

一般社団法人日本育種学会 第135回講演会プログラム
2019年春季 千葉大学

3月15日 (金)	午後	代議員会 15:00-18:00 (国際教養学部4号館3階 G4-32室)
--------------	----	---------------------------------------

3月16日 (土)	午前	受付 8:00 開始 (国際教養学部 4号館1階 玄関ホール)				
		第1会場 G5-10 教室	第2会場 G5-20 教室	第3会場 G4-24 教室	第4会場 G4-33 教室	第5会場 G4-34 教室
		オミクス・データベース 101-102 9:00-9:30	遺伝子機能 201-202 9:00-9:30	育種法・育種技術 301 9:00-9:15	品種育成・遺伝資源	増殖・生殖 501-505 9:00-10:15
		ゲノム解析・ゲノム育種 103-110 9:30-11:30	抵抗性・耐性 203 9:30-9:45	収量・品質 302-303 9:15-9:45		発生・生理 506-510 10:15-11:30
			遺伝子機能 204-210 9:45-11:30	育種法・育種技術 304-310 9:45-11:30	401-410 9:00-11:30	
		○ 株式会社ジーンベイ ランチョンセミナー 12:15-13:05 (会場:第2会場 G5-20教室) 「Discover Plant genomics with NRGene's technology」 講演演者: Kobi Baruch(NRGene) 「GRAS-DiおよびDeNovoMagic3.0によるイチゴゲノム解析」 講演演者: 榎 宏征(トヨタ自動車株式会社)				
		総会・学会賞授賞式 13:30-14:35 (けやき会館 大ホール)				
		学会賞受賞講演 14:45-18:00 (けやき会館 大ホール)				
	午後	学会賞 14:45-15:20	◎イネのいもち病圃場抵抗性に関する分子育種学的研究 福岡 修一(農研機構・次世代作物開発研究センター)			
		15:20-15:55	◎全ゲノム情報をもちいた突然変異遺伝子およびQTL同定法の開発とその活用 岩手生物工学研究センターゲノム育種研究グループ(寺内良平、阿部陽、高木宏樹)			
		15:55-16:30	◎苦味の無いダッタンソバ品種「満天きらり」の育成 農研機構・北海道農業研究センター・ダッタンソバ品種「満天きらり」育成グループ(代表者:鈴木 達郎)			
		奨励賞 16:45-17:10	◎イネ種間雑種の生殖隔離障壁の打破に関する遺伝育種学的研究 小出 陽平(北海道大学大学院農学研究院)			
		17:10-17:35	◎アブラナ科野菜の農業形質に関する分子遺伝学的解析とその育種への展開 柿崎 智博(農研機構・野菜花き研究部門)			
		17:35-18:00	◎作物における葉の形態形成および juvenile-adult 相転換に関する分子育種学的研究 吉川 貴徳(京都大学大学院農学研究科)			
		懇親会 18:30-20:30(大会館 2階)				

3月17日 (日)	午前	受付 8:30 開始 (国際教養学部 4号館1階 玄関ホール)				
		ポスター発表 9:00-12:00 (けやき会館 2・3階) 奇数番号発表 9:30-10:30 偶数番号発表 10:30-11:30				
		○ 株式会社ベックス ランチョンセミナー 12:00-12:50 (会場:第2会場 G5-20教室) 「植物ゲノム編集の新たな試み」 講演演者: 真壁 壮(株式会社 ベックス) 「逆遺伝学的解析のための機能的なトマトバイオソース」 講演演者: 星川 健(筑波大学 つくば機能植物イノベーション研究センター)				
	午後	第1会場 G5-10 教室	第2会場 G5-20 教室	第3会場 G4-24 教室	第4会場 G4-33 教室	第5会場 G4-34 教室
		ゲノム解析・ゲノム育種 111-121 13:15-16:00	育種法・育種技術 211 13:15-13:30	育種法・育種技術 311-316 13:15-14:45	遺伝子機能 411 13:15-13:30	発生・生理 511-523 13:15-16:30
			遺伝子機能 212 13:30-13:45		収量・品質 412 13:30-13:45	
			抵抗性・耐性 213-214 13:45-14:15		品種育成・遺伝資源	
			遺伝子機能 215-221 14:15-16:00	収量・品質 317 14:45-15:00		413-423 13:45-16:30
		抵抗性・耐性 122-123 16:00-16:30	育種法・育種技術 222-223 16:00-16:30	抵抗性・耐性		
				318-323 15:00-16:30	グループ研究集会 1 生物進化・細胞遺伝学と遺伝資源海外調査の現状と課題 16:45-18:00	グループ研究集会 2 日本植物フェノタイプングネットワーク (JPPN) の立ち上げについて 16:45-18:00

3月16日(土) 午前 口頭発表プログラム

3月16日	第1会場 (G5-10教室)	第2会場 (G5-20教室)	第3会場 (G4-24教室)
	◆座長 吉田 均 (農研機構・生物機能利用研究部門)	◆座長 伊澤 かな (東京農大・バイオサイエンス)	◆座長 米丸 淳一 (農研機構・次世代作物開発セ)
9:00	101 高温ストレス耐性コムギ育成に向けた代謝物プロファイリング ☆松永 幸子 1, 山崎 裕司 2, 妻鹿 良亮 2, 辻本 壽 2 (1. 鳥取大・院持続性社会創生科学, 2. 鳥取大・乾燥地研究センター)	201 ダイズの種皮緑遺伝子 <i>GreenSeedCoat1</i> は黄ダイズの成立の過程で変異型に選抜された ☆神津 拓人 1, 徳光 雄介 1, 山谷 浩史 2, 石本 政男 3, 草場 信 2, 阿部 純 1, 山田 哲也 1 (1. 北海道大・院農学, 2. 広島大・院理学, 3. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	301 雄性不稔系統とセイヨウミツバチを用いたダイズの新規交配法 ○山口 直矢 (北海道立総合研究機構・十勝農業試験場)
9:15	102 植物ゲノム情報ポータルサイト PlantGARDEN の開発 ☆原田 大士朗 1, 市原 寿子 2, 中谷 明弘 2, ジェルフィ アンドレア 1, 藤代 継一 1, 小原 光代 1, 平川 英樹 1, 田畑 哲之 1, 磯部 祥子 1 (1. かずさ DNA 研究所, 2. 大阪大・医学系研究科)	202 ダイズ種皮緑色を決定する <i>Gsc1</i> のオノログの機能解析 ☆山谷 浩史 1, 山田 哲也 2, 草場 信 1 (1. 広島大学・院理, 2. 北海道大学・院農)	302 機械化収穫適性が高く色相が紫色のアズキ新品種「紫さやか」の育成 ○長岡 寛知 1, 2, 長岡 泰良 2, 山田 宗平 3, 小河 俊郁 3 (1. 帯広畜産大学, 2. 株式会社バイオテック, 3. 株式会社御座候)
9:30	103 エンドウの莢の色に関する遺伝子座の特定 ○白澤 健太 1, 佐々木 和浩 2, 磯部 祥子 1 (1. かずさ DNA 研, 2. 東大, 3. 現・国際農研)	203 ダイズ低温着色抵抗性に関与する新規遺伝子座 <i>qCSCD14</i> の効果検証 ☆佐藤 優美 1, 山口 直矢 2, 千田 峰生 1 (1. 弘前大・農学生命科学, 2. 道総研・十勝農試)	303 DNA マーカーを利用した劣性 <i>F3'H</i> 対立遺伝子の集積によるサツマイモ塊根アントシアニン組成の改変 ○田中 勝, 高畑 康浩, 境 哲文 (農研機構・九沖農研)
9:45	104 米国品種に由来するダイズの主茎節間長に関する QTL の検出 ☆菱沼 亜衣 1, 福田 篤徳 2, 杉本 琢真 3, 内川 修 4, 森田 茂樹 4, 奥野 竜平 4, 加藤 信 1, 佐山 貴司 5, 横田 侑子 2, 清水 武彦 2, 田口 文緒 2, 小木曾 映里 2, 加賀 秋人 2, 羽鹿 牧太 2, 石本 政男 2 (1. 農研機構・東北農研, 2. 農研機構・次世代研, 3. 兵庫県農林水産技術センター, 4. 福岡県農林業総合試験場, 5. 農研機構・西日本農研)	204 リボキシゲナーゼ-3 遺伝子に変異を誘発させたダイズの生理・生化学的な特徴付け ☆古川 雄登, 金刺 佑平, 廣瀬 亜矢, 阿部 純, 山田 哲也 (北大・院農)	304 イネの高速世代促進技術 sBBS による「あきだわら」を遺伝背景とした効率的遺伝子ピラミディング ○田中 淳一 1, 福岡 修一 1, 黒木 慎 1, 山本 敏央 1, 2 (1. 農研機構次世代作物開発センター, 2. 岡山大学資源植物科学研究所)
10:00	105 QTL-seq 解析によるアワ (<i>Setaria italica</i>) の草丈に関与する遺伝子領域の同定 ☆吉津 祐貴 1, 高草木 雅人 1, 阿部 陽 2, 高木 宏樹 2, 3, 小林 光智衣 2, 長谷川 聡 1, 寺内 良平 2, 4 (1. 岩手県農業研究センター県北農業研究所, 2. 岩手生物工学研究センター, 3. 石川県立大学, 4. 京都大学農学部)	205 イネ GS3 遺伝子および DEP1 遺伝子がコードするタンパク質の同定 西山 明希, 松田 さくら, 茶谷 悠輝, 伊藤 貴文, 三浦 孝太郎, ☆岩崎 行玄 (福井県立大学 生物資源学部)	305 ゲノムワイド SNP マーカーを用いたサツマイモ (<i>Ipomoea batatas</i>) 農業形質の GWAS および QTL 解析 ☆ハク エムダウドル 1, 田淵 宏朗 1, 門田 有希 2, 末松 恵祐 1, 白澤 健太 3, 磯部 祥子 3, 田中 勝 1 (1. 農研機構・九沖農研, 2. 岡山大, 3. かずさ DNA 研)
	◆座長 矢部 志央理 (農研機構 次世代作物開発研究センター)	◆座長 藤本 龍 (神戸大・院農)	◆座長 門田 有希 (岡山大・院環境生命)
10:15	106 温州ミカン後代の雄性不稔性は <i>MS-P1</i> 領域のハプロタイプブロックの組み合わせによって決定される ○後藤 新悟, 太田 智, 野中 圭介, 濱田 宏子, 吉岡 照高, 清水 徳朗 (農研機構・果樹茶業研究部門)	206 トウジンビエ全ゲノムにおける SQUAMOSA promoter binding-like 転写因子ファミリー遺伝子の同定と機能解析 ☆シンデハラシラジ 1, デュダテアンピカ 1, 大角 津釜 1, 柳 参至 2, 高野 哲夫 1 (1. 東京大学, 環境ストレス耐性機構研究室, 2. 浙江農林大学)	306 UAV を用いたダイズミニコアコレクションの群落構造関連形質の評価 ○加賀 秋人 1, 郭 威 2, 黒川 俊二 3, 藤井 健一朗 1, 関根 大輔 1, 津田 麻衣 4, 福田 篤徳 1, 岩田 洋佳 2 (1. 農研機構・次世代作物開発センター, 2. 東大・院農学生命科学, 3. 農研機構・中央農研, 4. 筑波大・T-PIRC)
10:30	107 イネ由来の除草剤抵抗性遺伝子 <i>HIS1</i> の進化と類似遺伝子の多様化 ○吉田 均 1, 村田 和優 2, 李 鋒 3, 前田 英郎 4, 戸澤 謙 5, 山崎 明彦 6, 関野 景介 6, 鈴木 悟 6, 小松 晃 1, 廣瀬 咲子 1, 黒木 慎 3 (1. 農研機構・生物機能利用部門, 2. 富山農総セ, 3. 農研機構・作物開発セ, 4. 農研機構・中央農研, 5. 埼玉大・理工, 6. 株式会社エス・ディー・エスバイオテック)	207 シロイヌナズナにおける CRISPR/Cas9 system の応用した遺伝子ターゲティング ☆三木 大介, Wenxin Zhang, Peng Fangnan, Wenjie Zeng, Zhu Jian-Kang (中国科学院上海植物逆境生物学研究中心)	307 水稲個体選抜過程において生じた遺伝子型および表現型の動的変化 ○米丸 淳一, 常松 浩史, 福岡 修一, 石井 卓朗 (農研機構 次世代作物開発研究センター)
10:45	108 塩ストレス下でのオオムギの花粉稔性低下に関わる遺伝子の探索 ☆見玉 明日香 1, 成田 亮平 1, 山口 真功 1, 久野 裕 2, 安達 俊輔 1, 高木 宏樹 3, 平沢 正 1, 佐藤 和広 2, 大川 泰一郎 1 (1. 農工大・院農, 2. 岡山大・植物研, 3. 石川県大・生物資源)	208 AtHKT1;1 プロモーターの発現解析と AtHKT1;1 pro-SvHKT2 の発現が耐塩性に与える影響 ○多田 雄一, 釘宮 朋己 (東京工科大学応用生物学部)	308 ダイズの干ばつ応答評価のためのマルチスペクトル画像解析 ☆佐々木 剛志 1, 戸田 悠介 1, 大森 良弘 1, 山崎 裕司 2, 高橋 宏和 3, 高梨 秀樹 1, 津田 麻衣 4, 鐘ヶ江 弘美 1, 辻本 壽 2, 加賀 秋人 5, 中園 幹生 3, 藤原 徹 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 鳥取大・乾燥地研, 3. 名大・院生命農学, 4. 筑波大・T-PIRC, 5. 農研機構・次世代作物開発研究センター)
11:00	109 水稲ネリカから検出された嫌気条件下における発芽・伸長に関与する QTL (<i>qCEA1</i>) のファインマッピング ☆久家 徳之 1, 孫 健 1, 2, 飯島 健 1, Yuxin Shi 3, 米丸 淳一 1, Susan McCouch 3, Ramaiah Venusprasad 4, 山本 敏央 1, 5 (1. 農研機構次世代作物開発研究センター, 2. 瀋陽農業大学, 3. コーネル大学, 4. アプリカライズセンター, 5. 岡山大学資源植物科学研究所)	209 日本のイネ育種において転移因子 mPing はいつ不活性化したのか ○池田 裕一 1, 寺本 翔太 2, 谷坂 隆俊 3, 奥本 裕 4, 柴山 拓司 1 (1. 近畿大学農学部, 2. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 3. 吉備国際大学地域創成農学部, 4. 京都大学大学院農学研究科)	309 極小化と反応ステップ数低減によるジェノタイプング低コスト化の技術的限界と可能性について ☆小木曾 映里, 山田 哲也, 南條 洋平, 加賀 秋人, 羽鹿 牧太 (農業食品産業技術総合研究機構 次世代作物開発研究センター)
11:15	110 イネバイアレリックジーンターゲット後代個体における、マーカー遺伝子の遺伝学的分離 ☆大槻 並枝 1, 本澤 恵子 2, 土岐 精一 1, 3 (1. 農研機構・生物機能利用研究部門, 2. 日清製粉㈱・つくば穀物科学研究所, 3. 横浜市大・木原生研)	210 イネの胚乳と胚におけるトランスポゾンの発現動態 ☆永田 博基 1, 小野 明美 1, 福田 友一 1, 貴島 祐治 2, 矢野 健太郎 3, 木下 哲 1 (1. 横浜市立大学木原生物学研究所, 2. 北海道大学農学研究院, 3. 明治大学農学部)	310 UAV リモートセンシングを用いたダイズの成長過程の経時的観察とゲノミック予測への応用 ☆戸田 悠介 1, 佐々木 剛志 1, 大森 良弘 1, 山崎 裕司 2, 高橋 宏和 3, 高梨 秀樹 1, 津田 麻衣 4, 鐘ヶ江 弘美 1, 辻本 壽 2, 加賀 秋人 5, 中園 幹生 3, 藤原 徹 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 鳥取大・乾燥地研究セ, 3. 名大・院生命農学, 4. 筑波大・T-PIRC, 5. 農研機構・次世代作物開発研究センター)

第4会場 (G4-33教室)		第5会場 (G4-34教室)		3月16日
◆座長 山根 京子 (岐阜大・応用生物)		◆座長 佐久間 俊 (鳥取大・農)		
401	低温苗立性に優れた水稲新品種「育471号」の育成 ○平山 裕治 1, 木内 均 1, 西村 努 2, 道満 剛平 1, 前川 利彦 1, 佐藤 博一 2, 佐藤 毅 3, 沼尾 吉則 4, 品田 博史 5, 吉村 徹 2, 粕谷 雅志 5, 尾崎 洋人 3, 木下 雅文 2, 菅原 彰 6, 其田 達也 5, 小倉 玲奈 5, 林 和希 5, 阿部 珠代 2, 岩田 夏子 7 (1. 道総研上川農試, 2. 道総研中央農試, 3. 道総研道南農試, 4. 札幌市, 5. 道総研北見農試, 6. 道総研十勝農試, 7. ホクレン農業総合研究所)	501	<i>Diplotaxis erucooides</i> 由来の外來性オルガネラゲノムを導入した <i>Brassica napus</i> における部分的雄性不稔性回復機構の探索 ☆藤田 祥明 1, 2, 沈 受焯 1, 大西 孝幸 1, 3, 房 相佑 1 (1. 宇大・農, 2. 農工大・院連農, 3. JST・さきがけ)	9:00
402	早生型合成バンコムギを1回親に用いる戻し交雑法により育成された早生型「春よ恋」の品質関連遺伝子型解析 ☆三田 聖人 1, 宅見 薫雄 2, 村井 耕二 1 (1. 福井県立大学生物資源, 2. 神戸大学院農学部)	502	花粉壁の構造を制御するエステラーゼ ○津釜 大佑 1, 2, 高野 哲夫 2, 藤野 介延 1 (1. 北大・院農, 2. 東大・アジアセンター)	9:15
403	酒造好適米「百田」の育成と主要特性 ○高橋 竜一 1, 柴田 智 1, 大野 剛 2, 児玉 雅 2, 加藤 和直 1, 川本 朋彦 1 (1. 秋田県農試・作物, 2. 秋田県総合食研・醸試)	503	<i>B. rapa</i> 自己認識特異性をもつ形質転換シロイヌナズナの作製 ○山本 雅也 1, 北柴 大泰, 西尾 剛 (東北大学大学院農学研究科 植物遺伝育種学分野)	9:30
404	水稲新品種「雪若丸」の食味特性 ☆後藤 元 1, 阿部 洋平 2, 松田 晃 3, 浅野 謙之 2, 鈴木 啓太郎 4, 新田 洋司 5, 中場 勝 1 (1. 山形県農業総合研究センター, 2. 山形県農林水産部, 3. 山形県農業総合研究センター水田農業試験場, 4. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 5. 福島大学)	504	野生一粒系コムギのゲノムを持つ合成異質6倍体の表現型変異 ☆道川 麻美 1, 吉田 健太郎 1, 長崎 清孝 2, 池田 達哉 3, 宅見 薫雄 1 (1. 神戸大学大学院農学研究科植物遺伝学研究室, 2. 岡山大植物研, 3. 農研機構西日本農研センター)	9:45
405	酒造好適米新品種「さかほまれ」の育成 ☆中岡 史裕 1, 小林 麻子 1, 林 猛 1, 吉永 朱里 2, 奥田 将生 3, 町田 芳恵 1, 両角 悠作 1, 田野 真 1, 酒井 究 1, 渡辺 和夫 1, 富田 桂 1 (1. 福井農試, 2. 福井食研, 3. 酒類総研)	505	コムギ近縁種 <i>Aegilops umbellulata</i> がもつ二粒系コムギとの間の雑種矮性原因遺伝子の遺伝解析 ☆岡田 萌子 1, 吉田 健太郎 1, 佐藤 和広 2, 宅見 薫雄 1 (1. 神戸大院農, 2. 岡山大植物研)	10:00
◆座長 川本 朋彦 (秋田県農試)		◆座長 山本 雅也 (東北大・院農)		
406	未利用遺伝資源を含んだ節肥性コムギ系統の作成 ☆山崎 裕司 1, Yasir Gorafi 1, Izzat Tahir 2, 辻本 壽 1 (1. 鳥取大学乾燥地研究センター分子育種学研究室, 2. スーダン農業研究機構)	506	ソルガムにおける juvenile-to-adult 相転換について ☆橋本 舜平, 手塚 孝弘, 横井 修司 (大阪府大院・生命環境科学)	10:15
407	葉緑体遺伝子領域のシーケンシングに基づくカラムシ及び近縁イラクサ科植物の多様性・系統解析 ☆西田 悠希 1, 菅家 博昭 2, 舟木 由貴子 3, 村上 弘子 4, 高橋 里奈 5, 松田 淳一 6, 笹沼 恒男 1 (1. 山形大・院農, 2. 会津学研究会, 3. 昭和村からむし生産技術保存協会, 4. 青葙復活夢見隊, 5. 大江町地域おこし協力隊, 6. 大江町教育委員会)	507	コムギの稔実小花数増加による多収化 ☆佐久間 俊 1, 2, Golan Guy 3, Guo Zifeng 2, 小川 泰一 4, 田切 明美 4, 杉本 和彦 4, 大西 志全 5, 神野 裕信 5, 山下 陽子 6, Peleg Zvi 3, Schnurbusch Thorsten 2, 小松田 隆夫 4 (1. 鳥取大学農学部, 2. IPK, 3. Hebrew University of Jerusalem, 4. 農研機構, 5. 北見農業試験場, 6. 中央農業試験場)	10:30
408	トウガラシ <i>chinense</i> 種の遺伝資源におけるカロテノイド合成経路遺伝子 <i>Psy</i> 及び <i>Ccs</i> の DNA マーカーを用いた多様性解析 鶴巻 啓一 1, 稲葉 有紀 2, 千葉 翔子 2, ○笹沼 恒男 1, 2 (1. 岩手大・院連合農学, 2. 山形大・農)	508	異なるDゲノムを持つ合成バンコムギにおけるAおよびBゲノムの花成関連遺伝子の発現パターン変化 ○村井 耕二 1, 水内 友美子 1, 大山 貴裕 1, 山影 裕也 1, 藤原 佑紀 1, 宅見 薫雄 2 (1. 福井県大・生物資源, 2. 神戸大院・農)	10:45
409	日本のワサビ属植物における葉緑体DNAの種内変異と辛味成分前駆体グルコシノレート組成の多様性 ☆羽賀 夏子 1, 馬場 富二夫 2, 久松 奨 2, 高島 茂雄 3, 山根 京子 1 (1. 岐大応生, 2. 静岡農林研伊豆農研セ, 3. 岐大科基セ)	509	一粒系コムギ DV92 系統における花成遅延変異体 <i>late-heading 2~5 (lh2~5)</i> の同定 ☆上田 純平 1, 風間 裕介 2, 阿部 知子 2, 村井 耕二 1 (1. 福井県大生物資源, 2. 理研仁科センター)	11:00
410	野生および栽培ワサビの辛味成分含有量比較 ○山根 京子 1, 加藤 朋恵 2, 石田 佳織 2, 羽賀 夏子 1, 奥西 勲 2, 小林 恵子 1 (1. 岐大応生, 2. 金印(株))	510	<i>Aegilops mutica</i> 細胞質置換コムギ系統において異種細胞質は花成促進遺伝子 <i>VRN1</i> の発現上昇を抑制する ☆松村 実奈, 村井 耕二 (福井県立大学生物資源学部)	11:15

3月17日	第1会場 (G5-10教室)	第2会場 (G5-20教室)	第3会場 (G4-24教室)
	◆座長 最相大輔 (岡山大・資源植物科学研)	◆座長 掛田克行 (三重大・生物資源)	◆座長 高橋宏和 (名大・院生命農学)
13:15	111 NARO ダイズコアコレクション多型解析 ☆鐘ヶ江弘美1,長崎英樹2,加賀秋人3,平野恒4,小本曾映里3,松岡信4,石本政男3,明石良5,磯部祥子2,岩田洋佳1 (1.東京大学大学院農学生命科学研究科, 2.かずさDNA研, 3.農研機構・次世代作物開発研究セ, 4.名古屋大・生物機能開発利用研究センター, 5.宮崎大学)	211 明視野選抜マーカーの誘導的脱落による新規遺伝子組換え法の開発 ☆福田真由, 井川智子 (千葉大・院・園芸)	311 ドローンを用いたイネ株開きの調査 ○常松浩史1,小川大輔1,坂本利弘2,野々上慈徳1,菅野徳子1,山本敏央1,米丸淳一1 (1.次世代作物開発研究センター, 2.農業環境変動研究センター)
13:30	112 遺伝子型×年次交互作用モデルによるソルガムのゲノムワイド関連解析 ○石森元幸1,高梨秀樹1,藤本優1,鐘ヶ江弘美1,米田淳一2,徳永毅2,堤伸浩1,岩田洋佳1 (1.東京大・院農学生命科学, 2.アースノート (株))	212 ハクサイにおけるノンコーディングRNAの同定 西田菜美子1,シェアダンエル2,板橋悦子3,アクタヤヤシヤ1,宮路直実1,メエラジハサン1,柿崎智博3,岡崎桂一2,藤本龍1 (1.神戸院農学研究科, 2.新潟大院自然科学, 3.農研機構野菜花き研究部門)	312 初期生育期のバイオマス予測のための多収稲MAGIC系統群のドローン観察 ☆小川大輔1,常松浩史1,坂本利弘2,野々上慈徳1,菅野徳子1,米丸淳一1 (1.農研機構作物開発セ, 2.農研機構農業環境セ)
13:45	113 効率的な反復配列除去技術の開発とコムギゲノム解析への応用 ☆市田裕之, 阿部知子 (理研・仁科センター)	213 PolA1ヘパリンRNAを発現するタバコは、ネコブセンチュウの増殖を抑制し、農業品質の改善を示す ☆Peter Chukwurah, Samuel Poku, 横山 瑛, 六戸 雅宏, 中村 郁郎 (千葉大学園芸学研究所)	313 全国規模のヒストリカルデータをいかにゲノミックセレクションへ利用するか:ダイズにおける研究例 ○小野木章雄1,2,3,関根大輔4,加賀秋人1,二宮正士5 (1.農研機構・次世代作物, 2.農研機構・農業情報研セ, 3.JSTさきがけ, 4.農研機構・野菜花き研究部門, 5.東京大・院農学生命科学)
14:00	114 主成分分析を用いたイネ草型に関するGWA解析 ☆矢野 憲司1,平野 恒2,吉田 晋弥3,北野 英己2,田宮 元1,松岡 信2 (1.理化学研究所 革新知能統合研究センター, 2.名古屋大学 生物機能開発利用研究センター, 3.龍谷大学 農研)	214 PolA1 遺伝子を標的とするRNA干渉を用いたマノサイセンチュウの生育抑制 ☆渡辺康平1,宇佐見 俊行1,福原 一成2,中村 郁郎1 (1.千葉大・院・園芸, 2.千葉県農林総合研究センター 森林研究所)	314 成長早期の表現型計測を用いたゲノミック予測のコストと精度に関する最適化 ☆濱崎 甲資, 岩田 洋佳 (東京大・院農学生命科学)
14:15	115 米の食味に関するGWA解析 ☆森 政樹, 平野 恒, 小川 ひかり, 川村 真結子, 松岡 信 (名古屋大 生物機能開発利用研究センター)	215 ◆座長 川浦 香奈子 (横浜市大・木原生研) イネ胚乳発生におけるOsEMF2aの機能解析 ☆西野 愛1,殿崎 薫1,2,国定 愛美1,小野 明美1,木下 哲1 (1.横浜市立大学 木原生物学研究所, 2.カリフォルニア大学 デービス校)	315 ◆座長 三柴 啓一郎 (大阪府大・院生命環境) 植物個体の全周囲画像と3次元モデルを活用した器官形状の計測法の開発 林 篤司, 兒玉 晋洋, 磯部 祥子, ○セタ 高也 (かずさDNA研究所 植物ゲノム・遺伝学研究室)
14:30	116 ◆座長 山内 卓樹 (東大・院農生) イネ穂構造と粒重分布の遺伝子型と環境の交互作用を考慮したゲノミック予測 ☆矢部 忠実理1,2,吉田 ひろえ1,鐘ヶ江弘美3,山本 英司2,4,山崎 将紀5,岩田 洋佳3,江花 薫子1,伏見 栄利奈1,前田 英郎1,林 武司1,中川 博視1 (1.農業・食品産業技術総合研究機構, 2.JSTさきがけ, 3.東京大・院農学生命科学, 4.かずさDNA研究所, 5.神戸大・院農・附属食資源教育研究センター)	216 オオムギの標的変異効率に対する萌芽時高温処理の効果 ○小川 泰一, 土岐 精一 (農研機構・生物機能利用研究部門)	316 大豆育種における高効率DNAマーカー選抜体制の構築 ☆大木 信彦1,高橋 将一1,加賀 秋人2 (1.農研機構・九沖農研, 2.農研機構・次世代研)
14:45	117 初期伸長性QTLと半矮性遺伝子の集積が水稻形態に与える影響 ○仲條 真介1,阿部 陽2,藤岡 智明1,寺内 良平2 (1.岩手農研セ, 2.岩手生工研)	217 オオムギにおける種子休眠性遺伝子Qsd1およびQsd2のゲノム編集 ○久野 裕1,Robert Hoeffle2,山根 美樹1,宗森 広美1, Jochen Kümlehn2,佐藤 和広1 (1.岡山大学 資源植物科学研究所, 2.ライプニッツ植物遺伝作物学研究所)	317 合成パンコムギを用いたタルホコムギ種子の硬軟質性変異の評価 ☆三木 祐香1,岡田 萌子1,吉田 健太郎1,池田 達哉2,宅見 薫雄1 (1.神戸大学大学院農学研究科植物遺伝学研究室, 2.農研機構西日本農研センター)
15:00	118 スネークメロン (Cucumis melo L. var. flexuosus) の果実形態のQTL解析 ☆松尾 宏樹1,白澤 健太2,磯部 祥子2,吉岡 洋輔3 (1.筑波大・院生命環境科学, 2.かずさDNA研, 3.筑波大・生命環境系)	218 コムギの開花・開花性に対するAP2同祖遺伝子変異の集積効果 ○掛田 克行, 渡邊 聖桓, Hlaing Moe Haing (三重大・生物資源)	318 タバコ翻訳開始因子の突然変異はPotato Virus Yの抵抗性打破系統に対する感受性を低下させる ○高倉 由光, 宇田川 久史, 新城 亮, 古賀 一治 (JT葉たばこ研)
15:15	119 Hi-Cを用いたサブクロマチンゲノムのPseudomolecules構築 ○磯部 祥子1,白澤 健太1, Andrea Ghelfi1, Roger Moraga2, 平川 英樹1,長崎 英樹1, Andrew Griffiths2, Jeanne Jacobs2, Kioumars Ghamkhar2 (1.かずさDNA研究所, 2.アグリサーチ)	219 ◆座長 久野 裕 (岡山大・資源植物科学研) mitoTALENによるミトコンドリアゲノム編集:BT型細胞質雄性不稔性イネにおけるミトコンドリア遺伝子orf79の破壊 ○風間 智彦1,巨 悠太2,堤 伸浩2,鳥山 欽哉1,有村 慎一2,3 (1.東北大院・農, 2.東大・院農学生命, 3.JSTさきがけ)	319 Tobacco bushy top virusへの感受性低下に關与するタバコ翻訳開始因子の同定 ○宇田川 久史1,2,新城 亮1,古賀 一治1,北柴 大泰2,高倉 由光1 (1.JT葉たばこ研, 2.東北大院農学研究科)
15:30	120 「てんたかく」の粒厚を改善するqGTH3のファインマッピング ☆山口 琢也1,溝淵 律子2,田口 文緒2,福岡 修一2,北澤 則之2,伊山 幸秀3,藤田 健司4,池田 博一5 (1.富山県農林水産総合技術センター農業研究所, 2.農研機構, 3.高岡農林振興センター, 4.新川農林振興センター, 5.砺波農林振興センター)	220 mitoTALENによるミトコンドリアゲノム編集:ナタネ細胞質雄性不稔関連遺伝子orf125の遺伝子破壊と稔性回復 ☆鶴田 遊1,菅谷 元1,柳瀬 俊吾1,巨 悠太1,風間 智彦2,肥塚 千恵3,堤 伸浩1,肥塚 信也3,有村 慎一1 (1.東大・院農生, 2.東北大・院農, 3.玉川大・農)	320 イネ品種PI231129のイネ白葉枯病に対する抵抗性II.イネ白葉枯病抵抗性遺伝子Xa11の関与 ○田浦 悟1,川口 祥輝2,一谷 勝之2 (1.鹿大 遺伝子, 2.鹿大農)
15:45	121 GRAS-Di法によるオオムギ遺伝資源のゲノム多様性解析 ○最相 大輔1,榎 宏征2,鈴木 一代2 (1.岡山大学 資源植物科学研究所, 2.トヨタ自動車 (株))	221 mitoTALENによるミトコンドリアゲノム編集:シロイヌナズナATP6の遺伝子破壊とmitoTALEN技術の改良 ☆菅谷 元, 鶴田 遊, 柳瀬 俊吾, 巨 悠太, 堤 伸浩, 有村 慎一 (東大・院農生)	321 アフリカ産野生イネOryza longistaminataのツマグロヨコバイ高度抵抗性は4つの抵抗性アレルの集積効果による ☆セインニエワ, 山形 悦透, マイ ヴァンタン, 安井 秀 (九大院農)
16:00	122 野生イネの持つカリウム欠乏耐性遺伝子の同定 ☆大森 良弘, 藤原 徹 (東大・院農学生命科学)	222 TALENsを用いたCmDMC1遺伝子(群)の同時ノックアウトによる雄性・雌性不稔ギクの創出 ☆藤山 治恵1,市川 裕章2,横井 (西澤) 彩子2,3,スカプトソフ ミハイル4,土岐 精一2,5,6 (1.福井農試, 2.農研機構・生物機能部門, 3.JST・さきがけ, 4.アルタイ国大, 5.横浜市大・ナノシステム研, 6.横浜市大・木原生研)	322 低リン水田で栽培したイネの、収量関連形質のゲノム解析 ☆橋本 康史1,山崎 将紀2,清水 顕史3 (1.滋県大・院環境科学, 2.神大・院食資源センター, 3.滋県大・院環境科学)
16:15	123 多様な土壌水分環境に適応的なイネ科植物の根の解剖学的形質のモデル化 ☆山内 卓樹1,2,中國 幹生3,堤 伸浩2 (1.JSTさきがけ, 2.東大・院農生, 3.名大・院生命農学)	223 DNA Polymerase theta 欠損イネおよびシロイヌナズナにおけるアグロバクテリウム形質転換頻度の解析 ○雜賀 啓明1,横井 彩子1,2,原 奈穂1, Lan-Ying Lee3,土岐 精一1,4, Stanton B. Gelvin3 (1.農研機構・生物機能利用研究部門, 2.JST・さきがけ, 3.Purdue 大学, 4.横浜市大・木原生研)	323 イネ穂ばらみ期の薬における低温応答の品種間差異 ☆山森 晃一1,小笠原 慧1,石黒 聖也1,菊池 駿太1,小出 陽平1,藤野 介延1,佐藤 裕2,貴島 祐治1 (1.北海道大・院農, 2.北農研)

第4会場 (G4-33教室)		第5会場 (G4-34教室)		3月17日
◆座長 一谷勝之(鹿児島大・農)		◆座長 西田英隆(岡山大・院環境生命)		
411	バイオマス利用に向けたソルガム形質転換技術の開発 ○伊澤 かな 1, 徳江 京子 2, 坂本 真吾 3, 中田 未友希 3, 光田 展隆 3, 江面 浩 4 (1. 東京農大・バイオサイエンス, 2. 筑波大院・生命環境, 3. 産総研・生物プロセス, 4. 筑波大・生命環境系 T-PIRC)	511	イネの花序構築を制御する BELL1 型ホモオボックス遺伝子 <i>RI1</i> と <i>RI1</i> の機能解析 池田 拓之 1, 田中 若奈 1, 鳥羽 大陽 1, 7. 鈴木 千絵 1, 前野 哲輝 2, 津田 勝利 2, 城石 俊彦 2, 倉田 哲也 3, 坂本 智昭 4, 村井 正之 5, 松坂 弘明 6, 熊丸 敏博 6, ○平野 博之 1 (1. 東京大・院理, 2. 国立遺伝研, 3. エディットフォース, 4. 京産大・生命, 5. 高知大・農, 6. 九州大・院理, 7. 東北大・院生命)	13:15
412	テンサイ初期生育におけるヘテロシスの表現型と遺伝子発現解析 ☆北崎 一義, 大久保 めぐみ, 久保 友彦 (北大・院農学)	512	イネの腋芽形成過程における幹細胞維持の制御メカニズム ☆田中 若奈, 平野 博之 (東大・院理)	13:30
413	イネの枝作り酵素 (BE) の二重欠損が稔実性に及ぼす影響 ☆三浦 聡子, 幸山 奈那, クロフツ 尚子, 保坂 優子, 阿部 美里, 藤田 直子 (秋田県立大学生物資源)	513	個体の成長にともない葉の形態異常が生じるイネ変異体の発生学的解析 ☆松本 光梨 1, 安居 佑季子 1, 石川 哲也 2, 鈴木 保宏 2, 平野 博之 1 (1. 東大・院理, 2. 農研機構)	13:45
414	難消化性澱粉を多く含む米系統の実用化に向けて, 農業形質, 澱粉構造 ○川本 朋彦 1, 加藤 和直 1, 高橋 竜一 1, 高橋 里矢子 1, 保坂 優子 2, 阿部 美里 2, クロフツ 尚子 2, 三浦 聡子 2, 追留 那緒子 2, 藤田 直子 2 (1. 秋田県農業試験場, 2. 秋田県立大学)	514	極性異常葉を生じるイネ突然変異体の表現型と原因遺伝子の解析 ☆手塚 拓海 1, 小林 俊貴 1, 渡辺 友和 1, 佐藤 理絵 2, 我彦 廣悦 1, 水澤 信洋 1, 佐藤 (水澤) 奈美子 1 (1. 秋県大・生物資源, 2. 秋県大・院生物資源)	14:00
415	難消化性澱粉を多く含む, 澱粉構造が異なる複数の米系統の性質 菊地 佳奈 1, 三浦 聡子 1, クロフツ 尚子 1, 保坂 優子 1, 阿部 美里 1, 川本 朋彦 2, 加藤 和直 2, 高橋 竜一 2, 高橋 里矢子 2, ○藤田 直子 1 (1. 秋田県立大学生物資源科学部, 2. 秋田県農業試験場作物部)	515	◆座長 辻寛之(横浜市大・木原生研) オオムギ 2H 染色体の新規早生 QTL が出穂期間連遺伝子の発現パターンに及ぼす影響 ○西田 英隆 1, 岩本 健 2, 横田 真吾 1, 青木 恵美子 3, 加藤 謙司 1 (1. 岡山大院環境生命, 2. 岡山大農, 3. 農研機構・作物開発センター)	14:15
416	◆座長 高橋 竜一 (秋田県農試) CSSL 群落の遺伝子型が混植した日本晴の植被率に及ぼす効果 ☆庄田 匡志, 宮島 実季, 吉川 貴徳, 寺石 政義, 奥本 裕 (京都大学大学院農学研究所)	516	普通ソバの生態型を制御する日長応答性に関する遺伝解析 ☆竹島 亮馬, 小木 曾 映里, 松井 勝弘 (農研機構・次世代作物開発研究センター)	14:30
417	画像解析を用いたダイコンの根形を特徴付ける形質による多様性評価 ☆淡 裕美子 1, 淡 誠一郎 2, 吉田 康子 3 (1. 神戸大院・農, 2. 大阪学院大・情報, 3. 神戸大院・農・食資源セ)	517	次世代シーケンサーを用いたダッタンソバ果皮形質に関する遺伝子解析 ☆福家 優花 1, 津釜 大侑 2, 3, 下山 花 4, 森下 敏和 5, 藤野 介延 2 (1. 北海道大学農学部, 2. 北海道大学大学院農学研究院, 3. 東京大学アジア生物資源環境研究センター, 4. 京都大学大学院アジア・アフリカ地域研究研究科, 5. 農研機構次世代作物開発研究センター)	14:45
418	遺伝資源センターのイネ NGS データの有効利用について ○MATT SHENTON 1, 田中 伸裕 1, 杉本 和彦 1, 江花 薫子 2, 石本 政男 1 (1. 農業・食品産業技術総合研究機構次世代作物開発研究センター 基盤研究領域, 2. 農業・食品産業技術総合研究機構 遺伝資源センター)	518	シヨ糖液を蓄積するイネ変異体種子の遺伝子発現解析 ☆黒川 滋 1, 笠原 竜四郎 2, 本間 雄二郎 1 (1. 北見工業大学, 2. 福建農林大学)	15:00
419	トルコ南部の野生二倍性コムギ集団における非休眠性個体頻度の多様性 ○大田 正次 1, 森 直樹 2, Ozkan Hakan 3 (1. 福井県大・生物資源, 2. 神戸大・院農学, 3. トルコ・チュクワ大・農)	519	講演取り消し	15:15
◆座長 北崎一義(北大・院農)		◆座長 齊藤大樹(国際農林水産業研究センター)		
420	葉緑体ゲノムからみたヒシの進化と栽培化 ☆Dinh-Thi Lam 1, 2, 湯 陵華 3, 山岸 洋貴 4, 片岡 太郎 5, 石川 隆二 4 (1. 岩手大学連合農学研究所, 2. 南ベトナム農業科学研究所, 3. 江蘇省農業科学院, 4. 弘前大学農学生命科学部, 5. 弘前大学人文社会科学部)	520	イネ GE 遺伝子のシュート再生過程における機能解析 ☆八田 大成 1, 水野 泉 1, 松原 健一郎 2, 伊藤 純一 1 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 吉備国際大・地域創生農)	15:30
421	カザフスタンのメロンにおける遺伝的多様性と類縁関係 村上 遼馬 1, ○田中 克典 1, 杉山 充啓 2, Anna M. Artemyeva 3, Zharas Mamybelov 4, Tian V. Sergevich 5, Sergey M. Alexanian 3, 加藤 謙司 6 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2. 農研機構野菜花き部門, 3. パビロフ研, 4. カザフジャガイモ野菜研, 5. カザフイネ調査研, 6. 岡山大院環境生命)	521	第何葉のフロリゲンが花成を起こすのか? ☆吉田 綾, 吉田 明希子, 辻 寛之 (横浜市立大学木原生物学研究所)	15:45
422	オーストラリアにおける野生イネ種間交雑の検証 菅原 魁人 1, 三島 本隆広 1, 門田 健太郎 2, 一谷 勝之 2, ○石川 隆二 1 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2. 鹿児島大学農学部)	522	フロリゲンの超解像イメージング ☆石井 惇仁, 辻 寛之 (横浜市立大学 木原生物学研究所)	16:00
423	野生イネ間の雑種第一代で見られる黄化現象の原因遺伝子の分布 ○一谷 勝之 1, 保本 良太 1, 市川 真 1, 田浦 悟 2, 久保山 勉 3, 石川 隆二 4 (1. 鹿児島大・農学, 2. 鹿児島大・遺伝子実験施設, 3. 茨城大・農学, 4. 弘前大・農学生命科学)	523	花成におけるイネ茎頂メリステムのサイトカニンシグナル伝達のイメージングと機能解析 ☆佐藤 萌子 1, 北野 英己 2, 辻 寛之 1 (1. 横浜市立大学 木原生物学研究所, 2. 名古屋大学 生物機能開発利用研究センター)	16:15
グループ研究集会 1 (16:45 ~ 18:00) 生物進化・細胞遺伝学話会と遺伝資源海外調査の現状と課題 世話人: 石川 隆二 (弘前大), 森 直樹 (神戸大), 加藤 謙司 (岡山大) 話題提供: 「コムギ近縁野生種の遺伝的多様性: 保存系統の解析から自然集団の解析へ」 太田 正次 (福井県立大)		グループ研究集会 2 (16:45 ~ 18:00) 日本植物フェノタイプニングネットワーク (JPNN) の立ち上げについて 世話人: 二宮 正士 (東大農学生命)		

口頭発表 講演番号・座長一覧

会場 日程	第1会場 G5-10 教室	第2会場 G5-20 教室	第3会場 G4-24 教室	第4会場 G4-33 教室	第5会場 G4-34 教室
3月16日 午前	101-105 吉田 均 9:00-10:15	201-205 伊澤 かな 9:00-10:15	301-305 米丸 淳一 9:00-10:15	401-405 山根 京子 9:00-10:15	501-505 佐久間 俊 9:00-10:15
	106-110 矢部 志央理 10:15-11:30	206-210 藤本 龍 10:15-11:30	306-310 門田 有希 10:15-11:30	406-410 川本 朋彦 10:15-11:30	506-510 山本 雅也 10:15-11:30

3月17日 午前	ポスター発表 9:30-11:30				
3月17日 午後	111-115 最相 大輔 13:15-14:30	211-214 掛田 克行 13:15-14:15	311-314 高橋 宏和 13:15-14:15	411-415 一谷 勝之 13:15-14:30	511-514 西田 英隆 13:15-14:15
	116-119 山内 卓樹 14:30-15:30	215-218 川浦 香奈子 14:15-15:15	315-319 三柴 啓一郎 14:15-15:30	416-419 高橋 竜一 14:30-15:30	515-518 辻 寛之 14:15-15:15
	120-123 仲條 真介 15:30-16:30	219-223 久野 裕 15:15-16:30	320-323 高倉 由光 15:30-16:30	420-423 北崎 一義 15:30-16:30	520-523 齊藤 大樹 15:30-16:30

日本育種学会 優秀発表賞 投票方法の改正に関連した注意点

1. エントリー制を採用します。

演題登録時に優秀発表賞の選考対象演題としてエントリーした演題を審査の対象とします。

2. 発表者マークの変更

プログラムや要旨において優秀発表賞の選考対象としてエントリーした演題の発表者印は☆で表記されています。ポスターやスライド作成時に発表者印を表記する際にも統一した記号を使ってくださいますようお願いいたします。

ポスター発表プログラム (3月17日)
奇数番号 9:30-10:30 偶数番号 10:30-11:30 (けやき会館 2・3階)

01. 育種法・育種技術 (Breeding method・Breeding technology)

- P001 超音波ウイスキー法を用いたトレニア形質転換系の確立**
☆小田 康太郎 1, 南 (大坪) 真紀 1, 矢野 翼 2, 寺川 輝彦 2, 大坪 憲弘 1 (1. 京都府立大・院・生命環境, 2. 株式会社 インプランタインノベーションズ)
- P002 コムギ育種における群落表面温度 (CT) を使った収量性の間接選抜効果**
○大西 志全, 粕谷 雅志, 其田 達也, 森田 耕一, 神野 裕信 (北海道立総合研究機構北見農業試験場)
- P003 X線 CT によるイネ根系のハイスループット 3次元可視化**
☆寺本 翔太, 高安 聡子, 宇賀 優作 (農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P004 画像解析を活用したブロッコリー花蕾のドーム性と色の定量評価**
☆坂本 莉沙 1,2, 芳賀 俊亮 3, 岩田 洋佳 1 (1. 東大・院農学生命科学, 2. 日本学術振興会特別研究員 DC, 3. タキイ種苗株式会社)
- P005 ピーカン遺伝資源のもつ可食部形態の多様性を画像とゲノムデータをもとに解析する**
☆千々谷 涼介 1, 坂本 莉沙 1, 石森 元幸 1, 高梨 秀樹 1, Kimberly Cervantes 2, 永野 惇 3, 鐘ヶ江 弘美 1, L.J. Grauke 4, 堤 伸浩 1, Jennifer J. Randall 2, 岩田 洋佳 1 (1. 東京大・院農学生命科学, 2. New Mexico State University, 3. 龍谷大・農, 4. USDA ARS Pecan Breeding & Genetics)
- P006 デジタルカメラを用いた画像解析によるコムギの生育状況評価**
☆加藤 秀悟 1, 爲重 才覚 2, 清水 健太郎 2,3, 辻 寛之 2, 坂 智広 2 (1. 横浜市立大学 国際総合科学部・国際総合科学科 理学系, 2. 横浜市立大学 木原生物学研究所, 3. チューリッヒ大学)
- P007 フロログルシン塩酸反応を用いたダイズ茎断面のリグニン染色パターンの定量化**
☆佐藤 耕平 1, 加賀 秋人 2, 高梨 秀樹 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東京大・院農学生命科学, 2. 農研機構 次世代作物開発研究センター)
- P008 ゲノミックセレクションの精度評価のための指標比較: シミュレーション研究**
☆小野 浩輔 1, 田中 凌慧 2, 濱崎 甲資 2, 岩田 洋佳 2 (1. 東京大・農, 2. 東京大・院農学生命科学)
- P009 ゲノム編集技術により作出された高 GABA 含有トマトの果実栄養成分評価**
☆野中 聡子 1,2, 高山 真理子 2, 李 貞恩 2, 江面 浩 1,2 (1. 筑波大学遺伝子実験センター, 2. 筑波大学 生命環境)
- P010 RNA サイレンシングの接ぎ木移行: トマト穂木への高温耐性付与**
中村 真也 1, 本藤 加奈 2, 小林 括平 1, 八丈野 孝 1, ○西口 正通 1 (1. 愛媛大・農, 2. 愛媛大・学術支援セ)

02. 品種育成・遺伝資源 (Breeding・Genetic Resource)

- P011 多収で製粉性と製麺適性に優れる日本用コムギ品種「びわほなみ」の育成**
○谷中美貴子 1,2, 高田 兼則 1, 石川 直幸 1, 船附 稚子 1, 伴 雄介 1, 加藤 啓太 1 (1. 農研機構・西日本農研, 2. 農研機構・九州農研)
- P012 近縁野生種から得られた帯白性抑制遺伝子 *lw1*, *lw3* および *lw4* を有するマカロニコムギの準同質遺伝子系統の育成**
○渡部 信義 (The Little Nursery)
- P013 暖地に適した赤大豆新品種「ふくあかね」の育成**
○高橋 将一 1, 大木 信彦 1, 河野 雄飛 2, 高橋 幹 3, 中澤 芳則 1, 小松 邦彦 4 (1. 農研機構・九州農研, 2. 農研機構・中央農研, 3. 農研機構・作物開発セ, 4. 農研機構・西日本農研)
- P014 宮崎在来野菜「佐土原」ナスの品種改良における種間雑種の獲得とその形質調査**
○陳 蘭庄 1,2, 吉村 和人 2 (1. 南九州大学, 2. 南九州大学大学院 園芸学・食品科学環境科)
- P015 暖地・温暖地に適する早生で良質・良食味・多収の水稲品種「歓喜の風」の育成と普及**
○中西 愛 1, 片岡 知守 1, 田村 克徳 1, 佐藤 宏之 2, 田村 泰章 3, 坂井 真 2, 梶 亮太 4, 竹内 善信 1 (1. 農研機構九州沖縄農業研究センター, 2. 農研機構次世代作物開発研究センター, 3. 国際農林水産業研究センター, 4. 農研機構北海道農業研究センター)
- P016 イネコアコレクションを用いた種子中の γ -オリザノール含量を規定する因子の探索**
☆船越 孝之, 小川 拓水, 手塚 孝弘, 太田 大策, 横井 修司 (大阪府立大学院・生命環境科学)
- P017 NBRP トマト: 研究リソースの整備状況と利用成果**
○篠崎 良仁 1, 星川 健 1,2, 伊藤 直子 1, 有泉 亨 1, 福田 直也 1, 金山 喜則 3, 久保 康隆 4, 矢野 健太郎 5, 青木 考 6, 江面 浩 1 (1. 筑波大・生命環境系, 2. 国際農研, 3. 東北大・院農学研究科, 4. 岡山大学・院環境生命科学研究所, 5. 明治大・農学部, 6. 大阪府大・院生命環境科学研究科)
- P018 野生イネ *Oryza rufipogon* に見出される *Prostrate growth 1* 配列の多型**
○稲垣 言要 (農研機構 高度解析センター)
- P019 HRM 法によるレンコンの簡易品種識別法の開発**
飯屋 亜由美 1, 堀井 学 2, 白澤 健太 3, 篠原 啓子 4, 澤田 英司 4, 八城 和敏 2, 樋口 洋平 5, 石川 祐聖 5, 井上 栄一 1, ○久保山 勉 1 (1. 茨大・農, 2. 茨城県・農総セ・生工研, 3. かずさ DNA 研, 4. 徳島県・農総技セ, 5. 東大・農)

- P020 アワ Si7PPO 遺伝子の塩基配列多型によるフェノール (-) 型の起源の解明**
○福永 健二 1, Meili Zakiyah Nur1,2, 井上 賢彦 1, 一谷 勝之 3 (1. 県立広島大学生命環境学部, 2. ジュンブル大学, 3. 鹿児島大学農学部)
- P021 Genetic diversity in Cambodian melon landraces revealed by the analysis of molecular markers**
☆Dung Tran Phuong1, Ola Alessa1, Mst. Naznin Pervin1, Gentaro Shigita1, Katsunori Tanaka2, Sophea Yon3, Sophany Sakhan3, Norihiko Tomooka4, Hidetaka Nishida1, Kenji Kato1 (1.Grad. Sch. Environ. Life Sci., Okayama U., 2.Fac. Agr. Life Sci., Hirotsaki U., 3.CRADI, 4.NARO/Genet. Resour. Cent.)
- P022 メコンデルタをモデルとした低塩基多様度に基づくイネの地域遺伝資源の特徴化**
☆Thanh Tam Nguyen1,3, Stefanie Maria Dwiyanthi1, 小出 陽平 1, 永野 惇 2, Ky Huynh3, Quang Tinh Huynh3, Viet Dung Le3, 貴島 祐治 1 (1. 北海道大学大学院農学院, 2.Faculty of Agriculture, Ryukoku University, 3.Can Tho University)

03. ゲノム解析・ゲノム育種 (Genomic analysis・Genome-based breeding)

- P023 ニガウリにおける染色体レベルの全ゲノム配列情報整備へ向けて**
○松村 英生 1, 太郎良 和彦 2, 谷合 直樹 2, 宮城 徳道 2, 高木 宏樹 3, 浦崎 直也 2 (1. 信州大学基盤研究支援センター, 2. 沖縄県農業研究センター, 3. 石川県立大学)
- P024 ダイコンの着色に関わる R および E 遺伝子の解析**
椿 信一 1, 石川 南 2, 小松 憲治 3, 田中 啓介 4, 上田 健治 2, 櫻井 健二 2, 渡辺 明夫 2, 赤木 宏守 2, ○高橋 秀和 2 (1. 秋田農試, 2. 秋田県立大学生物資源科学部, 3. 東京農業大学農学部, 4. 東京農業大学生物資源ゲノム解析センター)
- P025 イネの低温発芽性に関わる遺伝子領域の変異解析**
☆土田 大介 1, 高橋 秀和 2, 上田 健治 2, 櫻井 健二 2, 渡辺 明夫 2, 川本 朋彦 3, 赤木 宏守 2 (1. 秋田県大院・生物資源, 2. 秋田県大・生物資源, 3. 秋田県農試)
- P026 スギにおける無花粉形質に関するマーカーの開発とそれを活用した育種素材の選抜**
○三嶋 賢太郎 1, 平尾 知士 1, 坪村 美代子 1, 田村 美帆 2, 栗田 学 1, 能勢 美峰 1, 花岡 創 1, 大平 峰子 1, 平岡 裕一郎 1, 倉本 哲嗣 1, 高橋 誠 1, 星 比呂志 1, 渡辺 敦史 2 (1. 森林総合研究所林木育種センター, 2. 九州大学 院農学)
- P027 GRAS-Di 技術を用いた日本水稲組換え自殖系統群の連鎖地図作成**
☆石丸 陽平 1, Rym Fekih1, 岡田 聡史 1, 宮城 竜太郎 2, 尾鼻 孝浩 2, 鈴木 一代 3, 稲森 稔 3, 榎 宏征 3, 山崎 将紀 1 (1. 神戸大学大学院農学研究科附属食資源教育研究センター, 2. ユーロフィンジェノミクス株式会社, 3. トヨタ自動車)
- P028 クロマツにおけるマツノサイセンチュウ抵抗性に関する QTL 解析**
○平尾 知士 1, 松永 孝治 2, 永野 聡一郎 3 (1. 森林総合研究所森林バイオ研究センター, 2. 森林総合研究所林木育種センター九州育種場, 3. 森林総合研究所林木育種センター)
- P029 水稲突然系統関東 79 号の極早生遺伝子 e1 と Ghd7 との連鎖関係**
小原 悠輔, ○富田 因則 (静岡大学グリーン科学技術研究所)
- P030 遺伝子マーカーを用いたタモギタケ連鎖地図の再構築およびエルゴチオネイン含量に関する QTL 解析**
☆前田 楓 1, 米山 彰造 2, 東 智則 3, 佐藤 真由美 2, 齊藤 沙弥佳 2, 富山 隆広 4, 松本 晃幸 1 (1. 鳥取大学農学部, 2. 道総研・林産試, 3. 道総研, 4. (株) スリービー)
- P031 ソルガム高バイオマス F1 品種「天高」の稈径とバイオマス関連形質に関する QTL 解析**
☆和氣 達朗 1, 中村 (荒木) 聡子 2, 篠原 (大前) 梢 2, 三浦 孝太郎 3, 春日 重光 4, 佐塚 隆志 2 (1. 名大・農, 2. 名大・生物機能開発利用研究センター, 3. 福井県大・生物資源, 4. 信大・農)
- P032 干ばつ条件の水田転換畑におけるダイズの収量に関する QTL**
○高田 吉丈 1, 佐山 貴司 1, 横田 侑子 2, 田口 文緒 2, 山下 謙一郎 1, 小松 邦彦 1 (1. 農研機構・西日本農研, 2. 農研機構・次世代研)
- P033 コムギ品種「きたほなみ」および「ゆめちから」由来の DH 集団における収量構成要素に関する QTL 解析**
☆田中 溪 1, 寺沢 洋平 2, 伊藤 美環子 2, 長澤 幸一 2, 川口 謙二 2, 八田 浩一 2, 西尾 善太 1,2 (1. 東京農大・院農, 2. 農研機構北海道農業研究センター)
- P034 ダイズ品種「フクユタカ」の高い裂皮粒率に関する QTL の効果の検証**
○小松 邦彦, 猿田 正恭, 山下 謙一郎, 佐山 貴司, 高田 吉丈 (農研機構・西日本農業研究センター)
- P035 大麦穀粒サイズ遺伝子の解析**
☆青木 秀之, 関 昌子, 中田 克, 長嶺 敬 (農研機構・中央農業研究センター)
- P036 チャ次世代育種に向けた遺伝資源フェノタイプングと先端ゲノム解析の試み**
☆山下 寛人 1,2, 内田 知希 2, 片井 秀幸 3, 川口 利奈 4, 永野 惇 4, 森田 明雄 2, 一家 崇志 2 (1. 岐大・連農, 2. 静大・農, 3. 静岡県・茶研, 4. 龍谷大・農)
- P037 公開 SNP 情報を利用したゲノムワイドアソシエーション解析 (GWAS) による高温ストレス下のイネ吸水種子の胚におけるタンパク質凝集体の蓄積に関わる候補遺伝子の同定**
☆上野 尚也, Phuong Ngoc Ngo, 山田 哲也 (農工大・院連農)
- P038 セイヨウナタネにおける開花期および小孢子胚発生能に関するゲノムワイド関連解析**
☆阿部 千遥 1, 北柴 大泰 2, 畠山 勝徳 1, 高畑 義人 1 (1. 岩手大・農, 2. 東北大学院・農)

- P039 アジアのダイコン在来品種における FLC遺伝子の構造多型と抽苔早晚性との関連解析**
川端 泉穂 1, 小林 寛人 1, 白澤 健太 2, 吹野 伸子 3, 平川 英樹 2, ○北柴 大泰 1 (1. 東北大・院農学研究科, 2. かずさ DNA 研究所, 3. 農研機構野菜花き研究部門)
- P040 ベビーリーフ向け有用形質を付与した中島菜 (*Brassica rapa*) の育成**
☆坂本 勝汰, 伊藤 徳昭, 香澤 寛人, 瀬川 天太, 古賀 博則, 片山 礼子, 高木 宏樹 (石川県大・生物資源)
- P041 抵抗性遺伝子の多重性迅速推定法を利用したジャガイモシストセンチュウ抵抗性遺伝子 H1およびジャガイモ Y ウイルス抵抗性遺伝子 Rychc を多重的に有するパレイショ系統の育成**
☆坂本 悠 1, 森 一幸 1,2, 渡邊 亘 1,3, 松尾 祐輝 1,4, 龍 美沙紀 1, 向島 信洋 1,5 (1. 長崎農林技セ, 2. 長崎県農林部, 3. 長崎県島原振興局, 4. 長崎県五島振興局, 5. 長崎県県央振興局)
- P042 コムギ 2D 染色体上で強連鎖するコムギ縞萎縮病抵抗性遺伝子と高活性型 PPO の組換え系統の選抜と評価**
☆小島 久代 1,2, 小林 史典 1, 石川 吾郎 1, 藤田 雅也 1, 乙部 千雅子 1,2, 藤郷 誠 1, 高山 敏之 1,3, 松中 仁 4, 中村 俊樹 3 (1. 農研機構・作物開発センター, 2. 筑波大学生命環境科学研究科, 3. 農研機構・東北農研, 4. 農研機構・九州沖縄農研)

04. 遺伝子機能 (Gene function)

- P043 イネの広範な病害抵抗性遺伝子 BSR2 の生育及び種子サイズへの関与**
☆前田 哲 1, 近藤 陽一 2, 松井 南 2, 森 昌樹 1 (1. 農研機構生物機能利用研究部門, 2. 理研横浜)
- P044 シロイヌナズナの VIP1 とプロテインホスファターゼ 2A の相互作用に関する研究**
☆ Hyuk Sung Yoon 1, 津釜 大侑 1,2, 藤野 介延 1, 高野 哲夫 2 (1. 北大・院農, 2. 東大・アジアセンター)
- P045 FnCpf1 を用いたゲノム編集効率の向上のための crRNA の改変**
☆三上 雅史 1,2, 遠藤 真咲 2, 土岐 精一 1,2,3 (1. 横浜市大・院生命ナノ, 2. 農研機構 生物機能利用研究部門, 3. 横浜市大・木原生研)
- P046 イネ種子形成における CDK インヒビター *Orysa;KRP3* の機能解析**
☆大矢 志緒里, 宮川 紗也, 菅原 理花子, 斎藤 靖史 (岩手大学農学部)
- P047 エレクトロポレーション法を用いた DNA-Free ゲノム編集**
○ DONG POH CHINI, 真壁 壮 2, 渡辺 康平 3, 井川 智子 3, 森泉 康裕 2, 三位 正洋 1 (1. 千葉大学 環境健康フィールド科学センター, 2. 株式会社ベックス, 3. 千葉大・院・園芸)
- P048 CRISPR/Cas9 によるタバコ ALS 遺伝子の相同組換え**
廣畑 歩実, 佐藤 伊純, 貝野 公彦, 岩田 雄二, 小泉 望, ○三柴 啓一郎 (大阪府大・院生命環境)
- P049 イネ種子形成初期における OsSub63 の機能解析**
☆西方 千佳, 東海林 愛美, 斎藤 靖史 (岩手大学農学部)
- P050 接ぎ木を利用したエピゲノム編集ジャガイモの野外栽培試験**
☆葛西 厚史 1, 原田 竹雄 1, 山崎 宗郎 2, 田部 井豊 2, 若佐 雄也 2, 岡崎 智一 3, 山本 華世 3, 赤田 辰治 1 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2. (独) 農研機構, 3. 松谷化学工業㈱)
- P051 新育種技術 (接ぎ木による RdDM) によるリンゴ品種改良に向けた研究**
☆菅野 あゆみ 1, 葛西 厚史 1, 原田 寿晴 2, 原田 朋子 2, 羽場 佳菜湖 2, 原田 竹雄 1, 野呂 治 3, 赤田 辰治 1 (1. 弘前大学農学生命科学部, 2. 株式会社 原田種苗, 3. 公益社団法人 農林水産・食品産業技術振興協会)
- P052 CHIASIV を用いたチャとツバキの種間雑種における染色体構造解析**
○古川 一実 1, 渡辺 麻彩 1, 原田 瑛介 2, 北村 風花 3 (1. (独) 国立高等専門学校機構 沼津工業高等専門学校, 2. 現 長岡技術科学大学, 3. 現 広島大学)

05. オミクス・データベース (Omics・Database)

- P053 CT 撮影による X 線照射の植物体への影響評価**
☆西嶋 遼 1, 鈴井 伸郎 2, 尹 永根 2, 三好 悠太 2, 栗田 圭輔 2, 山口 充孝 2, 寺本 翔太 3, 木富 悠花 3, 七夕 高也 4, 宇賀 優作 3, 河地 有木 2, 川勝 泰二 1 (1. 農研機構・生物機能利用, 2. 量研・高崎研, 3. 農研機構・次世代作物, 4. かずさ DNA 研)

06. 抵抗性・耐性 (Resistance・Tolerance)

- P054 日本の主要水稻品種のみ枯細菌病による苗腐敗抵抗性の評価**
○溝淵 律子 1, 福岡 修一 1, 對木 千加子 1, 對馬 誠也 2, 佐藤 宏之 1 (1. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 2. 東京農業大学)
- P055 コシヒカリ遺伝背景の 2 つの染色体断片置換系統群 (CSSLs: Tupa121-3 及び Naba 由来) を用いたイネごま葉枯病抵抗性の QTL 解析**
○太田 雄也 1, 松本 憲悟 1, 中山 幸則 1, 大野 鉄平 1, 山川 智大 1, 溝淵 律子 2, 佐藤 宏之 2 (1. 三重農研, 2. 農研機構)
- P056 簡易圃場抵抗性検定装置を用いた飼料イネ「たちすがた」の葉いもち圃場抵抗に関する QTL 解析**
○佐藤 宏之 (農研機構 次世代作物開発研究センター)
- P057 ハクサイ根こぶ病抵抗性遺伝子 *Crr1a* の機能解析**
☆湯澤 彰太 1, 安部 洋 2, 高畑 義人 1, 畠山 勝徳 1 (1. 岩手大・農, 2. 理研バイオリソースセンター)

- P058 O.minuta 由来セジロウんカ抵抗性遺伝子 WBPH13 の同定**
○平林 秀介¹, 松比良 邦彦², 若松 謙一², 田中 明男², 田之頭 拓², 松村 正哉³, Darshan S. Brar⁴, 石井 卓朗¹ (1. 農研機構 作開セ, 2. 鹿児島農総セ, 3. 農研機構, 4. 国際イネ研究所)
- P059 イネのトビイロウんカ抵抗性遺伝子に関する近似同質遺伝子系統と集積系統の評価**
☆グエン ディンクン¹, 岡野 都史己², 松村 正哉³, 安井 秀⁴, 藤田 大輔² (1. 鹿大・院連合農学, 2. 佐大・農, 3. 農研機構 九州沖縄農業研究センター, 4. 九大・院農)
- P060 ゲノムワイド SNPs データを用いた小豆のダイズシストセンチュウ抵抗性 QTL の解析**
○相馬 ちひろ¹, 東岱 孝司², 奥山 昌隆², 鴻坂 扶美子², 鈴木 孝子¹ (1. 道総研・中央農業試験場, 2. 道総研・十勝農業試験場)
- P061 大豆遺伝資源「植系 32 号」由来の qFTA2-1 を導入した系統における開花期耐湿性**
○山下 陽子¹, 黒崎 英樹¹, 鈴木 千賀² (1. 道総研・中央農試, 2. 道総研・十勝農試)
- P062 パンコムギの簡便な塩耐性検定法の開発**
○山本 樹生, 川添 哲也, 竹中 祥太郎, 中村 千春 (龍谷大学農学部)
- P063 パンコムギの耐塩性に見られる品種間の多様性**
川添 哲弥, 山本 樹生, 小野 駿輔, 井上 和磨, 竹中 誉喜, 竹中 正太郎, 河合 真吾, ☆竹中 祥太郎, 中村 千春 (龍谷大学農学部)
- P064 オオムギのフルクタン関連酵素遺伝子群の品種間多型と耐雪性の関係**
☆中田 克, 関 昌子, 青木 秀之, 長嶺 敬 (農研機構中央農研北陸)
- P065 ガンマ線照射処理コムギ集団からの種子休眠性変異体の選抜**
○神野 裕信¹, 其田 達也¹, 粕谷 雅志¹, 大西 志全¹, 小林 史典², 大野 陽子², 半田 裕一², 杉本 和彦² (1. 道総研北見農試, 2. 農研機構次世代作物開発研究センター)
- P066 GWAS による *Bacillus pumilus* TUAT1 株を接種したイネ実生での耐塩性向上に関わる候補遺伝子の同定**
☆グオ フォングォック, 上野 尚也, 横山 正, 金勝 一樹, 山田 哲也 (農工大・院連農)
- P067 トウジンビエの非生物的ストレス応答に関わる細胞膜タンパク質遺伝子 PgPM19 の機能解析**
☆于 培¹, シンデ ハラシラジ¹, デウダテ アンビカ¹, 大侑 津釜¹, 柳 参奎², 高野 哲夫¹ (1. 東京大学, 環境ストレス耐性機構研究室, 2. 浙江農林大学)
- P068 シロイヌナズナ *argonaute1* 変異体に見られる特異なストレス耐性機構の解析**
○渡辺 明夫, 落合 奏美, 中村 咲耶, 上田 健治, 櫻井 健二, 高橋 秀和, 赤木 宏守 (秋田県立大学生物資源科学部)
- P069 耐塩性合成コムギにおけるトランスクリプトーム解析**
☆中山 理央, 徳永 彩乃, 田所 茉莉奈, 川浦 香奈子 (横浜市立大学 木原生物学研究所)
- P070 Transcriptomic analysis of the salt stress responses in abiotic stress tolerance wheat**
☆ Mohammad Taheb Safi¹, Waisuddin Ahmadzai¹, 中山 理央¹, 竹中 祥太郎², 新田 みゆき³, 那須田 周平³, 川浦 香奈子¹ (1. 横浜市大・木原生研, 2. 龍谷大・農, 3. 京大院・農)
- P071 遺伝子発現プロファイルからみたスギの乾燥応答の種内変異**
○能勢 美峰¹, 高島 有哉¹, 永野 聡一郎¹, 松下 通也¹, 平岡 裕一郎¹, 平尾 知士² (1. 森林総研 林育セ, 2. 森林総研 森林バイオ)
- P072 イネ由来除草剤抵抗性遺伝子 HIS1 の類似遺伝子改変による除草剤抵抗性付与効果**
○廣瀬 咲子¹, 戸澤 謙², 武井 里美², 高村 夏生², 佐久間 望³, 大島 正弘¹, 川田 元滋⁴, 吉田 均¹, 村田 和優⁵, 前田 英郎⁶, 山崎 明彦⁷, 関野 景介⁷, 鈴木 悟⁷, 黒木 慎⁸ (1. 農研機構生物機能利用研究部門, 2. 埼玉大学大学院理工学研究科, 3. 埼玉大学理学部, 4. 農研機構野菜花き研究部門, 5. 富山県農林水産総合技術センター, 6. 農研機構中央農業研究センター, 7. 株式会社エス・ディー・エス バイオテック, 8. 農研機構次世代作物開発研究センター)
- P073 ジャガイモシストセンチュウ類抵抗性遺伝子 4 種の同時識別手法の開発**
○下坂 悦生, 浅野 賢治, 赤井 浩太郎, 岡本 智史, 田宮 誠司 (農研機構・北海道農業研究センター)
- P074 イネのサツマイモネコブセンチュウ抵抗性/罹病性評価系の確立**
☆春原 英彦¹, 海田 新悟², 澤 進一郎¹ (1. 熊大・先端科学, 2. 熊大・理)
- P075 Wheat response to progressive drought stress at the flowering stage**
☆ Michael Itam¹, 松永 幸子², 妻鹿 良亮³, 山崎 裕司³, 辻本 壽^{1,2,3} (1. 鳥取大・院・連合農, 2. 鳥取大・院・持続社会, 3. 鳥取大・乾地研)

07. 収量・品質 (Yield・Quality)

- P076** **ダイズ育成系統「十育 253 号」における窒素吸収の特徴**
○小林 聡 1, 鈴木 千賀 1, 渡辺 祐志 2, 小谷野 茂和 1 (1. 道総研十勝農業試験場, 2. 道総研連携推進部)
- P077** **多収を目指した水稻育種におけるシンクサイズを増大させる遺伝子の利用**
○小林 麻子 1, 中岡 史裕 1, 両角 悠作 1, 町田 芳恵 1, 三浦 孝太郎 2, 富田 桂 1 (1. 福井県農業試験場, 2. 福井県立大学)
- P078** **北陸重粘土壌転換畑における大豆の収量選抜効果**
○河野 雄飛 1, 菊池 彰夫 2, 高橋 浩司 3, 高田 吉丈 4, 高橋 将一 5 (1. 中央農業研究センター, 2. 東北農業研究センター, 3. 次世代作物開発研究センター, 4. 西日本農業研究センター, 5. 九州沖縄農業研究センター)
- P079** **ダイズの開花期関連遺伝子型構成に着目した多収化戦略**
○佐山 貴司 1, 山田 哲也 2, 加賀 秋人 2, 石本 政男 2, 渡邊 啓史 3, 山下 謙一郎 1, 小松 邦彦 1, 高田 吉丈 1 (1. 西日本農業研究センター, 2. 次世代作物開発研究センター, 3. 佐賀大農学部)
- P080** **イネの穂の分枝形成を制御する *qPBN3* の解析**
☆縣 歩美 1, 保浦 徳昇 2, 土井 一行 1, 犬飼 義明 3, 横原 大悟 3, 北野 英己 2 (1. 名大院生命農学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター, 3. 名大農国センター)
- P081** **北海道のイネ品種系統の極早生性に関与する新たな遺伝子型の特定**
島貫 渉 1, 平山 裕治 2, 吉川 晶子 1, 高橋 奈那 3, 川原 千佳 3, 高牟禮 逸朗 3, 佐藤 毅 4, ○加藤 清明 1 (1. 帯広畜産大学, 2. 道総研上川農試, 3. 北海道大学農学院, 4. 道総研道南農試)
- P082** **一穂重 QTL である *qOPW11* はイネの穂の分枝と分げつ形成に影響を及ぼす**
☆岡田 聡史 1,2, 佐々木 萌 2, 山崎 将紀 2 (1. 日本学術振興会特別研究員, 2. 神戸大学大学院農学研究科附属食資源教育研究センター)
- P083** **大納言アズキにおける窒素養分葉面散布と開花数が粒形質に及ぼす影響**
○日浦 雄 1, 吉田 康子 2 (1. 神戸大学農学部, 2. 神戸大学大学院農学研究科附属食資源教育研究センター)
- P084** **アズキの感光性遺伝子 *Flowering Date1* の候補遺伝子の解析**
☆井元 佑亮 1, 堀内 優貴 2, 松田 修一 1, 吉川 晶子 1, 森 正彦 1, 得字 圭彦 1, 加藤 清明 1 (1. 帯畜大, 2. 道総研十勝農試)
- P085** **CW-CMS/Rf17 システムを用いたハイブリッドライス開発のための日印交雑における F1 の雑種強勢**
○福田 善通 1, 齊藤 大樹 1, 富田 朝美 1, 風間 智彦 2, 佐藤 雅志 2, 岡 正明 3, 鳥山 欽哉 2 (1. 国際農林水産業研究センター, 2. 東北大学, 3. 宮城教育大学)

08. 発生・生理 (Development・Physiology)

- P086** ***Oryza longistaminata* の地下茎形成過程における植物ホルモンの役割**
○保浦 徳昇 1, 別所 - 上原 奏子 1, 縣 歩美 2, 大守 知樹 2, 近藤 宏野 2, Reuscher Stefan 1, 古田 智敬 1, 川原 隆志 2, 蜂谷 卓士 2, 榊原 均 2, 山口 信次郎 3, 永井 啓祐 1, 荳苺 基行 1 (1. 名大生物機能開発利用研究センター, 2. 名大院生命農学, 3. 京都大学)
- P087** **栽培エンマーコムギ (*Triticum turgidum* L. ssp. *dicoccum*) における *Vrn-A3* 座の複対立遺伝子の地理的偏り**
☆西村 和紗, 滝澤 理仁, 鍋島 朋之, 間合 絵里, 中崎 鉄也 (京都大・院農学)
- P088** **Extra early durum wheat developed by introducing early alleles of *LUX/PCL1* from common wheat**
☆Guo Fu Luo 1, G.K.M.N. Haque 1, Kanenori Takata 2, Hidetaka Nishida 1, Kenji Kato 1 (1. Grad. Sch. Environ. Life Sci., Okayama U., 2. WARC/NARO)
- P089** **ジャガイモにおける塊茎形成期の品種間差異に関する研究**
○ナイモヴ アリシエル 1,2, 渡邊 和男 2, 菊池 彰 2 (1. 筑波大学大学院生命環境科学研究科, 2. 筑波大学生命環境系 T-PIRC 遺伝子実験センター)
- P090** **特定の圃場で見られたダイズ根粒関連形質品種間差の遺伝解析**
○梅原 洋佐 1, 林 正紀 2, 加賀 秋人 3, 田中 福代 2, 大脇 良成 2, 石本 政男 3, 林 誠 4 (1. 農研機構・生物機能利用研究部門, 2. 農研機構・中央農研, 3. 農研機構・作物開発センター, 4. 理研・CSRS)

09. 増殖・生殖 (Multiplication・Reproduction)

- P091** **タバコ属種間雑種 *Nicotiana suaveolens* x *N. tabacum* に見られる雑種致死性の克服現象には *N. tabacum* の Q 染色体に生じた末端部欠失が関与する**
☆中田 康貴 1, 長嶋 大貴 1, 丸橋 亘 2, 金勝 一樹 1, 山田 哲也 1 (1. 農工大・院農, 2. 明治大・農)
- P092** **致死性を示すタバコ属種間雑種 (*Nicotiana suaveolens* x *N. tabacum*) の培養細胞において活性酸素種の発生により蓄積する不溶性タンパク質の同定**
○荒井 智宏 1, 上野 尚也 1, 丸橋 亘 2, 山田 哲也 1, 金勝 一樹 1 (1. 東京農工大学, 2. 明治大学)
- P093** **「キタアケ」と「Italica Livorno」との水稻品種間交雑 F₁ の葯培養によるカルス形成と植物体再分化**
○岡本 吉弘, 伊藤 智憲, 我妻 尚広 (酪農学園大学)
- P094** ***Disa* (ラン科) 園芸種における未受粉子房培養を用いた半数体の作出**
☆中野 有紗 1, 加藤 淳太郎 2 (1. 愛知教育大学大学院教育学研究科, 2. 愛知教育大学理科教育講座)

- P095 子房培養と未熟種子培養を組み合わせたコチヨウラン苗生産早期化の可能性
宮地 佑恭 1, 岩田 あさ美 1, 亀山 美里 2, 中野 有紗 2, ○加藤 淳太郎 1 (1. 愛知教育大・理科教育, 2. 愛知教育大・院教育学)
- P096 *Brassica rapa*における種内一側性不和合性を支配する花粉側因子 *PUI1*の遺伝子発現機構の解析
☆佐藤 優衣 1, 高田 美信 1, 和田 七夕子 2, 高山 誠司 3, 鈴木 剛 4, 渡辺 正夫 1 (1. 東北大・院生命, 2. 奈良先端大・バイオ, 3. 東大・院農学生命, 4. 大阪教育大・教育協働)
- P097 テンサイ花粉稔性回復遺伝子 *Rf1*における対立遺伝子の強さについて
荒河 匠, 松永 宗幸, 上 幸代, 松井 克憲, 伊藤 葉奈, 北崎 一義, ○久保 友彦 (北海道大学大学院農学研究院)
- P098 地方在来カブ品種‘天王寺カブ’および‘木田青カブ’で発現した核遺伝子型雄性不稔遺伝子座の同定および組織学的観察
☆尾関 未帆 1, 小松 憲治 2, 三井 裕樹 1, 和久井 健司 2 (1. 東京農大・院バイオセラピー, 2. 東京農大・生物資源開発)
- P099 テンサイ Owen 型細胞質雄性不稔の稔性回復薬 RNA-seq による代謝変動比較解析
☆本間 雄二郎 1, 久保 友彦 2 (1. 北見工業大学, 2. 北海道大学・院農)
- P100 イネの減数分裂移行を制御する細胞質 RNA 顆粒因子 *MEL2* の機能ドメイン及びターゲット RNA の探索
☆三村 真生 1, 小野 聖二郎 1, 野々村 賢一 1,2 (1. 遺伝研・植物細胞遺伝, 2. 総研大・生命科学)

口頭発表講演方法

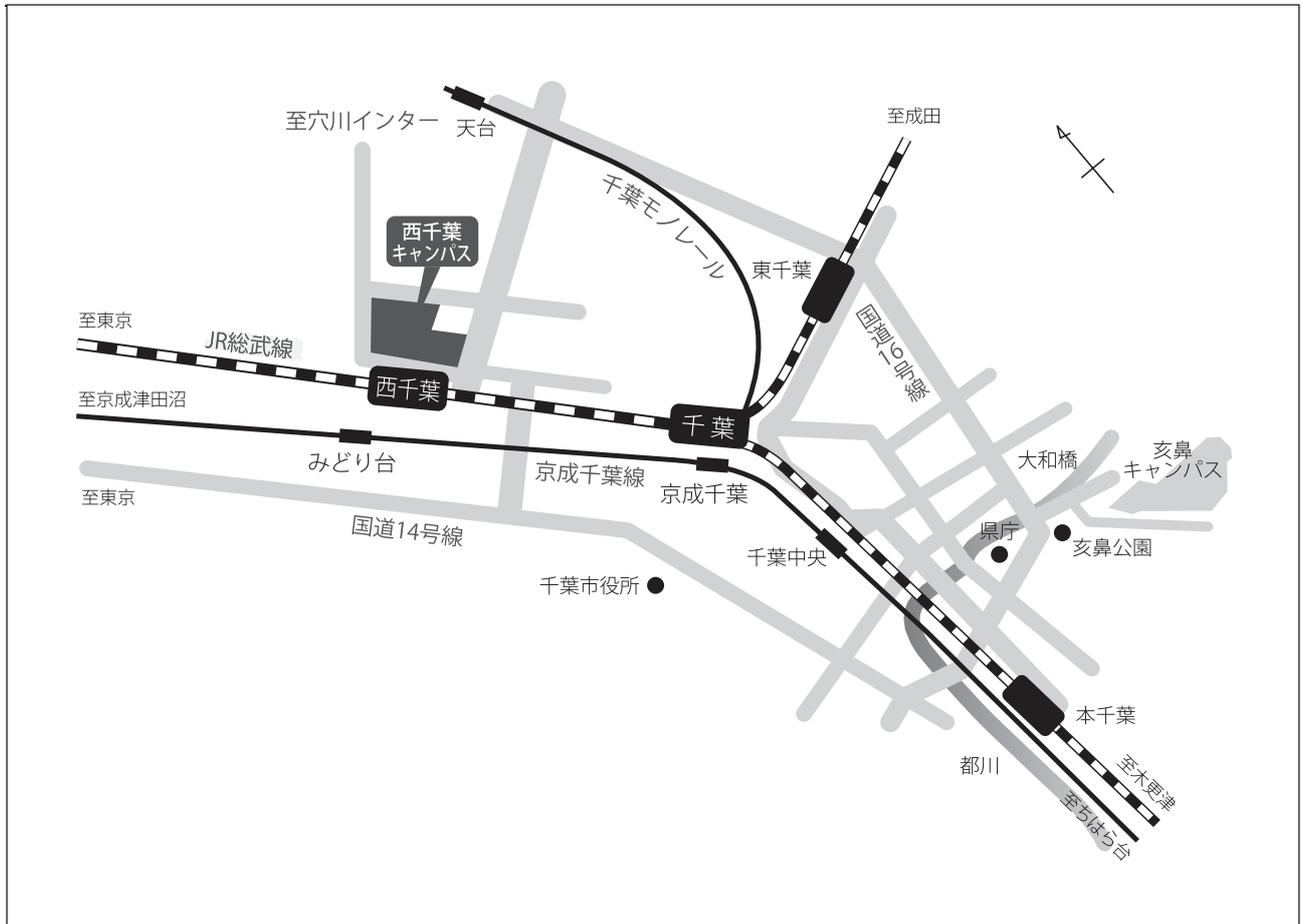
口頭発表の発表形式はプロジェクターによるプレゼンテーションのみです。発表にはご自分のパソコンをご使用ください。大会当日は試写室に試写用のプロジェクターをご用意いたします。発表者はあらかじめ余裕を持って試写を行い、スライドのレイアウトや動作をご確認いただくとともに、パソコンの画面出力先の設定（ミラーリング）方法を必ずご確認ください。

また、パソコンの不具合に備えて大会運営委員会では予備のパソコン1台をご用意しますので、**データのバックアップを入れたUSBメモリを必ずご準備ください。**

1. 使用するノートパソコンの「画面の解像度」をXGA（1024×768ピクセル）に設定してからスライドのレイアウトを確認してください。これよりも大きい画面サイズやワイド画面のパソコンを使用すると、プロジェクターから正しく投影されないことがあります。
2. 画面出力端子の形状がD-sub15ピン（ミニ）であることを確認してください。この形状と異なる場合や、Macをご使用になる場合は、変換アダプタを準備してください。
3. スクリーンセーバー、省電力設定は解除し、起動音をミュート（消音）にしてください。
4. バッテリートラブルが生じないように電源タップを用意しますので、パソコンの電源コードを準備してください。
5. 次講演者席、次次講演者席に着席したら、電源コード、モニターケーブルを順に接続し、パソコンを起動してください。
6. 発表者の画面がプロジェクターから投影されない場合、発表者はミラーリングの変更を行ってください。なお、トラブルの時間も講演時間に含まれますのでご了承ください。
7. 動画はミラーリングによってプロジェクターから投影されないことがありますので、発表者は試写の際にミラーリング方法をご確認ください。
8. 試写室にはスタッフが常駐しています。不慮の事態における予備のパソコンの貸し出しにつきましては試写室のスタッフにお申し付けください。

その他、ご不明の点は大会運営委員会（jsb135@ml.chiba-u.jp）にお問い合わせください。

講演会場（千葉大学西千葉キャンパス）へのアクセス



【西千葉キャンパスまでの交通】

○羽田空港から

「羽田空港」(京浜急行線) → 「JR品川」(総武線快速) → 「JR稲毛」(総武線各停) → 「JR西千葉」(約1時間10分)

○成田空港から

「成田空港」(総武線快速) → 「JR千葉」(総武線各停) → 「JR西千葉」(約50分)

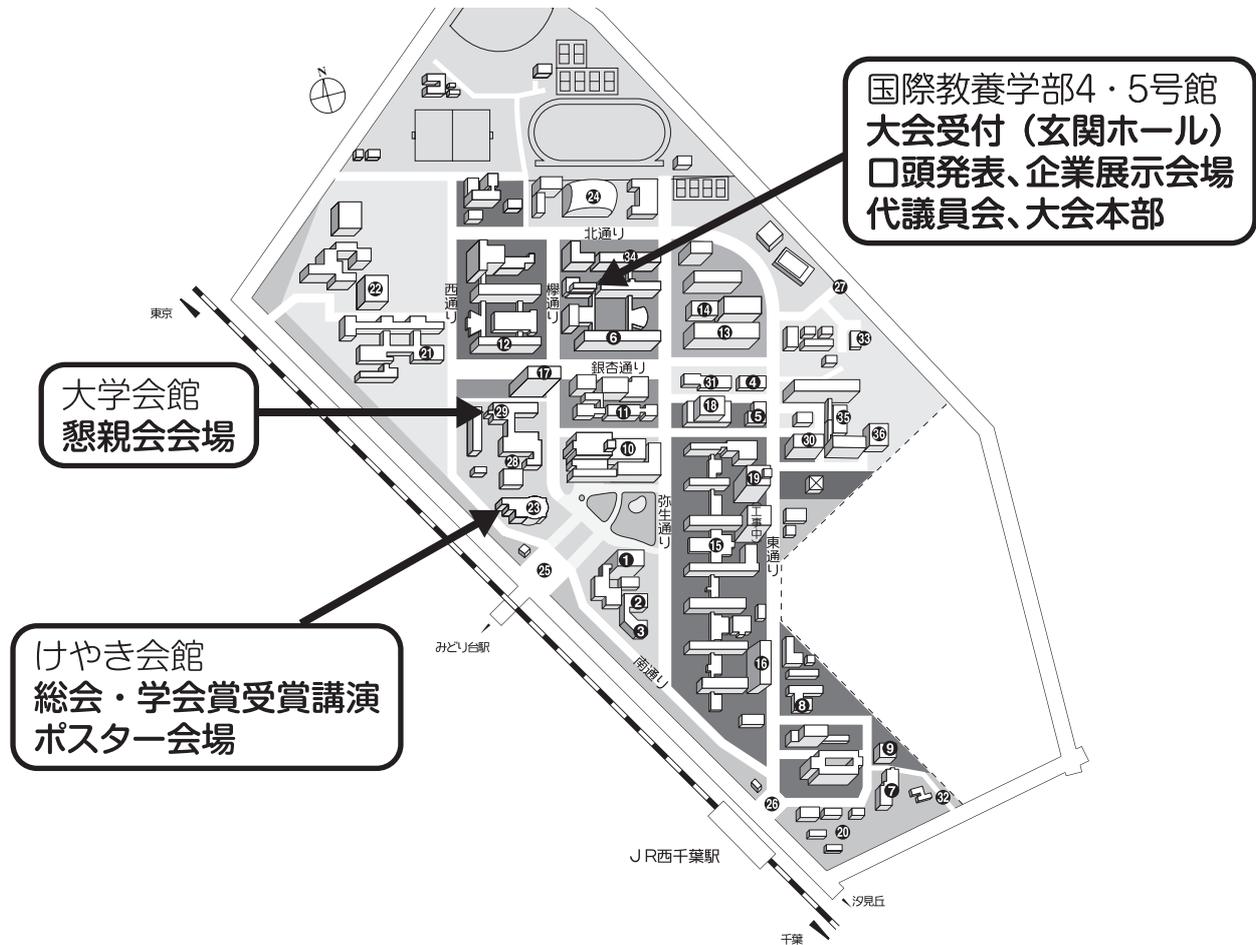
○JR東京駅から

「JR東京駅」(総武線快速) → 「JR稲毛」(総武線各停) → 「JR西千葉」(約40分)

○京成上野駅から

「京成上野」(京成線特急) → 「京成津田沼」(京成千葉線) → 「京成みどり台」(約50分)

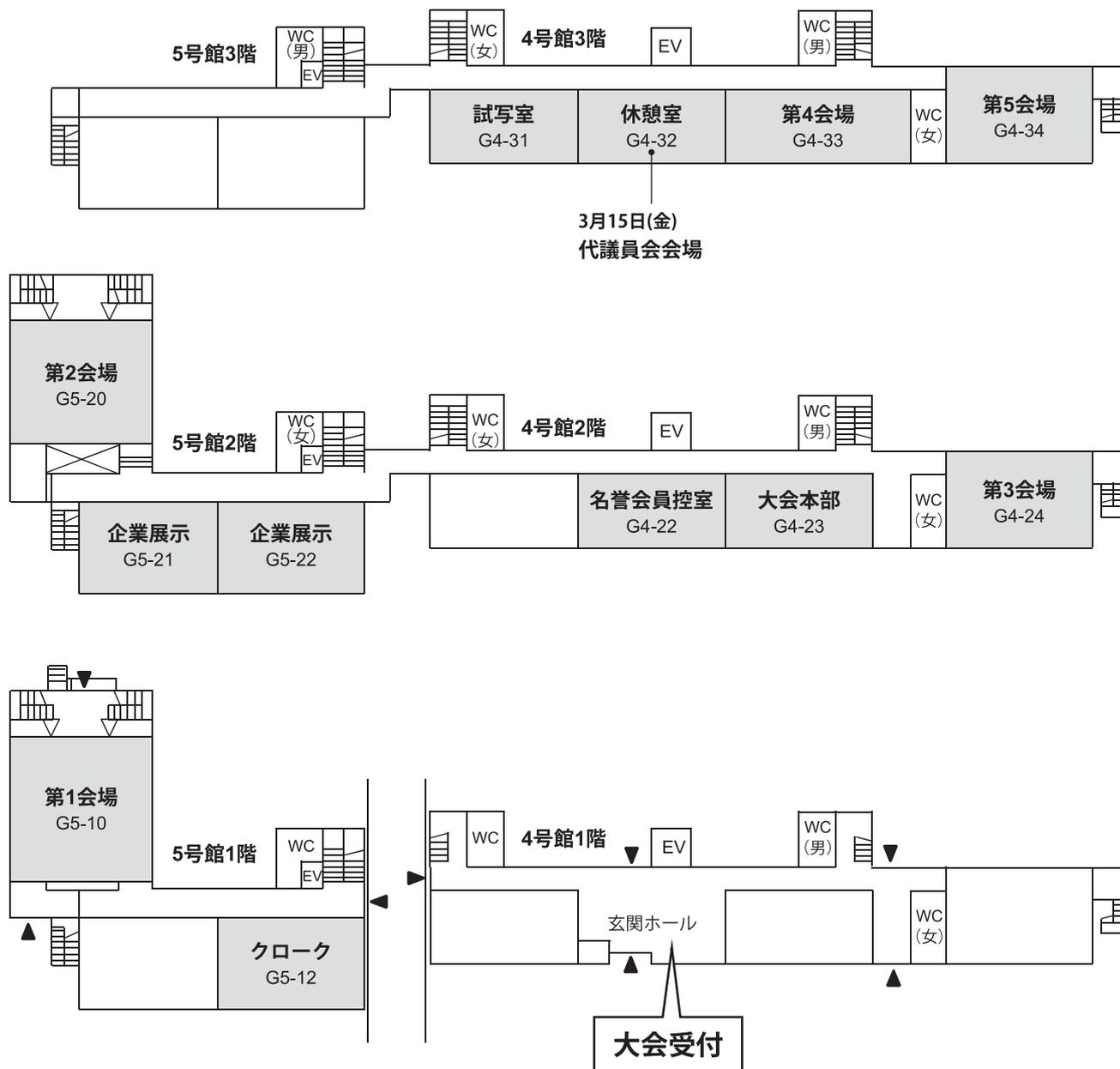
講演会場案内図（千葉大学西千葉キャンパス）



- JR 西千葉駅より西千葉キャンパス南門まで徒歩約 2 分
- 京成みどり台駅より西千葉キャンパス正門まで徒歩約 7 分

講演会場案内図

国際教養学部総合校舎 4, 5号館



講演会場案内図

けやき会館

