA molecular markers ☆ Tadesse Lakew ^{1,2} , Ryuji Ishikawa ³ (1.UGAS, Iwate Univ., 2.Ethiopian Inst.of Agri.Res., Ethiopia, 3.ac. Agri. Life Sci., Hiroasaki Univ., Bunkyo-cho 3, Hiroasaki, Aomori, Japan))	
11:00	◆座長 山本 英司 (かずさ DNA 研究所)		◆座長 川勝 泰二 (農研機構・生物機能利用研究部門)		◆座長 山口 修 (福岡県農林業総合試験場)		
	109	複数のマーカーを同時にテストするための非線形カーネルベースの GWAS ☆濱崎 甲資 ¹ , 鐘ヶ江 弘美 ² , 岩田 洋佳 ² (1. 東大・農, 2. 東大院・農)	209	Constitutive aerenchyma formation in roots enhances tolerance of maize to oxygen deficiency stress ☆ Fangping Gong ^{1,2} , 高橋 宏和 ¹ , Wei Wang ² , 大森 史恵 ³ , 関野 吉郎 ³ , 中園 幹生 ¹ (1.Graduate School of Bioagricultural Sciences, Nagoya University, 2.Henan Agricultural University, 3.NARO Institute of Livestock and Grassland Science)	309	CRISPR/Cas9 により得られた GABA 高蓄積トマトの F1 品種素材としての評価 ☆李 貞恩 ¹ , 野中 聡子 ^{2,3} , 高山 真理子 ² , 江面 浩 ^{2,3} (1. 筑波大院・生命環境, 2. 筑波大・生命環境系, 3. 筑波大・T-PIRC)	
11:15	110	全ゲノム SNP を用いた GWAS における SNP-set 解析の可能性 ☆石森 元幸 ¹ , 鐘ヶ江 弘美 ¹ , 山崎 清志 ¹ , 高梨 秀樹 ¹ , 藤本 優 ¹ , 米田 淳一 ² , 徳永 毅 ² , 藤原 徹 ¹ , 堤 伸浩 ¹ , 岩田 洋佳 ¹ (1. 東京大・院農学生命科学, 2. アースノート (株))	210	国際標準判別いもち病菌菌系を用いたイネ抵抗性遺伝子の特徴づけ ○福田 善通 ¹ , 小林 杏子 ¹ , 林 長生 ² , 小林 伸哉 ³ (1. 国際農林水産業研究センター, 2. 農研機構生物機能利用部門, 3. 農研機構次世代作物開発研究センター)	310	ホワイトギニアヤムにおける農業および塊茎品質形質の遺伝的多様性 ○井関 洗太郎 ¹ , 松本 亮 ² , 山中 慎介 ¹ , 村中 聡 ¹ (1. 国際農林水産業研究センター, 2. 国際熱帯農業研究所)	
11:30	111	パンコムギ準等質遺伝子系統の RNA-seq 解析によるハイブリッドネクロシスの解析 ☆笠澄 望 ¹ , 吉田 健太郎 ¹ , 佐藤 和広 ² , 宅見 薫雄 ¹ (1. 神戸大院農, 2. 岡山大植物研)	211	イネ品種コシヒカリのイネ白葉枯病に対する反応 IV. インド型感受性品種 IR24 にコシヒカリを交配して作成した組換え型自殖系統の病斑伸長に関する QTL 解析 ○田浦 悟 ¹ , 島中 京介 ² , Constantine Busungu ³ , 川口 祥輝 ² , 一谷 勝之 ² (1. 鹿大 遺伝子, 2. 鹿大 農, 3. 鹿大 連大)	311	多収で加工適性に優れたインゲンマメ (金時類) 新品種「かちどき」の育成 ○中川 浩輔 ¹ , 齋藤 優介 ¹ , 奥山 昌隆 ² , 江部 成彦 ³ , 島田 尚典 ² , 佐藤 仁 ¹ (1. 道総研・十勝農試, 2. 道総研・北見農試, 3. 道総研・中央農試)	
11:45	112	出穂期が類似する北海道イネ品種間の交雑から生じた超越分離の遺伝的基礎 ☆太田 雄也 ¹ , 小出 陽平 ¹ , 内山 亮 ¹ , 坂口 俊太郎 ¹ , 手塚 あゆみ ² , 永野 淳 ² , 高牟禮 逸朗 ¹ , 貴島 祐治 ¹ (1. 北大・院農, 2. 龍谷大・農)	212	SNP アレイによるイネいもち病抵抗性に関する遺伝子型判別システムの開発 ☆北澤 則之 ¹ , 正村 純彦 ¹ , 水林 達実 ¹ , 安藤 露 ¹ , 永田 和史 ¹ , 林 長生 ² , 高橋 章 ² , 山内 歌子 ¹ , 福岡 修一 ¹ (1. 農研機構・作物開発センター, 2. 農研機構・生物機能部門)			

3月25日(日)午前 口頭発表プログラム						
第4会場 (202)		第5会場 (301)		第6会場 (302)	3月25日	
◆座長 佐藤 宏之 (農研機構・次世代作物開発研究セ)		◆座長 田口 和憲 (農研機構・北海道農研)		◆座長 西田 英隆 (岡山大・農)		
401	染色体断片置換系統群を用いた「タカナリ」と「コシヒカリ」の食味の違いに関するゲノム領域の推定 ○田中 淳一, 鈴木 啓太郎, 堀 清純 (農研機構次世代作物開発研究センター)	501	イネ無選抜エキゾーム解析による重イオンビーム誘発変異の解析 ☆市田 裕之, 森田 竜平, 白川 侑希, 林 依子, 阿部 知子 (理研・仁科センター)	601	イネの根端切除時における側根形態の可塑性の反応機構の解析 河合 翼 1, 児島 孝明 1, 山内 章 1, ○犬飼 義明 2,3 (1. 名大・院生命農学, 2. 名大・農学国際センター, 3. JST・さきがけ)	9:00
402	ガンマ線照射によるイネ多収変異系統の選抜2 ○加藤 浩, 李 鋒, 清水 明美 (農研機構 次世代作物開発研究センター 放射線育種場)	502	シロイヌナズナ変異体の全ゲノムリシーケンスで明らかにした突然変異誘発への LET の影響 ○風間 裕介 1, 石井 公太郎 1, 平野 智也 1,2, 若菜 妙子 1, 山田 美恵子 1, 大部 澄江 1, 阿部 知子 1 (1. 理研・仁科センター, 2. 宮崎大・農)	602	イネの <i>floral organ number2</i> 亢進変異体を用いたメリステム維持機構の解析 ☆鈴木 千絵, 田中 若奈, 平野 博之 (東大・院理)	9:15
403	イネ品種ハバタキの多収遺伝子座、 <i>Gn1a</i> 、 <i>SCM2</i> 、 <i>qSUP8</i> の窒素施肥に応じた収量構成要素への影響 ☆寺本 翔太 1, 北野 英己 2, 藤原 徹 1 (1. 東大院・農生科, 2. 名大・生物機能開発利用研究センター)	503	イネの他殖化ツール“Genome Mixer”を用いた連続的な他殖は人工気象器内的高速世代促進 (sBBS) 環境下でも実施できるか? ○谷口 洋二郎 1, 赤坂 舞子 2, 大嶋 雅夫 1,3, 田部 井 豊 1, 米丸 淳一 4, 田中 淳一 4 (1. 農研機構・生物機能利用研究部門, 2. 農研機構・東北農業研究センター, 3. 筑波大学・T-PIRC, 4. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	603	イネの腋芽形成におけるメリステム関連遺伝子の役割 ☆田中 若奈, 平野 博之 (東大・院理)	9:30
404	水稲新品種「いちほまれ」の食味特性 ☆町田 芳恵, 小林 麻子, 中岡 史裕, 両角 悠作, 富田 桂 (福井県農業試験場)	504	隠れマルコフモデルを用いたエラー修正による低コスト育種のための GBS バイブライニング構築 ☆古田 智敬, Reuscher Stefan, 芦刈 基行 (名古屋大学 生物機能開発利用研究センター 高次生体分子機能研究分野)	604	葉に多面的な異常がみられるイネ変異体の解析 ☆久保 文香 1, 安居 佑季子 1, 熊丸 敏博 2, 平野 博之 1 (1. 東大・院理, 2. 九大・院農)	9:45
◆座長 川本 朋彦 (秋田県農業試験場)		◆座長 古田 智敬 (名大・生物機能開発利用研究セ)		◆座長 犬飼 義明 (名大・農学国際教育協力研究セ)	10:00	
405	日本水稲品種群の米胚乳酵素活性量と炊飯食味形質の評価および遺伝子座の検出 ○堀 清純 1, 飯島 健 1, 鈴木 啓太郎 1, 辻井 良政 2, 木村 圭一 2, 朱 紅加 1, 江花 薫子 3, 高野 克己 2, 米丸 淳一 1 (1. 農研機構作物開発センター, 2. 東京農業大学, 3. 農研機構遺伝資源センター)	505	ジェノタイピングからゲノム選抜までの一連の解析を自動化する育種支援システムの構築 ☆小木 曾 映里, 矢部 志史理 (農研機構 次世代作物開発研究センター)	605	出穂期安定性が異なるオオムギ早生品種「カシマムギ」と「インシュクラズ」の RILs 集団における圃場出穂期の年次間比較 ○西田 英隆 1, 横田 真吾 1, 青木 恵美子 2, 加藤 鎌司 1 (1. 岡山大院環境生命, 2. 農研機構・作物開発センター)	
406	<i>Sucrose synthase 3 (Sus3)</i> の温度応答性アリルはイネに高温登熟耐性を付与する ☆竹原 佳那 1, 村田 和優 2, 山口 琢也 2, 山口 航平 1, 茶谷 弦輝 1, 木戸 慎太郎 1, 岩崎 行玄 1, 荻原 均 3, 蛭谷 武志 2, 三浦 孝太郎 1 (1. 福井県立大・生物資源, 2. 富山農林水産総合技術センター, 3. 農研機構・次世代作物開発研)	506	マルチスペクトルセンシング手法の改良とダイズ干ばつストレス応答の評価への適用 ☆佐々木 剛志 1, 戸田 悠介 1, 大森 良弘 1, 山崎 裕司 2, 高橋 宏和 3, 高梨 秀樹 1, 津田 麻衣 4, 辻本 壽 2, 加賀 秋人 5, 中国 幹生 3, 藤原 徹 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 鳥取大・乾燥地研, 3. 名大・院生命農学, 4. 筑波大・院生命環境科学, 5. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	606	イネにおける塩ストレスと光周性開花経路とのクロストークに関わる因子の解析 ☆橋本 舜平, 手塚 孝弘, 横井 修司 (大府大・院生命環境科学)	10:15
407	異なる遺伝背景における高温登熟耐性 QTL の効果 ○小林 麻子 1, 関山 恭之進 2, 櫻井 哲也 3, 富田 桂 1 (1. 福井県農業試験場, 2. 国際農林水産業研究センター, 3. 高知大学・総合科学系)	507	IRRI およびマダガスカルにおける表現型データに基づくイネ遺伝資源集団のゲノミック予測 ☆田中 凌慧 1, James King 1, Matthias Wissuwa 2, 鐘ヶ江 弘美 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東京大・院農学生命科学, 2. 国際農林水産業研究センター)	607	世代促進可能なテンサイ BLOND ○黒田 洋輔, 田口 和憲, 岡崎 和之, 高橋 宙之, 藏之内 利和 (農研機構・北海道農業研究センター)	10:30
408	異なる作期で生育させたイネの胚乳澱粉構造の差異 ☆加藤 和直 1,3, 保坂 優子 2, 佐山 玲 1, 伊藤 征樹 1, 熊丸 敏博 3, 藤田 直子 2 (1. 秋田県農試, 2. 秋田県大・生物資源, 3. 九大院農)	508	ダイズ成長過程における形質・環境計測値の相互関係のネットワーク解析 ○七ヶ 高也 1, 磯部 祥子 1, 林 篤司 1, 田中 秀典 2, 橋口 正嗣 2, 明石 良 2, 長谷川 舞衣 3, 菊地 正隆 3, 中谷 明弘 3, 佐藤 修正 4, 七ヶ 小百合 5 (1. かずさ DNA 研究所, 2. 宮崎大学, 3. 大阪大学, 4. 東北大学, 5. 茨城大学)	608	日本バンコムギ 14 品種の穂構造に及ぼす近縁野生種 <i>Aegilops mutica</i> 細胞質の効果 ☆松村 実奈, 村井 耕二 (福井県大・生物資源)	10:45
◆座長 田中 淳一 (農研機構・次世代作物開発研究セ)		◆座長 小木 曾 映里 (農研機構・次世代作物開発研究セ)		◆座長 黒田 洋輔 (農研機構・北海道農研)	11:00	
409	短節間形質を用いた大豆耐倒伏性系統の育成 ☆大木 信彦 1, 佐山 貴司 2, 田口 文緒 3, 福田 篤徳 3, 横田 佑子 3, 清水 武彦 1, 加賀 秋人 3, 石本 政男 3, 高橋 将一 1, 河野 雄飛 4, 高橋 幹 3 (1. 農研機構・九州農研, 2. 農研機構・西日本農研, 3. 農研機構・次世代研, 4. 農研機構・中央農研)	509	機械学習によるいちごの形状解析 石川 拓哉 2, 林 篤史 1, 永松 士朗 3, 久徳 康史 2, 檀 一平 2, 奥 幸一郎 3, 佐伯 由美 3, 宇都 俊介 3, 和田 卓也 3, 七ヶ 高也 1, 磯部 祥子 1, ○高地 伸夫 1,2 (1. かずさ DNA 研究所, 2. 中央大学, 3. 福岡農林業総合試験場)	609	<i>Diplotaxis erucoides</i> 細胞質をもつ <i>Brassica</i> 栽培 3 種における雄性配偶体形成 ☆藤田 祥明 1,2, 沈 爰炫 1, 大西 孝幸 3,4, 房 相佑 1,2 (1. 宇大・農, 2. 農工大・院連農, 3. 宇大・地連センター, 4. JST・さきがけ)	
410	野生ダイズに見出された高 α -トコフェロール含有率に関与する QTL 解析 ☆朴 哲亨 1, Maria Stefanie Dwiyanti 1, 水野 惇 2, 山田 哲也 1, 阿部 純 1 (1. 北海道大学植物遺伝資源学研究室, 2. 龍谷大学農学部植物生命科学科)	510	圃場試験条件においてテンサイの雑種強勢を測定する試み ○田口 和憲 1, 郭 威 2, 伊藤 淳士 1, 深津 時広 3, 平藤 雅之 2 (1. 農研機構 北海道農研, 2. 東京大学, 3. 農研機構 革新工学センター)	610	<i>Brassica rapa</i> における MLPK 非依存的な自家不和合性機構 ☆大畠 麻由 1, 高田 美信 1, 村瀬 浩司 2, 柴 博史 3, 高山 誠司 2, 鈴木 剛 4, 渡辺 正夫 1 (1. 東北大・院生命, 2. 東大・院農学生命, 3. 筑波大・院生命環境, 4. 大阪教育大・教育協働)	11:15
411	ダイズペクチンメチルエステラーゼ遺伝子の遺伝子型と蒸煮大豆の硬さとの関係 ○戸田 恭子, 平田 香理, 増田 亮一, 安井 健, 山田 哲也, 高橋 浩司, 永谷 妙子, 羽鹿 牧太 (農研機構)	511	多収イネ MAGIC 系統のハプロタイプ情報を用いたゲノム予測の有効性 ☆小川 大輔, 野々上 慈徳, 常松 浩史, 菅野 徳子, 矢野 昌裕, 山本 敏央, 米丸 淳一 (農研機構)	611	長野県在来カブ品種「清内路赤根」集団内における 5 ハプロタイプの優劣関係 ☆須田 元輝 1, 大岡 彩夏 2, 朴 永俊 4, 南 峰夫 2, 松島 憲一 3, 根本 和洋 3 (1. 信州大学大学院総合理工学研究科, 2. 信州大学農学部, 3. 信州大学学術研究院 (農), 4. 韓国農漁村公社農漁村研究院)	11:30
412	Antioxidant content and anti-oxidative stress activities of Japanese soybeans accession ☆ Hana Akari Arifin 1, Kiyoko Nagahama 2, Masatsugu Hashiguchi 2, Hidenori Tanaka 3, Yoichi Sakakibara 2, Ryo Akashi 1,2,3 (1. Interdisciplinary Grad Sch of Agriculture and Engineering, Univ of Miyazaki, 2. Faculty of Agriculture, Univ of Miyazaki, 3. IR Center for the Promotion of Institutional Research)	512	コムギ育種における収量性の間接選抜のための群落表面温度 (CT) の測定条件の検討 ○大西 志全, 粕谷 雅志, 其田 達也, 神野 裕信 (道総研・北見農試)			11:45

3月26日(月)午後 口頭発表プログラム			
3月26日	第1会場(101)	第2会場(102)	第3会場(201)
	◆座長 石川 吾郎(農研機構・次世代作物開発研究セ)	◆座長 田中 剛(農研機構・次世代作物開発研究セ)	◆座長 井関 洸太郎(国際農林水産業研究セ)
13:30	113 文献情報を用いた GWA 解析 ☆塩田 将平 1, 平野 恒 2, 矢野 憲司 1,5, 小竹 敬久 2, 吉田 晋弥 4, 北野 英己 3, 松岡 信 1 (1. 名古屋大学 生物機能開発利用研究センター 植物分子育種, 2. 埼玉大学 大学院理工学研究科 生命科学部門, 3. 名古屋大学 生物機能開発利用研究センター 有用農薬形質保存, 4. 龍谷大学・食農研, 5. 東京大学 農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 植物栄養・肥科学研究室)	213 イネいもち病真性抵抗性に関わる Pid3 座に分化した複対立遺伝子の一つは量的抵抗性に関与する 長嶋 沙希, 加藤 美弥子, ○犬飼 剛(北海道大学 大学院農学研究院)	312 酒造好適米「秋田酒 120 号」の育成と主要特性 ☆高橋 竜一 1, 柴田 智 1, 大野 剛 2, 児玉 雅 2, 加藤 和直 1, 川本 朋彦 1 (1. 秋田県農試・作物, 2. 秋田県総合食研・醸試)
13:45	114 イネ GWAS で検出されたシグナルの検証には反復試験が重要 ☆矢野 憲司 1, 平野 恒 2, 北野 英己 2, 田宮 元 1, 松岡 信 2 (1. 国立研究開発法人 理化学研究所 革新知能統合研究センター, 2. 名古屋大学 生物機能開発利用研究センター)	214 台風により生じたイネの白穂に関する遺伝的変異および草型との関係 ☆富田 朝美 1, Md. Nashir Uddin 2, 小原 実広 3, 齊藤 大樹 1, 福田 善通 1 (1. 国際農林水産業研究センター 熱帯・島嶼研究拠点, 2. North South University, 3. 国際農林水産業研究センター 生物資源・利用領域)	313 レジスタントスターチ含量が高い米粉用水稲「ちくし粉 85 号」の育成 ○山口 修 1, 石橋 正文 1, 宮原 克典 1, 和田 卓也 1, 坪根 正雄 1, 井上 敬 2, 尾形 武文 3, 宮崎 真行 4 (1. 福岡県農林業総合試験場, 2. 福岡県北九州普及指導センター, 3. 福岡県農林業総合試験場豊前分場, 4. 福岡県農林水産部)
14:00	115 ゲノム選抜による北海道水稲品種へのいもち病抵抗性遺伝子 pi21 の高速導入と準同質遺伝子系統の評価 ☆道満 剛平 1, 佐藤 博一 1,2, 平山 裕治 1, 佐藤 毅 1,3, 福岡 修一 4, 山内 歌子 4, 田中 淳一 4, 米丸 淳一 4 (1. 道総研 上川農業試験場, 2. 道総研 中央農業試験場, 3. 道総研 道南農業試験場, 4. 農研機構 次世代作物開発研究センター)	215 野生種 <i>Vigna trilobata</i> の耐塩性に関するゲノム解析 ○内藤 健 1,2, 坂井 寛章 1, 友岡 憲彦 1 (1. 農研機構, 2. JST さきがけ)	314 トルコ南部の野生四倍性コムギ集団における非休眠性個体頻度の多様性 ○大田 正次 1, 森 直樹 2, Hakan Ozkan 3 (1. 福井県大・生物資源, 2. 神戸大・院農学, 3. トルコ・チュクロワ大・農)
14:15	116 深根型 <i>DRO1</i> の導入がイネ浅根型 CSSLs の収量形質に及ぼす影響 ☆木富 悠花, 荒井 (三王) 裕見子, 岡村 昌樹, 宇賀 優作(農研機構・次世代作物開発研究センター)	216 ◆座長 犬飼 剛(北大・院・農) 被陰速度の異なるダイズ系統の葉柄長の違いおよび外来雑草マルバルコウに対する抑草効果 ○黒川 俊二 1, 加賀 秋人 2, 関根 大輔 2, 津田 麻衣 3 (1. 農研機構・中央農研, 2. 農研機構・次世代作物開発セ, 3. 筑波大・遺伝子実験セ)	315 中世城郭遺構におけるテンナンショウ属植物の分布 ○種坂 英次(近畿大・農)
14:30	◆座長 坪根 正雄(福岡県農林業総合試験場)	217 ダイズの低温着色抵抗性に関する検定法および DNA マーカーの冷涼地圃場における有効性検証 ○山口 直矢 1, 萩原 誠司 2, 奥山 昌隆 2, 平井 泰 3, 千田 峰生 4 (1. 道総研十勝農試, 2. 道総研北見農試, 3. 道総研中央農試, 4. 弘前大農学生命科学)	◆座長 種坂 英次(近畿大・農)
	117 イネ科植物ゲノムから発掘した非自律的ウイルスの生存戦略 陳 孫録, ○貴島 祐治(北海道大学大学院農学研究院)		316 Long days increase days to flowering, yield and vegetative growth in early flowering Sri Lankan rice accessions ○Sudarshane Geekiyanage 1, PDC Padukkage 2, Gamini Senanayake 1 (1. Faculty of Agriculture, University of Ruhuna, 2. Faculty of Graduate Studies, University of Ruhuna)
14:45	118 RAD-seq によるレタス園芸種由来の極晩抽性に関する QTL 解析 ○関 功介(長野県野菜花き試験場)	218 ダイズ低温裂開の発生機構およびその抵抗性機構について ○千田 峰生 1, 川崎 通夫 1, 前多 隼人 1, 平岡 未帆 1, 山下一騎 1, 萩原 誠司 2, 山口 直矢 3 (1. 弘前大学 農学生命科学部, 2. 道総研北見農業試験場, 3. 道総研十勝農業試験場)	317 講演取り消し
15:00		219 エタノールは植物の高温・乾燥・塩ストレス耐性を強化する ☆砂押 裕司 1,2, 松井 章浩 2, 佐古 香織 2,3, Huong Nguyen 1,2, Khurram BASHIR 2,3, 土生 芳樹 5, Chien Ha 2,3, Sultana Rasheed 2, 田中 真帆 2, 水無 佳代子 2, 関 原明 2,3,4 (1. 横浜市大・院・生命ナノ, 2. 理研・CSRS・植物ゲノム発現研究チーム, 3. JST・CREST, 4. 横浜市大・木原生研, 5. 農研機構)	318 Genetic analysis of early flowering Sri Lankan traditional rice for flowering time and morphological characters ☆ Duwini Padukkage 1, Gamini Senanayake 2, Sudarshane Geekiyanage 3 (1. Faculty of Graduate Studies, University of Ruhuna, Matara, Sri Lanka, 2. Dept. of Agric. Biology, Faculty of Agriculture, University of Ruhuna, Mapalana, Kamburupitiya, Sri Lanka, 3. Dept. of Agric. Biology, Faculty of Agriculture, University of Ruhuna, Mapalana, Kamburupitiya, Sri Lanka)
15:30	グループ研究集会 1 (15:30~17:30) 第 47 回 生物進化・細胞遺伝談話会 / 遺伝資源海外調査の現状と課題 (18) 共同開催 世話人: 森 直樹(神戸大), 木庭 卓人(千葉大), 加藤 鎌司(岡山大), 大田 正次(福井県大), 石川 隆二(弘前大) 話題提供: 木庭 卓人氏(千葉大) 講演タイトル:「コムギと園芸植物の細胞遺伝学(私的回顧)」		

3月26日(月)午後 口頭発表プログラム					
第4会場(202)		第5会場(301)		第6会場(302)	3月26日
◆座長 堀 清純(農研機構・次世代作物開発研究セ)		◆座長 佐藤豊(国立遺伝学研究所)		◆座長 岡本 吉弘(酪農学園大)	
413	世界や日本のコアコレクションなどの遺伝資源における玄米や白米のγ-オリザノール含量 ○荒木 悦子1, 鈴木 保宏2, 増田 亮一1, 澤田 一恵3, 原田 幸和3, 橋本 博之3, 江花 薫子4 (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 農研機構・生物系特定産業技術研究支援センター, 3. 築野食品工業(株), 4. 農研機構・遺伝資源センター)	513	イネ受精卵へのCRISPR/Cas9ベクターおよびCas9タンパク質-gRNA複合体の直接導入によるゲノム編集技術の確立 ☆戸田 絵梨香1,2, 古磯 成美2, 竹林 有理佳1, 市川 雅子3, 本羽 隆敏1, 刑部 祐里子1,4, 岡本 龍史1,2, 加藤 紀夫1,2,3 (1. 理研・RInC, 2. 首都大・理工・生命科学, 3. 日本たばこ産業・植物イノベーションセンター, 4. 徳島大・生物資源)	612	テンサイ花粉稔性回復遺伝子 <i>Rf1</i> の進化的側面 ☆荒河 匠, 勝山 嵩也, 菅谷 元, 本間 雄二朗, 佐野 千紘, 久保 友彦(北大・院農)
414	ミラクリン蓄積組換えトマトの収量性向上及び単為結果性付与のための育種学的研究 ☆鈴木 岳1, 棚瀬 京子2, 江面 浩2 (1. 筑波大・院生命環境科学, 2. 筑波大・生命環境系)	514	メリステム生殖系列細胞をターゲットとした <i>in planta</i> ゲノム編集技術の開発 濱田 晴康1,2, Qianyan Linghu1, Yuelin Liu3, ○柳楽 洋三2, 三木 隆二2, 田岡 直明2, 今井 亮三1,3 (1. 農研機構・北海道農業研究センター, 2.(株)カネカ・バイオテクノロジー開発研, 3. 農研機構・生物機能利用)	613	ダイコンのNWBオルガネラゲノムと <i>Brassica rapa</i> 核ゲノム間の軋轢 ☆高山 大輝1, 赤石 和也1, 沈 受炫1, 大西 孝幸2,3, 房 相佑1 (1. 宇大・農, 2. 宇大・地連センター, 3.JST・さきがけ)
415	TILLING法によるマイクロトムGAD3変異体の選抜と解析 ☆北澤 夏生1, 岡部 佳弘2, 高山 真理子2, 江面 浩2 (1. 筑波大・生命環境学群, 2. 筑波大・生命環境系)	515	イネにおけるヒストン修飾とDNAメチル化をつなぐ仕組みの解析 沼 寿隆1, 小川 大輔2, 松坂 弘明3, 熊丸 敏博3, ○土生 芳樹4 (1. 農業・食品産業技術総合研究機構・高度解析セ, 2. 農業・食品産業技術総合研究機構・次世代作物セ, 3. 九州大・農, 4. 農研機構・生物機能)	614	アジャイネとアフリカイネの交雑後代で見出された細胞質雄性不稔性とその稔性回復に関わる新規相互作用の遺伝解析 ☆金岡 義高1, 山形 悦透2, 陳 孫祿1, 菊池 駿太1, 小出 陽平1, 安井 秀2, 吉村 淳2, 貴島 祐治1 (1. 北大・院農, 2. 九大・院農)
416	チャ新芽中における化学成分の系統間差異と相関ネットワーク解析 ☆山下 寛人1, Sanjib K. Panda2, 中村 晃3, 片井 秀幸4, 大西 利幸1,3, 森田 明雄1,3, 一家 崇志1,3(1. 静岡大学大学院 農学専攻, 2. アッサム大学生命情報科学部, 3. 静岡大学 農学部, 4. 静岡県茶業研究センター)	516	◆座長 寺本 翔太(東大・院・農学生命科学) Function of ESP1/eRF1 in the translation of prolamin polypeptides in rice endosperm ☆ Ammar Elakhdar1, Tomokazu Ushijima1, Masako Fukuda1, Noriko Yamashiro1, Yasushi Kawagoe2, Toshihiro Kumamaru1 (1.Institute of Genetic Resources, Faculty of Agriculture, Kyushu University, 2.Division of Plant Sciences, National Institute of Agrobiological Sciences, Tsukuba)	615	◆座長 小野 聖二郎(国立遺伝学研究所) タバコ野生種 <i>Nicotiana suaveolens</i> 2系統と栽培種 <i>N. tabacum</i> との異倍数性種間交雑に生じる異なる生殖隔離の比較解析 ☆何 海, 横井 修司, 手塚 孝弘(大阪府大・院生命環境)
◆座長 荒木 悦子(農研機構・次世代作物開発研究セ)		517	イネ長穂性を制御する遺伝子 <i>Pr15</i> の機能解析 ☆縣 歩美1, 保浦 徳昇2, 安藤 考紀1, 藤城 靖子1, 池田 真由子2, 松岡 信2, 土井 一行1, 北野 英己2 (1. 名大院生命科学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター)	616	配偶子致死遺伝子 <i>Gc2-4Ssh</i> による接合体における染色体切断作用の解析 ☆山田 創, 那須田 周平(京都大・院農学)
417	高アミロース米2系統の実用化に向けて 1. 特徴および利用法 ○藤田 直子, クロフツ 尚子, 保坂 優子, 阿部 美里, 中泉 裕子(秋田県立大学生物資源科学部)				
418	高アミロース米2系統の実用化に向けて 2. 農業形質、澱粉構造 ○川本 朋彦1, 柴田 智1, 加藤 和直1, 高橋 竜一1, 保坂 優子2, 阿部 美里2, クロフツ 尚子2, 三浦 聡子2, 追留 那緒子2, 藤田 直子2 (1. 秋田県農業試験場, 2. 秋田県立大学)	518	リン吸収・蓄積関連遺伝子導入系統を用いたリン超集積イネ作出への取り組み ☆梶原 大志, 谷垣 翔太, 吉田 薫(東大・院農学生命科学)	617	配偶子致死染色体 3Ct による染色体切断作用とその抑制遺伝子 <i>Igc1</i> との相互作用の解析 ☆村田 和樹, 那須田 周平(京都大・院農学)
419	スターチシンターゼ(S S)IIa欠損変異体における酵素複合体の解析と胚乳澱粉特性 ☆三浦 聡子1, クロフツ 尚子1, 齋藤 雄飛2, 保坂 優子1, 追留 那緒子1, 渡辺 紀之2, 熊丸 敏博3, 藤田 直子1 (1. 秋田県立大学生物資源, 2. 亀田製菓(株)お米研究所, 3. 九州大学大学院 農学部)				15:00

口頭発表 講演番号・座長一覧

会場 日程	第1会場 101教室	第2会場 102教室	第3会場 201教室	第4会場 202教室	第5会場 301教室	第6会場 302教室
3月25日 午前	101-104 久野 裕 9:00-10:00	201-204 井澤 毅 9:00-10:00	301-304 島村 聡 9:00-10:00	401-404 佐藤 宏之 9:00-10:00	501-504 田口 和憲 9:00-10:00	601-604 西田 英隆 9:00-10:00
	105-108 木富 悠花 10:00-11:00	205-208 内藤 健 10:00-11:00	305-308 土井 一行 10:00-11:00	405-408 川本 朋彦 10:00-11:00	505-508 古田 智敬 10:00-11:00	605-608 犬飼 義明 10:00-11:00
	109-112 山本 英司 11:00-12:00	209-212 川勝 泰二 11:00-12:00	309-311 山口 修 11:00-11:45	409-412 田中 淳一 11:00-12:00	509-512 小木曾 映里 11:00-12:00	609-611 黒田 洋輔 11:00-11:45

3月26日 午前	ポスター発表 9:30-11:30					
3月26日 午後	113-116 石川 吾郎 13:30-14:30	213-215 田中 剛 13:30-14:15	312-315 井関 洸太郎 13:30-14:30	413-416 堀 清純 13:30-14:30	513-515 佐藤 豊 13:30-14:15	612-614 岡本 吉弘 13:30-14:15
	117-118 坪根 正雄 14:30-15:00	216-219 犬飼 剛 14:15-15:15	316-318 種坂英次 14:30-15:15	417-419 荒木 悦子 14:30-15:15	516-518 寺本 翔太 14:15-15:00	615-617 小野 聖二郎 14:15-15:00

日本育種学会 優秀発表賞 投票方法の改正に関連した注意点

1. エントリー制を採用します。

演題登録時に優秀発表賞の選考対象演題としてエントリーした演題を審査の対象とします。

2. 発表者マークの変更

プログラムや要旨において優秀発表賞の選考対象としてエントリーした演題の発表者印は☆で表記されています。ポスターやスライド作成時に発表者印を表記する際にも統一した記号を使ってくださいますようお願いいたします。

ポスター発表プログラム (3月26日)

奇数番号 9:30-10:30 偶数番号 10:30-11:30 (福岡リーセントホテル2階 舞鶴の間)

01. 育種法・育種技術 (Breeding method・Breeding technology)

P001 輪郭形状のゲノミック予測のための定量化手法の比較

☆坂本 莉沙^{1,2}, 鐘ヶ江 弘美¹, 野下 浩司^{1,3}, 石森 元幸¹, 小林 正明^{4,5}, 藤本 優^{1,5}, 高梨 秀樹^{1,5}, 永野 惇^{3,6}, 佐塚 隆志^{5,8}, 矢野 健太郎^{4,5}, 徳永 毅⁷, 堤 伸浩^{1,5}, 岩田 洋佳^{1,5} (1. 東大・院農学生命科学, 2. 日本学術振興会特別研究員DC, 3. JST・さきがけ, 4. 明治大・農, 5. JST・CREST, 6. 京大・生態研, 7. (株)アースノート, 8. 名古屋大・生物機能開発利用研究センター)

P002 カンキツ果実重、糖度および酸含量における遺伝様式の推定

○今井 篤^{1,5}, 成田 暁^{2,3}, 林 武司^{4,5} (1. 農研機構・果樹茶業研究部門, 2. 東北大 東北メディカル・メガバンク機構, 3. 株式会社ステージン, 4. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 5. 筑波大院生命環境科学)

P003 Characterization of the F2 progeny of the interspecific hybrid between the tetraploid Lotus japonicus and the Super Root-derived Lotus corniculatus

☆ Rinda Puspasari¹, Masatsugu Hashiguchi², Genki Ishigaki², Hidenori Tanaka³, Ryo Akashi^{1,2,3} (1. 農学工学総合研究科, 2. 宮崎大学農学部, 3. I R推進センター)

P004 密集した玄米画像からの粒分離手法の検討

☆塩川 貴太¹, 土井 一行¹, 西内 俊策^{1,2} (1. 名大・院生命農学, 2. JST さきがけ)

P005 業務用米に適した炊飯特性を評価する新たな手法の検討

☆中込 佑介¹, 遠藤 貴司¹, 佐藤 浩子¹, 石森 裕貴¹, 奥西 智哉² (1. 宮城県古川農業試験場, 2. (国研) 農研機構・食品研究部門)

P006 重イオンビーム誘発変異の網羅的検出に向けたプログラムの検討

○森田 竜平¹, 市田 裕之¹, 一瀬 勝紀¹, 白川 侑希¹, 林 依子¹, 佐藤 雅志^{1,2}, 阿部 知子¹ (1. 理研・仁科センター, 2. 東北大・院農)

02. 品種育成・遺伝資源 (Breeding・Genetic Resource)

P007 イネ *sugary1* 変異、及び *sugary2* 変異の胚乳澱粉改変効果

☆中村 哲洋, 熊丸 敏博 (九州大・院生資環)

P008 澱粉枝付け酵素 I 遺伝子 (Starch-branching enzyme I, *Sbe I*) の欠損性を導入した餅硬化性が極めて低い水稻糯品種「愛知糯 126 号」の育成

☆鈴木 太郎¹, 中村 充¹, 梅本 貴之^{3,4}, 池田 彰弘², 加藤 恭宏¹ (1. 愛知農総試山間, 2. 愛知農総試, 3. 農研機構・作物開発センター, 4. 農研機構・北農研)

P009 宮崎在来野菜「日向カボチャ」の品種改良～和洋種間交雑後代における当初育種目標に合った優良系統の選抜・育成～

○陳 蘭庄^{1,2}, 堀 寿和¹, 上間 慎也¹, 岩本 優衣², 後藤 健治² (1. 南九州大学 環境園芸学部, 2. 南九州大学 大学院園芸学・食品科学研究科)

P010 「エリモショウズ」に落葉病抵抗性を導入したアズキ新品種「エリモ 167」の育成

○堀内 優貴¹, 佐藤 仁¹, 鴻坂 扶美子¹, 田澤 暁子², 島田 尚典³, 青山 聡³, 小倉 玲奈⁴, 鈴木 孝子⁵ (1. 道総研 十勝農業試験場, 2. 道総研 道南農業試験場, 3. 道総研 北見農業試験場, 4. 道総研 中央農業試験場, 5. 道総研 法人本部)

P011 スズマルとよく似たダイズシストセンチュウ抵抗性納豆用大豆新品種「スズマル R」の育成

○黒崎 英樹, 藤田 正平, 大西 志全, 鴻坂 扶美子, 田中 義則, 竹内 徹, 木口 忠彦, 山下 陽子, 樋浦 里志 (北海道立総合研究機構 中央農業試験場)

P012 宮崎在来野菜「佐土原」ナスの品種改良～品種間・雑種間後代の特性調査

☆吉村 和人¹, 江本 尚哉², 比恵島 伴和¹, 陳 蘭庄^{1,2} (1. 南九州大学大学院園芸学・食品科学 園芸学専攻, 2. 南九州大学 環境園芸学部)

P013 大玉で多収、ジャガイモシストセンチュウおよびジャガイモ Y ウイルス抵抗性の暖地二期作向けバレイショ新品種「アイマサリ」の育成

☆坂本 悠¹, 松尾 祐輝¹, 龍 美沙紀¹, 森 一幸², 中尾 敬³, 向島 信洋⁴, 田宮 誠司³, 渡邊 亘⁵, 草原 典夫¹, 茶谷 正孝¹ (1. 長崎県農林技術開発センター, 2. 長崎県農林部, 3. 北海道農業研究センター, 4. 長崎県県央振興局, 5. 長崎県五島振興局)

P014 酒米新品種「Hyogo Sake 85」の育成

○池上 勝, 杉本 琢真, 藤本 啓之, 野々口 俊明, 久保田 誠三, 三好 昭宏 (兵庫県立農林水産技術総合センター)

P015 サラダや煮込み料理に適する赤インゲンマメ新品種「きたロッソ」の育成

○齋藤 優介¹, 佐藤 仁¹, 中川 浩輔¹, 奥山 昌隆², 島田 尚典² (1. 道総研・十勝農試, 2. 道総研・北見農試)

P016 ヌルシ配糖体を高含有するリトル品種「TS-815, TS-816」の育成

○野村 健三¹, 中島 紀昌², 本澤 安治², 時田 巖², 佐藤 文生³ (1. 味の素(株)イノベーション研究所, 2. トキタ種苗(株), 3. 農研機構・野菜花き研究部門)

P017 宮崎発のメロン育種に向けてのアプローチ～親材料の収集、スクリーニング及びその交配実験～

○小森山 翔太¹, 山脇 京介², 陳 蘭庄^{1,2} (1. 南九州大学大学院園芸学・食品科学 園芸学専攻, 2. 南九州大学)

P018 重イオンビーム照射によるイネ有用変異体の探索

○遠藤 貴司¹, 佐藤 浩子¹, 石森 裕貴¹, 中込 佑介¹, 佐藤 雅志², 林 依子³, 市田 裕之³, 阿部 知子³ (1. 宮城古川農試, 2. 東北大・院農, 3. 理研仁科センター)

- P019 日本のツルマメ (*Glycine soja*) における形態的および遺伝的多様性の評価**
☆チョテカジョン アワッサヤ 1, 田中 秀典 2, 橋口 正嗣 3, 明石 良 3 (1. 宮崎大・院農工, 2. 宮崎大・IR 推進センター, 3. 宮崎大・農)
- P020 インド国マディヤプラデシュ州における雑穀のフィールド調査**
○辻 耕治 1, L.P.S. Rajput 2, R.P. Joshi 2, V.K. Paradkar 2, R.D. Barpete 2, P. Parihar 2, R.S. Thakur 2, S.B. Nahatkar 2, D. Khare 2 (1. 千葉大・教育学部, 2. ジャワハルラールネルー農業大)
- P021 福井県に適した山田錦突然変異体の選抜と有用性評価**
☆山口 航平 1, 竹原 佳那 1, 木戸 慎太郎 1, 高城 啓一 2, 岩崎 行玄 1, 三浦 孝太郎 1 (1. 福井県立大学生物資源, 2. 若狭湾エネルギー研究センター)
- P022 晩播狭畦密植栽培適性が高い無限伸育型ダイズ早生系統の育成**
○島村 聡 1, 加藤 信 1, 平田 香里 1, 島田 信二 2, 菊池 彰夫 1 (1. 農研機構東北農業研究センター, 2. 農研機構中央農業研究センター)
- P023 遺伝子組換えカイコの第一種使用等による農家飼育の開始**
○河本 夏雄 1, 津田 麻衣 2, 岡田 英二 1, 飯塚 哲也 1, 桑原 伸夫 3, 伊藤 寛 3, 池田 真琴 3, 瀬筒 秀樹 1, 田部井 豊 1, 富田 秀一郎 1 (1. 農研機構・生物機能部門, 2. 筑波大学, 3. 群馬県蚕糸技術センター)
- P024 ゲノム選抜育種により水稲早生品種「みずかがみ」へ出穂期遺伝子及び病害抵抗性遺伝子を導入した「滋賀 80 号」「滋賀 81 号」の育成**
○西村 卓真 1, 椎木 咲帆 1, 吉田 貴宏 1, 森 茂之 2, 山田 善彦 3, 日野 耕作 1, 正村 純彦 4, 福岡 修一 4, 山内 歌子 4, 田口 文緒 4, 溝淵 律子 4 (1. 滋賀県農業技術振興センター, 2. 滋賀県庁, 3. 滋賀県東近江農業農村事務所, 4. 農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P025 食料・農業植物遺伝資源条約第 7 回理事会の結果が育種研究に及ぼす影響**
山本 昭夫, 土門 英司, ○町田 (平野) 僚子 (農研機構 遺伝資源セ)
- P026 開花位置および開花日の違いが大納言アズキの莢形質と粒形質に及ぼす影響**
○澤田 裕貴 1, 吉田 康子 2 (1. 神戸大学大学院 農学研究科, 2. 神戸大院・農・食資源セ)
- P027 西南暖地向け大豆交配候補系統**
○河野 雄飛 1, 大木 信彦 2, 高橋 将一 2, 高橋 幹 3 (1. 中央農業研究センター, 2. 九州沖縄農業研究センター, 3. 次世代作物開発研究センター)
- P028 甘味トウガラシ系統の遺伝学的解析から示唆されたアミノトランスフェラーゼ遺伝子の発現量と辛味の有無の関係について**
☆鶴巻 啓一 1, 笹沼 恒男 1,2 (1. 岩手大・院連合農学, 2. 山形大・農)
- P029 イネフィトクロム変異株の育種応用への可能性**
○稲垣 言要 (農研機構 高度解析センター 生体高分子解析チーム)
- P030 日本シバ (*Zoysia* 属) の未利用遺伝資源を用いた種間雑種における優良系統の選抜**
☆宮地 拍明, 松田 靖, 村田 達郎 (東海大学大学院農学研究科)
- P031 ヒエ [*Echinochloa esculenta* (A. Braun) H. Scholz] 半矮性変異系統の表現型解析**
☆濱本 亮, 手塚 孝弘, 横井 修司 (大府大・院生命環境科学)
- P032 日本ハッカ遺伝資源の形態調査および異型花柱性**
○古川 一実 1, 富岡 雅也 1, 株式会社 北見ハッカ通商 2 (1.(独) 国立高等専門学校機構 沼津工業高等専門学校, 2. 株式会社北見ハッカ通商)
- P033 野生 2 倍体コムギ近縁種 *Aegilops umbellulata* の表現型多様性の異質合成 6 倍体への伝達**
☆岡田 萌子, 吉田 健太郎, 宅見 薫雄 (神戸大院農)

03. ゲノム解析・ゲノム育種 (Genomic analysis・Genome-based breeding)

- P034 イネいもち病真性抵抗性遺伝子を判別する DNA マーカーセットの作製**
○野々上 慈徳, 石井 卓朗 (農研機構・作物開発セ)
- P035 高温登熟耐性水稻品種「秋のきらめき」の eQTL 解析**
○高橋 秀和 1, 加藤 和直 2, 川本 朋彦 2, 上田 健治 1, 櫻井 健二 1, 渡辺 明夫 1, 赤木 宏守 1 (1. 秋田県大生物資源, 2. 秋田農試)
- P036 イネの頑健変異の全ゲノム解析**
竹谷 友希, ○富田 因則 (静岡大・グリーン研)
- P037 イオンビーム照射由来ダットンソバ半矮性変異体 *sdb* における原因遺伝子の同定**
☆中野 絢菜 1, 相井 城太郎 1, 小森 美佳 1, 阿部 知子 2, 森下 敏和 3, 鈴木 達郎 4, 清水 明美 5, 田中 宥司 1 (1. 新潟薬科大・応用生命科学, 2. 理研・仁科センター, 3. 農研機構・北農研, 4. 農研機構・九沖農研, 5. 農研機構・次世代作開センター・放育場)
- P038 ベントグラスの SSR マーカーによる品種同定と分子系統樹**
☆川野 千穂 1, 山田 茂秋 2, 田中 裕之 1 (1. 鳥取大・農, 2.(株) チュウブ)
- P039 ddRAD-seq 解析より得られた SNP に基づくレンコン品種識別法の開発**
☆小林 希美 1, 白澤 健太 2, 堀井 学 3, 篠原 啓子 4, 澤田 英司 4, 八城 和敏 3, 樋口 洋平 5, 石川 祐聖 5, ハク エムダドウル 1, 井上 栄一 1, 久保山 勉 1 (1. 茨大農, 2. かずさ DNA 研, 3. 茨城農総衛生工研, 4. 徳島農総技セ, 5. 東大農)

P040 新規マーカー技術 GRAS-Di の高度化

○榎 宏征, 竹内 由枝, 鈴木 一代 (トヨタ自動車 (株))

P041 DNA マーカーを用いたアワ *NEKODE1* 遺伝子のファインマッピング

西岡 紀花 1, 榎本 尚人 1, 高木 宏樹 2,3, 一谷 勝之 4, 寺内 良平 2,5, ○福永 健二 1 (1. 県立広島大学生命環境学部, 2. 岩手生工研, 3. 石川県立大学生物資源環境学部, 4. 鹿児島大学農学部, 5. 京都大学農学研究科)

P042 イチゴの多元交雑集団を用いた果実色に関するゲノムワイド関連解析

○坪根 正雄 1, 和田 卓也 1, 磯部 祥子 2, 永野 聡一郎 2,3, 森 美幸 1, 平田 千春 1, 永松 志朗 1, 下村 克己 1, 平島 敬太 1 (1. 福岡農林総試, 2. かずさ DNA 研, 3. 現 森林総研林木育種センター)

P043 形質転換能遺伝子座に関わるオオムギ準同質遺伝子系統の開発

○久野 裕, 宗森 広美, 佐藤 和広 (岡山大学 資源植物科学研究所)

P044 イネ品種 LEBED に台中 65 号を連続戻し交雑することで得られた雄性不稔系統における原因遺伝子のマッピング

村上 哲也, 風間 智彦, ○鳥山 欽哉 (東北大学大学院農学研究科)

P045 ダイコンのグルコエルシン含量に関する第 2 および第 6 連鎖群の QTL 座乗領域の絞り込み

○吹野 伸子 1, 北柴 大泰 2, 柿崎 智博 1, 石田 正彦 1, 西尾 剛 2, 板橋 悦子 1, 小原 隆由 1 (1. 農研機構野菜花き研, 2. 東北大院農学研究科)

P046 普通系コムギにおける倍加半数体系統を用いた子実カドミウム蓄積に関する QTL 解析

○伴 雄介 1, 石川 吾郎 2, 上田 浩晶 3, 加藤 啓太 1, 高田 兼則 1, 松山 稔 4, 中村 俊樹 5, 谷中 美貴子 1 (1. 農研機構・西日本農研, 2. 農研機構・作物開発センター, 3. 広島大学・院理, 4. 兵庫県農技センター, 5. 農研機構・東北農研)

P047 二条オオムギの穂発芽耐性に与える休眠関連遺伝子 *Qsd2* の効果

☆森 香織 1, 加藤 常夫 1, 柴村 明宏 2, 周 天甦 2, 青木 秀之 3, 長嶺 敬 3, 田中 剛 4, 福岡 修一 4, 正村 純彦 4, 生井 潔 1 (1. 栃木県農業試験場, 2. サッポロビール株式会社, 3. 農研機構・中央農業研究センター, 4. 農研機構・次世代作物開発研究センター)

P048 シラサギコムギの耐塩性に関わる QTL 解析

☆中山 理央 1, 徳永 彩乃 1, 佐久間 俊 2,3, 永野 惇 4, 荻原 保成 1, 川浦 香奈子 1 (1. 横浜市大・木原生研, 2. 鳥取大, 3. IPK, 4. 龍谷大)

P049 スギにおけるジベレリン処理による雄花着花量に関与する QTL の検出とジベレリン処理による雄花形成過程における遺伝子発現プロファイリング

○三嶋 賢太郎, 坪村 美代子, 栗田 学, 平尾 知士, 能勢 美峰, 高島 有哉 (森林総合研究所 林木育種センター)

P050 ソルガム毛状突起の先端構造に関する遺伝子座の探索

☆三輪 幸哉 1, 七条 光年 1, 高梨 秀樹 1, 藤本 優 1, 鐘ヶ江 弘美 1, 石森 元幸 1, 矢野 健太郎 2, 山崎 清志 1, 藤原 徹 1, 米田 淳一 3, 徳永 毅 3, 石網 史子 1, 小童谷 利恵 4, 大西 紀和 4, 坂本 亘 4, 岩田 洋佳 1, 堤 伸浩 1 (1. 東大・院農生, 2. 明治大・農, 3. アースノート (株), 4. 岡山大・植物研)

P051 イネ圃場苗立ち性遺伝子座 *qSES11* を導入した準同質遺伝子系統の評価

○岩田 夏子 1, 西村 努 2, 平山 裕治 2, 帛田 淳史 1 (1. ホクレン 農業総合研究所, 2. 道総研 上川農試)

P052 二条大麦の整粒歩合に関連する QTL と穀粒形質の解析

☆原口 雄飛, 轟 貴智, 甲斐 浩臣 (福岡県農林業総合試験場)

P053 ソルガム搾汁液の高糖性に関する新規 QTL の探索

☆岡村 進之介 1, 丹羽 佑介 2, 中村 (荒木) 聡子 3, 河江 琴奈 2, 篠原 (大前) 梢 3, 三浦 孝太郎 4, 春日 重光 5, 佐塚 隆志 3 (1. 名古屋大学大学院生命農学研究科, 2. 名古屋大学農学部, 3. 名大生物機能開発利用研究センター, 4. 福井県立大学生物資源学部, 5. 信大農学部 附属アルプス圏フィールド科学教育研究センター)

P054 ハクサイの生理的形質であるゴマ症と形態に関連する遺伝子座の探索

☆森 鴻太郎 1, 川出 治 3, 福根 達希 1, 中澤 南海 1, 松尾 亮太 2, 茅野 誠司 5, 小豆畑 二美夫 3, 松村 英生 4, 新倉 聡 3, 林田 信明 2 (1. 信州大学大学院総合理工学研究科, 2. 信州大学繊維学部応用生物科学系, 3.(株) トーホク, 4. 信州大学遺伝子実験施設, 5. 信州大学繊維学部技術部)

P055 ハクサイ農業的形質支配 QTL

☆福根 達希 1, 川出 治 3, 森 鴻太郎 1, 中澤 南海 1, 伊藤 菜月 2, 茅野 誠司 5, 小豆畑 美夫 3, 松村 英生 4, 新倉 聡 3, 林田 信明 2 (1. 信州大学大学院総合理工学研究科, 2. 信州大学繊維学部応用生物科学系, 3. 株式会社 トーホク, 4. 信州大学遺伝子実験部門, 5. 信州大学繊維学部技術部)

P056 ソルガム未熟胚の培養応答性に関する GWA 解析および QTL 解析

☆西村 明日香 1, 七条 光年 1, 三輪 幸哉 1, 高梨 秀樹 1, 藤本 優 1, 鐘ヶ江 弘美 1, 小林 正明 2, 矢野 健太郎 2, 小柴 太一 3, 徳永 毅 3, 岩田 洋佳 1, 坂本 亘 4, 堤 伸浩 1 (1. 東大・院農生, 2. 明治大・農, 3.(株) アースノート, 4. 岡山大・植物研)

P057 サツマイモ塊根における GWAS を用いた着色ゲノム領域の探索

☆木村 拓海 1, 田中 勝 2, 白澤 健太 3, 磯部 祥子 3, 田原 誠 1, 門田 有希 1 (1. 岡山大・院環境生命科学, 2. 九冲農研, 3. かずさ DNA 研究所)

P058 水稻品種「つや姫」の遺伝背景における「森多早生」由来の出穂期遺伝子 *Hd17* の導入効果

☆阿部 洋平 1, 本間 猛俊 1, 中場 理恵子 1, 渡部 貴美子 1, 石塚 和 1, 後藤 元 2, 中場 勝 2, 鈴木 隆由輝 3, 齋藤 寛 4, 堀 清純 5, 山本 敏史 5 (1. 山形県農業総合研究センター水田農業試験場, 2. 山形県農業総合研究センター, 3. 山形県大阪事務所, 4. 山形県立農林大学校, 5. 農研機構 次世代作物開発研究センター)

P059 複数のアルゴリズムを組み合わせた祖先ハプロタイプの推定：リンゴデータへの適用

☆南川 舞¹, 國久 美由紀², 野下 浩司¹, 森谷 茂樹², 阿部 和幸², 林 武司³, 片寄 裕一³, 山本 俊哉², 岩田 洋佳¹ (1. 東京大・院農学生命科学, 2. 農研機構・果樹茶部門, 3. 農研機構・作物開発センター)

P060 イネにおける変異誘発育種技術間のゲノム内変異発生数の比較

☆津田 麻衣¹, 伊藤 剛², 大嶋 雅夫¹, 遠藤 真咲³, 田部井 豊³, 大澤 良¹, 西村 宜之⁴ (1. 筑波大学 T-PIRC, 2. 農研機構・高度解析センター, 3. 農研機構・生物機能利用研究部門, 4. 農研機構・次世代作物開発研究センター)

04. 遺伝子機能 (Gene function)

P061 イネ3量体Gタンパク質γ5サブユニット変異体の表現型の評価

☆茶谷 弦輝, 西山 明希, 松田 さくら, 伊藤 貴文, 三浦 孝太郎, 岩崎 行玄 (福井県立大学生物資源)

P062 イネ3量体Gタンパク質γ3サブユニットの同定

☆西山 明希, 松田 さくら, 茶谷 弦輝, 伊藤 貴文, 三浦 孝太郎, 岩崎 行玄 (福井県立大学生物資源学部)

P063 イネ3量体Gタンパク質γ4サブユニットの同定

☆松田 さくら, 西山 明希, 茶谷 弦輝, 伊藤 貴文, 三浦 孝太郎, 岩崎 行玄 (福井県立大学生物資源学部)

P064 ダイズの一莢内粒数に影響を与えるLn遺伝子の心皮における発現パターンの解明と機能の推測

○小松 邦彦¹, Franks Robert G.2, 猿田 正恭¹, 高田 吉丈¹, 山下 謙一郎¹, 佐山 貴志¹ (1. 農研機構・西日本農業研究センター, 2. ノースカロライナ州立大学)

P065 スペルトコムギ (*Triticum aestivum* L. ssp. *spelta*) 系統 KT19-1 が保有する新規 *Vrn-A3*座アレルの早生化効果

☆西村 和紗¹, 齊藤 隆成¹, 半田 裕一², 森 直樹³, 川浦 香奈子⁴, 北島 宣¹, 中崎 鉄也¹ (1. 京都大・院農学, 2. 農研機構・作物開発センター, 3. 神戸大・院農学, 4. 横浜市大・木原生研)

P066 イネ小胞体ストレス応答関連遺伝子のノックアウト系統群の作出

○若佐 雄也, 林 晋平, 遠藤 真咲, 三上 雅史, 川勝 泰二 (農研機構)

P067 高日持ち性トマト作出に向けたTarget-AID法の適用

☆小松 拓樹¹, 高山 真理子², 有泉 亨², 西田 敬二³, 近藤 昭彦³, 江面 浩² (1. 筑波大・院生命環境, 2. 筑波大・生命環境系, 3. 神戸大・院科学技術イノベーション)

P068 新規受容体様タンパク質SPFFの機能欠損はトマトの単為結果を引き起こす

☆武井 瞳¹, 篠崎 良仁¹, 矢野 亮一¹, Michel Hernould², Christian Chevalier², 江面 浩¹, 有泉 亨¹ (1. 筑波大学, 2. フランス国立農学研究所)

P069 イネLHCIサブユニット機能低下により導かれるクロロフィル高蓄積機構の解析

☆山谷 浩史¹, 上妻 馨梨¹, 中野 道治¹, 高見 常明², 加藤 裕介², 田中 歩³, 坂本 亘², 草場 信¹ (1. 広島大・院・理, 2. 岡山大 資源植物研究所, 3. 北海道大・低温科学研究所)

P070 イネ培養細胞を用いたミトコンドリア形質転換系開発の試み

☆阿部 瑞希, 風間 智彦, 鳥山 欽哉 (東北大学大学院農学研究科)

P071 部分二倍体となった葉緑体ゲノムをもつ形質転換タバコの性状

☆植村 香織, 寺地 徹 (京産大・総合生命科学)

P072 ミトコンドリアDNA相同配列を保持するテンサイ新規DNA分子の特徴付け

☆北崎 一義, 田添 沙織, 村田 智己, 伊藤 葉奈, 大久保 めぐみ, 栗野 里香, 久保 友彦 (北大・院農)

05. オミクス・データベース (Omics・Database)

P073 Iso-Seqを用いたサツマイモの完全長cDNA配列の構築および新規遺伝子の探索

☆小野 葉奈¹, 牛島 幸一郎¹, 田淵 宏朗², 田原 誠¹, 門田 有希¹ (1. 岡山大・院環境生命科学, 2. 九沖農研)

P074 ゲノム、トランスクリプトーム比較解析によって見えてきたコシヒカリ系イネ品種間の違い

○川原 善浩 (農研機構・次世代作物開発研究センター)

P075 花ハス根茎におけるポリフェノール含量の多様性

☆ハク エムダドウ¹, 樋口 洋平², 石川 祐聖², 堀井 学³, 八城 和敏³, 井上 栄一¹, 久保山 勉¹ (1. 茨大農, 2. 東大農, 3. 茨城農総生工研)

P076 ダイズ遺伝資源における種子イオノーム形質の乾燥ストレス応答

☆山岡 秀平¹, 加賀 秋人², 神谷 岳洋¹, 藤原 徹¹, 岩田 洋佳¹ (1. 東京大学大学院農学生命科学研究科, 2. 農研機構 次世代作物開発研究センター)

P077 イネの個体別表現型取得に向けたUAVの利用

☆近藤 拓也¹, 桔川 良平², 土井 一行¹, 西内 俊策^{1,3} (1. 名大・院生命農学, 2. 名大農, 3. JST さきがけ)

P078 国内における作物調査形質の既存形質オントロジーに対する接続性

○法隆 大輔, 林 武司 (農研機構・次世代作物開発研究センター)

06. 抵抗性・耐性 (Resistance・Tolerance)

P079 東北育種圃場におけるダイズ黒根腐病抵抗性評価

○菱沼 亜衣, 島村 聡, 平田 香里, 菊池 彰夫 (農研機構・東北農研)

P080 オオムギにおける土壌伝染性ウイルス病の発病程度と ELISA 法による感染診断の比較

○青木 恵美子, 藤田 由美子, 柳澤 貴司 (農研機構・次世代作物開発研究センター)

P081 大豆紫斑病抵抗性品種の開発に向けた育種的取組み

○平田 香里 1, 島村 聡 1, 菱沼 亜衣 1, 田口 文緒 2, 横田 侑子 2, 菊池 彰夫 1 (1. 農研機構・東北農業研究センター, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター)

P082 日本の主要水稻品種のもみ枯細菌病菌によるもみ枯抵抗性の評価および基準品種の選定

○溝淵 律子 1, 福岡 修一 1, 對木 千加子 1, 對馬 誠也 2, 佐藤 宏之 1 (1. 農研機構, 2. 東京農大)

P083 ハクサイ根こぶ病抵抗性遺伝子 *Crr1a* のアレル変異と抵抗性の変化

☆湯澤 彰太, 高畑 義人, 畠山 勝徳 (岩手大・農)

P084 イネ白葉枯病抵抗性遺伝子 *NRKc2* の解析

○青木 秀之 (農研機構 中央農業研究センター 北陸研究拠点)

P085 イネの広範な病害抵抗性遺伝子 *BSR1* を高発現したサトウキビの黒穂病抵抗性と形態特性

☆前田 哲 1,2, 高橋 亘 3, 森 昌樹 1 (1. 農研機構・生物機能利用研究部門, 2. 筑波大・院生命環境科学, 3. 農研機構・畜産研究部門)

P086 水稻新品種「秋はるか」が持つトビイロウンカ抵抗性の遺伝的要因の解明

☆中西 愛, 片岡 知守, 田村 克徳, 竹内 善信 (農研機構九州沖縄農業研究センター)

P087 日本型イネ品種を遺伝的背景にもつトビイロウンカ抵抗性遺伝子に関する近似同質遺伝子系統と集積系統の作出

☆グエン ディンクン 1, 岡野 都史己 2, 松村 正哉 3, 安井 秀 4, 藤田 大輔 2 (1. 鹿児島大学大学院連合農学研究院, 2. 佐賀大学農学部, 3. 農業・食品産業技術総合研究機構 九州沖縄農業研究センター, 4. 九州大学農学研究院)

P088 インドネシアダイズ遺伝資源における耐塩性の評価と耐塩性遺伝子の解析

Dong Cao, Yongliang Yan, ○許 東河 (国際農林水産業研究センター)

P089 Genome-wide Investigation of NAC transcription factor involved in abiotic stress responses in pearl millet.

☆ Ambika Dudhate1,2, Harshraj Shinde1,2, 津釜 大侑 3, 柳 参奎 4, 高野 哲夫 1,2 (1. 東京大学アジア生物資源環境研究センター 環境ストレス耐性機構研究室, 2. 東大・院農学生命科学, 3. 北海道大学, 4. 中国東北林業大学)

P090 シロイヌナズナ *argonaute1* 変異体を用いた新規カドミウム耐性植物の作出

○渡辺 明夫 1, 飯村 秀明 1, 中村 咲耶 1, 熊谷 さおり 2, 上田 健治 1, 櫻井 健二 1, 高橋 秀和 1, 赤木 宏守 1 (1. 秋田県立大学生物資源科学部, 2. 秋田県立大学大学院生物資源科学研究科)

P091 多重合成コムギ派生集団 (MSD) を用いたリン欠乏耐性選抜

☆山崎 裕司 1, Yasir Gorafi1, Izzat Tahir2, 辻本 壽 1 (1. 鳥取大学乾燥地研究センター, 2. スーダン農業研究機構)

P092 ジャガイモシロシストセンチュウ抵抗性候補遺伝子 *Gpa6* を識別する DNA マーカーの改良

○下坂 悦生, 浅野 賢治, 赤井 浩太郎, 田宮 誠司 (農研機構・北海道農研)

07. 収量・品質 (Yield・Quality)

P093 スペルトコムギで見出された 2D 染色体短腕上の短稈 QTL

☆貝沼 宏太郎 1, 中島 実桜 1, 坂井 祐希 1, 席田 淳史 2, 三浦 秀穂 1, 大西 一光 1 (1. 帯広畜産大学, 2. ホクレン 農業総合研究所)

P094 イネ登熟期におけるクロロフィル含量の変化に関する QTL 解析

☆ Danh Huan Phung1, 春原 英彦 2, 西内 俊策 1,3, 近藤 始彦 1, 土井 一行 1 (1. 名大院生命農学, 2. 名大生物セ, 3. JST さきがけ)

P095 極大粒イネ系統を用いた種子長を制御する QTL の探索

☆木戸 慎太郎, 山口 航平, 竹原 佳那, 岩崎 行玄, 三浦 孝太郎 (福井県立大学生物資源)

P096 日本水稻品種における粒重分布の環境に対する変化の品種間差の解析

☆矢部 志央理 1,2, 吉田 ひろえ 3, 伏見 栄利奈 3, 山崎 将紀 4, 林 武司 1, 中川 博視 3 (1. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 2. JST さきがけ, 3. 農研機構 農業環境変動研究センター, 4. 神戸大院・農・附属食資源教育研究センター)

P097 KODA/ ウキクサ肥料 (DWF) の種子処理による貧栄養環境下でのコムギ生育の回復効果

☆長嶺 愛 1, エムダドウル ハーク 1, 小川 滋之 2, 高木 一輝 2, 坂 智広 1 (1. 横浜市大・木原生研, 2. (株) 資生堂)

P098 種子硬軟質性に関わるピュロインドリンと D ゲノムにコードされるグルテニンサブユニット蛋白質を欠失した普通系コムギ系統とデュラムコムギの品質特性の比較

○高田 兼則 1, 池田 達哉 1, 谷中 美貴子 1, 伴 雄介 1, 加藤 啓太 1, 大楠 秀樹 2, 田中 智樹 2 (1. 農研機構西日本農業研究センター, 2. 日本製粉 (株))

P099 農林水産省の出願品種審査に使用される水稻高温登熟性標準品種の選定

○佐藤 宏之, 石井 卓朗, 太田 久稔, 前田 英郎, 出田 収, 竹内 善伸, 梶 亮太, 長岡 一朗, 平林 秀介, 重宗 明子, 田村 克徳 (農研機構)

- P100 β - グルカン含量が異なる大麦系統におけるホルドインDリン遺伝子が穀粒硬度におよぼす影響**
○高橋 飛鳥, 吉岡 藤治 (農研機構・西日本農研)
- P101 オオムギ系統「谷系 QM-1」の極高 β - グルカン特性の原因遺伝子の解析**
☆中田 克1, 池田 達哉2, 一ノ瀬 靖則3, 関 昌子1, 青木 秀之1, 加藤 常夫4, 小前 幸三5, 長嶺 敬1 (1. 農研機構中央農研, 2. 農研機構西日本農研, 3. 農研機構作物開発センター, 4. 栃木農試, 5. 甲南女子大学)
- P102 ソバに由来するアントシアニン蓄積に関わるグルタチオン-S-トランスフェラーゼ遺伝子**
○松井 勝弘1, 戸松 拓哉1,2, 木ノ内 冨佳1,2, 佐藤 武2 (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 長岡技大・生物機能工)
- P103 大麦品質ぶれに関する研究: 近赤外分析機を用いた β - グルカン含量や硝子率の推定**
○柳澤 貴司1, 長嶺 敬2, 大山 亮3, 加藤 常夫3, 関和 孝博3, 増田 亮一1, 青木 恵美子1 (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 農研機構・中央農研, 3. 栃木農試)
- P104 セイヨウナタネ子実中のクロロフィル含量の品種間差異**
○川崎 光代1,2, 畠山 勝徳2, 高畑 義人2 (1. 農研機構東北農業研究センター, 2. 岩手大・農, 3. 岩手大・農)
- P105 アズキにおける感光性遺伝子 FD1 の詳細マッピングと候補遺伝子の解析**
☆井元 佑亮1, 堀内 優貴2, 山本 博規1, 和田 遥香1, 吉川 晶子1, 得字 圭彦1, 佐藤 仁2, 加藤 清明1 (1. 帯畜大, 2. 道総研十勝農試)

08. 発生・生理 (Development・Physiology)

- P106 マイクロ CT を用いたトウモロコシの茎内維管束ネットワークの可視化**
前野 哲輝2, ○津田 勝利1 (1. 国立遺伝学研究所 実験圃場, 2. 国立遺伝学研究所 哺乳遺伝研究室)
- P107 Morphological characterization of spikelet and microarray analysis of the Large grain mutant found in transposon-tagged lines in rice (*Oryza sativa* L.)**
☆邱 琬貽1,2, 川本 忠文3, 力石 和英2, 氷見 英子2, 西村 秀希2, 梅根 一夫4, 前川 雅彦2 (1. 岡山大・院環境生命, 2. 岡山大・植物研, 3. 鶴見大・中央研究施設 RI センター, 4. 基生研)
- P108 SHOOTLESS/SOOT ORGANIZATION 経路の下流で機能するイネ幹細胞形成因子の探索**
○高橋 (野坂) 実鈴1, 鈴木 俊哉1, 佐藤 (志水) 佐江1, Nhung Ta1, 高橋 宏和2, 鈴木 孝征3, 豊田 敦1, 中園 幹生2, 佐藤 豊1 (1. 国立遺伝学研究所, 2. 名大・院生命農学, 3. 中部大・院応用生物学)
- P109 シロイヌナズナの葉の発達と老化に伴うミトコンドリア形態変化**
☆菅谷 元, 山下 晃弘, 石網 史子, 堤 伸浩, 有村 慎一 (東大・院農生)
- P110 ジャポニカイネ品種日本晴の遺伝背景をもつ準同質遺伝子系統を用いた難脱粒性突然変異体の選抜と遺伝学的解析**
矢野 里実, 笹部 健司, ☆杉田 (小西) 左江子 (香川大学 農学部)
- P111 キンリョウヘンを片親に持つシンビジウム品種における柱頭オーキシン処理による単為発生誘導の品種間差**
三瀬 楓馬, 澤田 昂己, 中野 有紗, 亀山 美里, ○加藤 淳太郎 (愛知教育大学 理科教育講座)
- P112 短時間吸水プライミング処理によるイネの種子寿命の改善**
☆近藤 大輝1, 佐野 直人2, 村田 和優3, 山田 哲也1, 金勝 一樹1 (1. 農工大院・農, 2. フランス国立農学研究所, 3. 富山県農林水産総合技術センター)
- P113 早生型合成パンコムギを1回親に用いる戻し交雑法により育成した早生型「ゆきちから」の生育特性**
☆三田 聖人1, 宅見 薫雄2, 村井 耕二1 (1. 福井県大・生物資源, 2. 神戸大院・農)
- P114 短日条件でダイズの開花を遅延する遺伝要因の解析**
☆横田 侑子1, 山田 哲也1, 佐山 貴司1,2, 加賀 秋人1, 小木曾 映里1, 石本 政男1 (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 農研機構・西日本農業研究センター)
- P115 早生突然変異体コムギ系統における花成遅延復帰変異体 *late-heading 1* の同定**
☆上田 純平1, 風間 裕介2, 阿部 知子2, 村井 耕二1 (1. 福井県大・生物資源, 2. 理研・仁科センター)
- P116 Brassica rapa の BrFLC2as はシロイヌナズナの COOLAIR とは異なる**
シェア ダニエル2, 高田 紗都子1, 西田 菜美子1, 板橋 悦子3, 清水 元樹4, 岡崎 桂一2, ○藤本 龍1 (1. 神戸大・院農学, 2. 新潟大・院自然科学, 3. 農研機構 野菜花き研, 4. 岩手生工研)
- P117 葉身伸長に基づくオオムギ生長過程の表現型可塑性**
○最相 大輔1, 井藤 純2, 辻 寛之2, 平山 隆志1 (1. 岡山大学資源植物科学研究所, 2. 横浜市立大・木原生研)
- P118 カリウム欠乏耐性をもつ野生イネイントロgression系統のトランスクリプトーム解析**
☆大森 良弘, 藤原 徹 (東大院・農生科・応生化)
- P119 ダイズにおける窒素固定寄与率の品種間差の解析**
○梅原 洋佐1, 林 正紀2, 加賀 秋人3, 田中 福代2, 大脇 良成2, 石本 政男3, 林 誠4 (1. 農研機構・生物機能部門, 2. 農研機構・中央農研, 3. 農研機構・作物開発センター, 4. 理研・CSRS)

09. 増殖・生殖 (Multiplication・Reproduction)

P120 Mapping of QTLs for anther length in rice using BC₃F₂ population

☆ Mohammad Wasif Mujadidi^{1,3}, 國分 拓也¹, Kenta Shirasawa², Emdadul Haque¹, Tsutomu Kuboyama¹ (1.Col. Agr., Ibaraki U., 2.Kazusa DNA Res. Inst., 3.Fac. Agri., Kandahar U.)

P121 PacBio シーケンサーリードによるイネ雑種弱勢原因遺伝子 *HWA1* 領域 contig 作成の試み

○久保山 勉¹, 一谷 勝之² (1. 茨大農, 2. 鹿児島大農)

P122 イネ雑種弱勢原因遺伝子 *HWA1*, *HWA2* の連鎖分析ならびに量的効果

☆豊元 大希¹, 田浦 悟², 久保山 勉³, 一谷 勝之^{1,4} (1. 鹿大・院連合農学, 2. 鹿大・遺伝子実験施設, 3. 茨大・農学, 4. 鹿大・農学)

P123 台中 65 号と Lijiangxintuanheigu (LTH) の交雑で見出されたイネの新規 F₂ 弱勢遺伝子 *hwj1* と *hwj2*

☆國枝 真依¹, 鈴木 竜², 田崎 三香子¹, 西内 俊策^{1,3}, 土井 一行¹, 春原 英彦⁴ (1. 名大院生命農学, 2. 名大農, 3. JST さきがけ, 4. 名大生物セ)

P124 イネの F₁ 葯培養における由来の異なる小孢子起源カルスの動態

伊藤 智憲, ○岡本 吉弘, 我妻 尚広 (酪農学園大学)

P125 リンドウの未受精胚珠培養における培地、蕾ステージおよび遺伝子型の影響

☆高村 祐太郎^{1,2}, 高橋 亮², 日影 孝志², 畠山 勝徳¹, 高畑 義人¹ (1. 岩手大学農学部, 2. 八幡平市花き研究開発センター)

P126 *Brassica rapa* の一側性不和合性花粉側因子 *PUI1* の発現解析

☆佐藤 優衣¹, 高田 美信¹, 大坂 正明^{1,2}, 高山 誠司³, 鈴木 剛⁴, 渡辺 正夫¹ (1. 東北大・院生命, 2. 宮城農園研, 3. 東大・院農学生命, 4. 大阪教育大・教育協働)

P127 フツウソバにおける異形花型自家不和合性遺伝子座の解析

☆秋山 彩香¹, 相井 城太郎¹, 佐藤 真吾¹, 田巻 茜¹, 中野 絢菜¹, 安井 康夫², 森 正之³, 大田 竜也⁴, 田中 宥司¹ (1. 新潟薬科大・応用生命科学, 2. 京都大学・農学院, 3. 石川県大・生物資源工学研, 4. 総研大・先導科学)

P128 野生イネ W1112 に由来する細胞質雄性不稔系統と稔性回復系統の分子遺伝学的解析

小松 千春, 志田 怜那, 長 恵理子, 鳥山 欽哉, ○風間 智彦 (東北大・院・農)

P129 イネ葯タペート組織において減数分裂期 siRNA の生合成を制御する bHLH 転写因子のネットワーク

☆小野 聖二郎¹, 田中 啓介², 佐々木 卓治³, 野々村 賢一^{1,4} (1. 遺伝研・実験圃場, 2. 東京農大・生物資源ゲノム解析センター, 3. 東京農大・総合研究所, 4. 総研大・生命科学)

P130 イネ品種 Surjamukhi と Kissin の雑種後代で見られる雑種崩壊現象の原因遺伝子の連鎖分析

☆池本 悠一郎¹, 豊元 大希², 植村 真郷¹, 保木 良太¹, 田浦 悟³, 一谷 勝之¹ (1. 鹿大・農学, 2. 鹿大・院連合農学, 3. 鹿大・遺伝子実験施設)

口頭発表講演方法

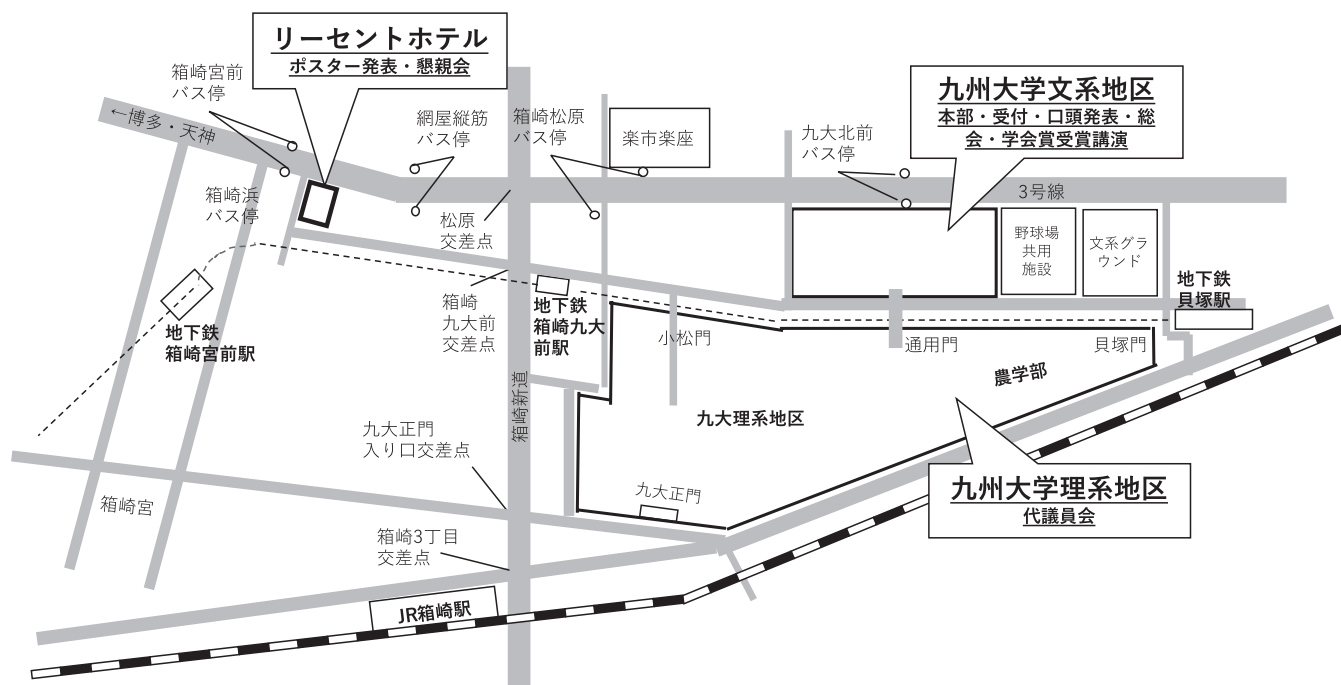
口頭発表の発表形式はプロジェクターによるプレゼンテーションのみです。発表にはご自分のパソコンをご使用ください。大会当日は試写室に試写用のプロジェクターをご用意いたします。発表者はあらかじめ余裕を持って試写を行い、スライドのレイアウトや動作をご確認いただくとともに、パソコンの画面出力先の設定（ミラーリング）方法を必ずご確認ください。

また、パソコンの不具合に備えて大会運営委員会では予備のパソコン1台をご用意しますので、**データのバックアップを入れたUSBメモリを必ずご準備ください。**

1. 使用するノートパソコンの「画面の解像度」をXGA（1024×768ピクセル）に設定してからスライドのレイアウトを確認してください。これよりも大きい画面サイズやワイド画面のパソコンを使用すると、プロジェクターから正しく投影されないことがあります。
2. 画面出力端子の形状がD-sub15ピン（ミニ）であることを確認してください。この形状と異なる場合、Macをご使用になる場合は変換アダプタを準備してください。
3. スクリーンセーバー、省電力設定は解除し、起動音をミュート（消音）にしてください。
4. バッテリートラブルが生じないように電源タップを用意しますので、パソコンの電源コードを準備してください。
5. 次講演者席、次次講演者席に着席したら、電源コード、モニターケーブルを順に接続し、パソコンを起動してください。
6. 発表者の交替の際に、モニターケーブルの記号（A, B, C, D）に合わせて係員がモニター切替器を操作します。発表者の画面がプロジェクターから投影されない場合、発表者はミラーリングの変更を行ってください。なお、トラブルの時間も講演時間に含まれますのでご了承ください。
7. 動画はミラーリングによってプロジェクターから投影されないことがありますので、発表者は試写の際にミラーリング方法をご確認ください。
8. 試写室にはスタッフが常駐しています。不慮の事態における予備のパソコンの貸し出しにつきましては試写室のスタッフにお申し付けください。

その他、ご不明の点は大会運営委員会（jsb133@agr.kyushu-u.ac.jp）にお問い合わせください。

講演会場（九州大学箱崎キャンパス）へのアクセス



【 箱崎キャンパス文系地区までの交通 】

○空港から

地下鉄「福岡空港駅」→「中洲川端駅」（貝塚方面へ乗換・地下鉄箱崎線）→「箱崎九大前駅」

○JR 博多駅・博多バスターミナルから

地下鉄「博多駅」→「中洲川端駅」（貝塚方面へ乗換・地下鉄箱崎線）→「箱崎九大前駅」

○西鉄福岡駅・天神高速バスターミナルから

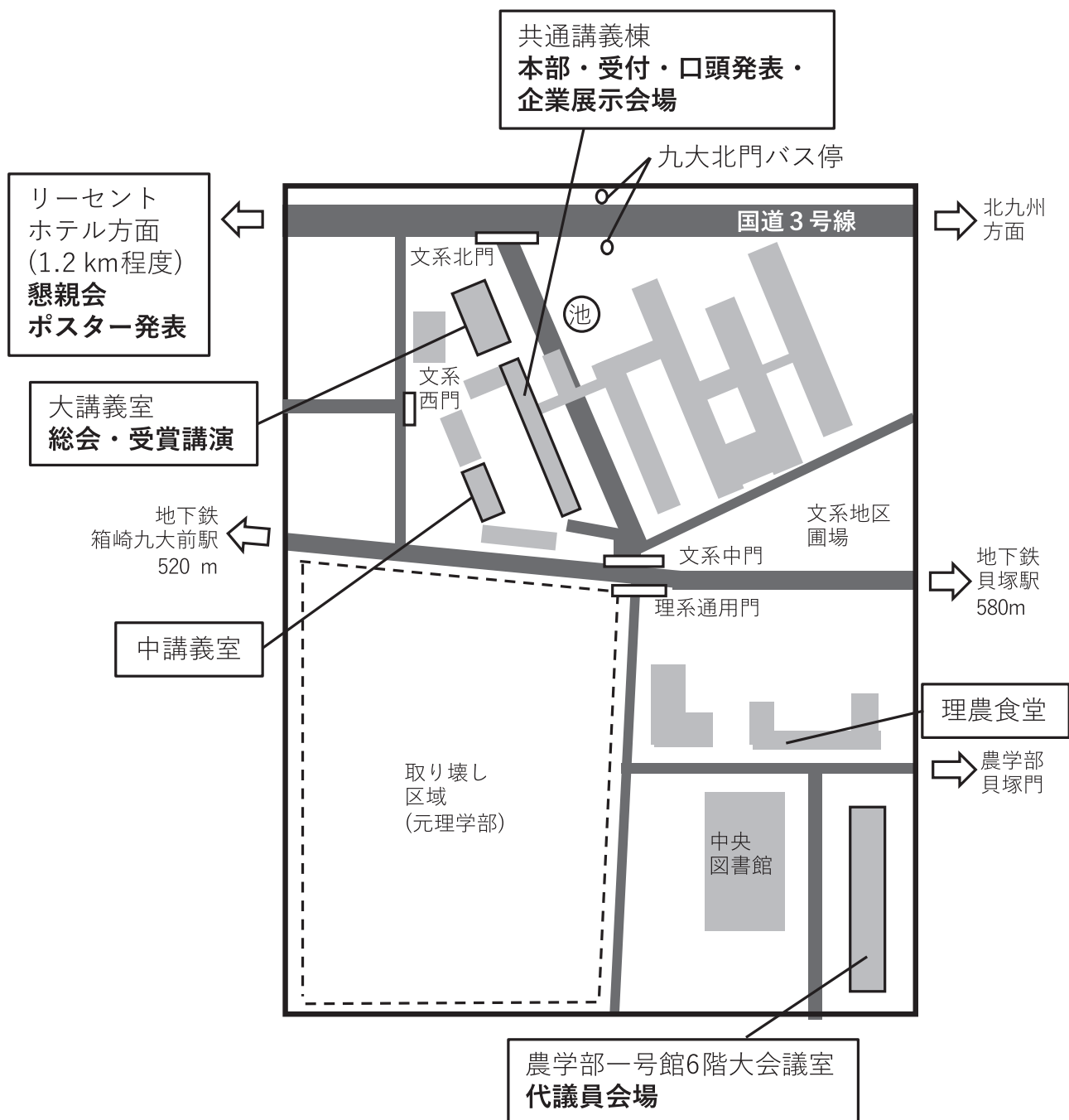
地下鉄「天神」→「中洲川端駅」（貝塚方面へ乗換・地下鉄箱崎線）→「箱崎九大前駅」

○天神地区・博多駅地区から「九大北門」で停車する西鉄バスが利用可能です。

代議員会出席の皆様へ

地下鉄「貝塚駅」にて下車、貝塚門より入構

講演会場案内図（九州大学箱崎キャンパス文系・理系地区）



【 箱崎キャンパス文系地区と福岡リーセントホテル間の交通 】

- 徒歩 15分 (国道3号線沿い)
- 西鉄バス 「九大北門」⇔「網屋縦筋」 2分 190円程度
- 地下鉄「箱崎九大前駅」⇔「箱崎宮前駅」 200円程度

講演会場案内図

文系講義室

