

一般社団法人日本育種学会 第137回講演会プログラム
2020年春季 東京大学

3月27日 (金)	午後	代議員会 15:00-18:00 (農学部3号館4階大会議室)
--------------	----	---------------------------------

3月28日 (土)	午前	受付 8:00 開始 (弥生講堂)							
		第1会場	第2会場	第3会場	第4会場	第5会場	第6会場		
		2号館 第1講義室	2号館 第2講義室	2号館 第3講義室	フードサイエンス棟 中島ホール	7号館 104/105教室	7号館 114/115教室		
		ゲノム解析・ ゲノム育種 101-111 9:00-11:45	育種法・育種技術 201-211 9:00-11:45	品種育成・遺伝資源 301-311 9:00-11:45	増殖・生殖 401-411 9:00-11:45	抵抗性・耐性 501-505 9:00-10:15	収量・品質 601-606 9:00-10:30		
						遺伝子機能 506-511 10:15-11:45		発生・生理 607-611 10:30-11:45	
		総会・学会賞授賞式 13:30-14:15 (安田講堂)							
	午後	学会賞受賞講演 14:25-17:40 (安田講堂)							
		学会賞							
		14:25-15:00	◎ダイズ突然変異体リソースの整備と新規アレルの開発に関する研究 穴井豊昭(佐賀大学農学部)						
		15:00-15:35	◎イネの光周性花芽形成の分子メカニズムの解明 井澤 毅(東京大学大学院農学生命科学研究科)						
		15:35-16:10	◎日持ち性を有し完熟出荷を可能にした高品質・良食味大玉系トマト「桃太郎シリーズ」の育種 タキイ種苗株式会社トマト育種チーム(代表者:加屋隆士)						
		奨励賞							
		16:25-16:50	◎ダイズ安定生産に資する耐冷性と耐倒伏性の遺伝育種学的研究および品種育成への応用 山口直矢(北海道立総合研究機構 十勝農業試験場)						
		16:50-17:15	◎ダイズの生産性向上のための伸育型制御に関する育種学的研究 加藤 信(農林水産省 大臣官房政策課技術政策室)						
		17:15-17:40	◎非選好性に着目したダイズハスモンヨトウ抵抗性に関する遺伝育種学的研究 大木信彦(農研機構・九州沖縄農業研究センター)						
		懇親会 18:00-20:00(生協中央食堂)							

3月29日 (日)	午前	受付 8:30 開始 (弥生講堂)					
		第1会場	第2会場	第3会場	第4会場	第5会場	第6会場
		2号館 第1講義室	2号館 第2講義室	2号館 第3講義室	フードサイエンス棟 中島ホール	7号館 104/105教室	7号館 114/115教室
		ゲノム解析・ ゲノム育種 112-121 9:00-11:30	オミクス・データベース 212-216 9:00-10:15	品種育成・遺伝資源 312-316 9:00-10:15	増殖・生殖 412 9:00-9:15	品種育成・遺伝資源 512 9:00-9:15	発生・生理 612-623 9:00-12:00
			育種法・育種技術 217-222 10:15-11:45	収量・品質 317-222 10:15-11:45	抵抗性・耐性 413-422 9:15-11:45	遺伝子機能 513-523 9:15-12:00	
	午後	ポスター発表 13:25-16:30 (弥生講堂・弥生講堂アネックス) データブリッツ 13:35-14:45 (弥生講堂) 奇数番号発表 15:00-15:45 偶数番号発表 15:45-16:30					
					グループ研究集会1 第49回 生物進化・細胞遺 伝談話会 / 第20回 遺伝資 源海外調査の現状と課題 16:45-18:15		

3月28日(土) 午前 口頭発表プログラム						
3月28日	第1会場(2号館第1講義室)		第2会場(2号館第2講義室)		第3会場(2号館第3講義室)	
	◆座長 白澤 健太(かずさDNA研究所)		◆座長 最相 大輔(岡大・資源植物科学研)		◆座長 三浦 孝太郎(福井県大・生物資源)	
9:00	101	イネ染色体添加系統におけるゲノムの高次構造解析 ☆保坂 碧1, 真弓 彩夏1, 鈴木 創2, 笠原 雅弘2, 野々村 賢一3, 安井 秀4, 辻 寛之1(1. 横浜市立大学・木原生研, 2. 東大院・新領域創成, 3. 遺伝研・植物細胞遺伝, 4. 九州大学・院農学)	201	オオムギ萎縮病抵抗性品種育成のための GFP 発現ウイルスベクターの評価 ☆田上 舞1, 王 蔚芹2, 田村 有紀子1, 小林 俊一1, 中澤 佳子1, 西川 尚志2(1. 栃木県農業試験場, 2. 宇都宮大学)	301	SSR マーカーを用いた集団遺伝学的解析により明らかにしたベトナムの原始ツバキ亜属の特徴 ☆グエン ティリュ1, ルーン ヴァンユン2, レグ エット ハイ ニン1,3, 片山 寛則4, 福山 敬1, 植松 千代美1(1. 大阪市大・院理学, 2. グラット大学・生物学科, 3. ホアルー大学・農林学部, 4. 神戸大・院農)
9:15	102	遺伝子型×環境交互作用モデルによるソルガムのゲノミック予測 ☆石森 元幸1, 山崎 清志1, 高梨 秀樹1, 鐘ヶ江 弘美1, 藤本 優1, 米田 淳一2, 徳永 毅2, 藤原 徹1, 堤 伸浩1, 岩田 洋佳1(1. 東京大・院農学生命科学, 2. アースノート(株))	202	形質間ネットワークを考慮した新たな多形質ゲノムワイド関連解析モデル ○師田 郷太(バージニア工科大学)	302	新規野菜属間雑種(ダイコン×ケール変種)ラファノブラシカ「サンテヴェール48」の育成 ○芹澤 啓明1, 山戸 潤1, 近野 洋2, 遠藤 亮太2(1. 長野県野菜花き試験場, 2. カゴメ株式会社)
9:30	103	NGS 配列からの新たな高効率 DNA 多型検出法と混入米検出技術 ○宮尾 安藝雄1, 清宮 健倫1, 飯田 恵子1, 土井 考爾2, 安江 博2(1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 株式会社つくば遺伝子研究所)	203	講演取り消し	303	着色料用のグルコラファサチン欠失性赤ダイコン品種「セントルージュ」の育成 石田 正彦1, ○吹野 伸子1, 浜崎 孝治3, 横山 貴正3, 小原 隆由2, 柿崎 智博2, 板橋 悦子2, 今井 雅志3, 大野 友道3(1. 農研機構・企画戦略本部, 2. 農研機構・野菜花き部門, 3. 三栄源エフ・エフ・アイ(株))
9:45	104	異なる遺伝的背景におけるイネの穂首の維管束数に関する遺伝子座の評価 ☆グエン ティレハ, 末次 静, 中村 悠女, デメテル ズィタ, 鄭 紹輝, 藤田 大輔(佐大・農)	204	◆座長 田中 淳一(農研機構・次世代作物開発セ) UAV と深層学習を用いた圃場水稻の出穂日推定手法の開発 ☆加藤 優介1, 西内 俊策2,3(1. 名大・農, 2. 名大・院生命農学, 3.JST・さががけ)	304	調理用米新品種「越南 300 号」の育成 ☆中岡 史裕, 町田 芳恵, 富田 桂, 小林 麻子, 林 猛, 田野井 真, 清水 豊弘, 両角 悠作, 酒井 究, 渡辺 和夫(福井県農業試験場)
10:00	105	◆座長 藤田 大輔(佐賀大・農) ユーストマの連鎖地図作成と全ゲノム解読 白澤 健太1, 有本 龍平2, 石森 元幸3, 宮坂 昌実4, ゲルフィ アンドレア1, 平川 英樹1, 遠藤 誠2, 河崎 実之2, ○磯部 祥子1(1. かずさDNA 研, 2. タキイ種苗(株), 3. 東大・院農学生命科学, 4. 長野県野菜花き試験場)	205	UAV を用いたハクサイの生育モニタリング技術の開発 ☆小林 七海1, 西内 俊策2,3(1. 名大・農, 2. 名大・院生命農, 3.JST・さががけ)	305	◆座長 佐久間 俊(鳥取大・農) 酒米山田錦の福井県での安定生産を可能にする突然変異育種 ☆山口 航平1, 茶谷 弦輝1, 高城 啓一2, 岩崎 行玄1, 三浦 孝太郎1(1. 福井県立大・生物資源, 2. 若狭湾エネルギー研究センター)
10:15	106	ニガウリにおける Long Read データによるゲノム配列の構築と系統間の多型解析 ○松村 英生1, Min-Chien Hsiao2, 豊田 敦3, 太郎 良和彦4, 谷合 直樹4, 宮城 徳道4, 浦崎 直也4, Shashi Anand5, Narinder Dhillon5, Roland Schafleitner5, Cheng-Ruei Lee5(1. 信大・遺伝子, 2. 台湾大, 3. 国立遺伝研, 4. 沖縄農研センター, 5.World Vegetable Ctr.)	206	マーカー遺伝子型と環境情報を用いた時系列的な作物形質の予測: UAV リモートセンシングで計測されたダイズ植被面積への応用 ☆戸田 悠介1, 佐々木 剛志1, 大森 良弘1, 山崎 裕司2, 高橋 宏和3, 高梨 秀樹1, 津田 麻衣4, 澤田 有司5, 鐘ヶ江 弘美6, 辻本 壽2, 加賀 秋人7, 中國 幹生3, 藤原 徹1, 岩田 洋佳1(1. 東大・院農学生命科学, 2. 鳥取大・乾燥地研究センター, 3. 名大・院生命農学, 4. 筑波大・T-PIRC, 5. 理研・環境資源科学研究センター, 6. 農研機構・農業情報研究センター, 7. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	306	イネ(<i>Oryza sativa</i> L.)において mPing タグラインに見出された着粒密度に関する変異 ○堀端 章(近畿大・生物理工学)
10:30	107	非対称細胞融合により創出されたトマトのオルガネラゲノムの構造解析 ○白澤 健太1, 桑原 康介2, 原田 宥成2, 武井 瞳2, 壺岐 友里恵2, Sockmean Vann2, 松澤 佑馬3, 飯岡 真司3, 有泉 亨2(1. かずさDNA 研究所, 2. 筑波大, 3. トキタ種苗)	207	講演取り消し	307	パンコムギ近縁種であるタルホコムギの形態・生理学的多様性のゲノムワイド関連解析 ☆マハジューブ マジン1,2, ヤシル グラフィ2,3, 山崎 裕司3, カマル ナスリン2, アブデルラマン モスタファ3,4, 松岡 由浩5, 辻本 壽3(1. 鳥取大学大学院農学研究科, 2. 鳥取大学乾燥地研究センター, 3. 鳥取大学乾燥地研究センター, 4. アスワン大学理学部植物学教室, 5. 福井県立大学生物科学)
10:45	108	オープンソースな変異タイピング手法の開発とイネをモデルとした概念実証 ☆市田 裕之, 阿部 知子(理研・仁科センター)	208	◆座長 鐘ヶ江 弘美(農研機構・農業情報セ) 多波長画像解析による麦類種子表現型解析のスマート化 ○池田 達哉1, 中村 和弘2, 伊藤 美環子1(1. 農研機構・西日本農業研究センター, 2. 農研機構・九州沖縄農業研究センター)	308	ウメ品種群における果実矮小化形質に関連する遺伝領域の推定 ☆沼口 孝司1,2, 赤木 剛士3, 北村 祐人1, 大江 孝明1, 柏本 知晟1, 石川 亮2, 石井 尊生2(1. 和歌山県果樹試験場うめ研究所, 2. 神戸大・院農学, 3. 岡山大学・院環境生命科学)
11:00	109	◆座長 松村 英生(信州大) 正逆交配に由来する2つの RIL 集団を用いたダイズ百粒重の QTL 解析 ○佐山 貴司1, 山田 哲也2, 高橋 浩司2, 石本 政男2, 小松 邦彦1, 高田 吉丈1(1. 農研機構西日本農研, 2. 農研機構作物開発センター)	209	水稻籾を用いた黄化粉率推定手法の開発 ☆井上 駿1, 西内 俊策2,3(1. 名大・農, 2. 名大・院生命農, 3.JST・さががけ)	309	◆座長 石井 尊生(神戸大・院農) 野生一粒系コムギにおける顕果サイズと種子休眠性の小穂内二型性: 栽培型との雑種第2世代における形質の分離 松下 沙樹, 久保 瑞穂, ○大田 正次((元) 福井県大・生物資源)
11:15	110	アワ近縁野生種ハマエノコロの耐塩性に関する QTL 解析 田中 智子1, 山本 菜穂子1, 福永 健二2, ○大迫 敬義3(1. 京都府大・生命環境, 2. 県立広島大・生命環境, 3. 京都府大・院生命環境)	210	CO ₂ 供給人工気象器を用いたダイズの世代促進技術の開発 ☆永利 友佳理1, 藤田 泰成1(1. 国際農研生物資源・利用領域, 2. 筑波大・生命環境)	310	トマト品種 'Micro-Tom' を基盤としたバイオリソース整備とその利用成果 ☆篠崎 良仁1, 伊藤 直子1, 有泉 亨1, 福田 直也1, 金山 喜則2, 久保 康隆3, 青木 考4, 矢野 健太郎5, 江面 浩1(1. 筑波大・生命環境系, 2. 東北大・院農学研究科, 3. 岡山大学・院環境生命科学研究科, 4. 大阪府大・院生命環境科学研究科, 5. 明治大・農学部)
11:30	111	コムギ品種「きたほなみ」および「ゆめちから」由来の DH 系統を用いた収量構成要素に関する QTL と GNI-A1 遺伝子との関係 ☆田中 漢1, 川口 謙二2, 寺沢 洋平2, 伊藤 美環子3, 八田 浩一2, 石川 吾郎4, 西尾 善太1(1. 東京農大・院農, 2. 農研機構北海道農業研究センター, 3. 農研機構西日本農業研究センター, 4. 農研機構次世代作物開発研究センター)	211	高速世代促進 sBBS による γ-オリザノール高含有量系統の高速育成 ○田中 淳一1,2, 荒木 悦子1(1. 農研機構 次世代作物開発研究センター, 2. 筑波大 院生命環境)	311	日本産タケ連植物の遺伝育種学的研究 XLIII(43), メダケ属の最近の開花事例とスズダケとの交配による F1 芽生や生育植物の形態形質 ○村松 幹夫

3月28日(土) 午前 口頭発表プログラム						
第4会場 (フードサイエンス棟中島ホール)		第5会場 (7号館 104/105 教室)		第6会場 (7号館 114/115 教室)	3月28日	
◆座長 野々村 賢一 (国立遺伝学研究所)		◆座長 久野 裕 (岡大・資源植物科学研)		◆座長 吉川 貴徳 (京大・院農)		
401	コムギ <i>in vitro</i> 受精系の確立 マリエンティ テディ 1, 加藤 紀夫 2, 3, 市川 雅子 3, ○岡本 龍史 1, 2 (1. 首都大学東京・院理・生命科学, 2. 理研・パトンゾーン・植物新育種技術, 3. 日本たばこ・植物イノベーションセンター)	501	未利用遺伝資源由来のリン欠耐性コムギ系統における耐性メカニズムの解明 ☆山崎 裕司 1, グラフィ ヤシル 1, 2, タヒル イザツト 2, 辻本 壽 1 (1. 鳥取大学乾燥地研究センター, 2. スーダン農業研究機構)	601	オオムギのダイアレール交雑 F1 におけるバイオマスとゲノムワイド SNPs の解析 ☆ Areej Sakkour, 佐藤 和広 (岡山大学資源植物科学研究所)	9:00
402	二粒系コムギに <i>Aegilops variabilis</i> の花粉を交雑してできる無胚および有胚種子の RNA-seq による比較 ☆高松 祐美 1, 吉田 健太郎 1, 池田 達哉 2, 宅見 薫雄 1 (1. 神戸大・院農, 2. 農研機構・西日本農研)	502	パンコムギの生育ステージ特異的高温ストレス応答: 幼苗期のストレス応答は登熟期まで続く ☆松永 幸子 1, 山崎 裕司 2, 妻鹿 良亮 2, 辻本 壽 2 (1. 鳥取大院・連農, 2. 鳥取大・乾地研)	602	野生種 <i>Oryza glumaepatula</i> の染色体移入による日本型水稻の高温登熟耐性向上の試み ○宮原 克典 1, 平林 秀介 2, 山口 修 3, 石橋 正文 3, 宮崎 真行 3, 和田 卓也 3 (1. 福岡農林試 豊前分場, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 3. 福岡農林試)	9:15
403	コムギ近縁野生種の M あるいは N ゲノムを持つ合成異質 6 倍体の作出と表現型変異 ☆田中 紗弥夏 1, 吉田 健太郎 1, 長岐 清孝 2, 池田 達哉 3, 宅見 薫雄 1 (1. 神戸大・院農, 2. 岡山大・植物研, 3. 農研機構・西日本農研)	503	耐塩性を示す合成コムギと在来コムギにおけるトランスクリプトームの比較解析 中山 理央 1, Mohammad Taheeb Safi 1, Waisuddin Ahmadzai 1, 佐藤 和広 2, ○川浦 香奈子 1 (1. 横浜市立大学 木原生物学研究所, 2. 岡山大学資源植物科学研究所)	603	枝作り酵素 (BE) I と IIb が欠損した二重変異体米の胚乳澱粉とレジスタントスターチ (RS) の特性 ☆三浦 聡子, 幸山 奈那, クロフツ 尚子, 保坂 優子, 阿部 美里, 藤田 直子 (秋田県立大学 生物資源)	9:30
404	トウガラシ属種間交雑で生じる雑種弱勢の表現型解析 ☆白柿 薫平 1, 横井 修司 1, 2, 3, 手塚 孝弘 1, 2 (1. 大阪府大院・生命環境, 2. 大阪府大・附属教育研究フィールド, 3. 大阪府大・21 世紀科学研究センター・バイオエコノミー研究所)	504	乾燥耐性パンコムギ系統育種に向けた、乾燥ストレス下での代謝および生理学的応答評価 ☆イタム マイケル 1, 妻鹿 良亮 2, 只野 翔太 1, アフデルラフマン モスタファ 2, 3, 松永 幸子 1, 山崎 裕司 2, 明石 欣也 2, 4, 辻本 壽 2, 4 (1. 鳥取大・院農連大, 2. 鳥取大・乾地研, 3. Botany Department, Aswan University, 4. Faculty of Agriculture Tottori University)	604	インディカ米由来のスターチシンターゼ (SS)IIa は sugary-1 形質の一部を補う ○藤田 直子, 佐藤 芳樹, 三浦 聡子, 保坂 優子, 阿部 美里, クロフツ 尚子 (秋田県立大学生物資源科学部)	9:45
405	◆座長 宅見 薫雄 (神戸大・院農) イネ属ゲノム種間雑種の減数分裂期の薬を用いたトランスクリプトーム解析 ○野々村 賢一 1, 2, 小野 聖二郎 1, 孫 建強 3, 田中 啓介 4, 佐々木 卓治 5, 瀬々 潤 6 (1. 遺伝研・植物細胞遺伝, 2. 総研大・生命科学, 3. 農研機構・農業情報研究センター, 4. 東農大・生物資源ゲノム解析センター, 5. 東農大・総合研究所, 6. 産総研・人工知能研究センター)	505	◆座長 川浦 香奈子 (横浜市大・木原生研) 北海道の日本雑用秋まき小麦における MFT 遺伝子の導入効果 ○其田 達也 1, 神野 裕信 1, 大西 志全 1, 蝶野 真喜子 2, 松中 仁 3 (1. 道総研 北見農試, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 3. 農研機構・九州沖縄農業研究センター)	605	◆座長 藤田 直子 (秋田県大・生物資源科学) イネ種子の γ-オリザノール含量を規定する候補因子の探索 ☆船越 孝之 1, 松原 健一郎 2, 小川 拓水 1, 手塚 孝弘 1, 4, 太田 大策 1, 3, 横井 修司 1, 3, 4 (1. 大阪府立大学大・院生命環境科学, 2. 吉備国際大・農, 3. バイオエコノミー研究所・21 世紀科学研究センター・大阪府立大学, 4. 附属教育研究フィールド・大阪府立大学)	10:00
406	栽培イネと野生イネにおけるインプリントームの比較 ○殿崎 薫 1, 2, 6, 小野 明美 2, 永田 博基 2, 古海 弘康 3, 野々村 賢一 4, 川勝 泰二 5, 佐藤 豊 3, Luca Comai 6, 木下 哲 2 (1. 岩手大・農, 2. 横浜市大・木原生研, 3. 遺伝研・植物遺伝, 4. 遺伝研・植物細胞遺伝, 5. 農研機構・生物機能利用, 6. UC Davis)	506	植物ミトコンドリアゲノム編集の試み: mitoTALEN によるシロイヌナズナ <i>NAD7</i> 遺伝子の破壊 ☆綾部 弘基 1, 日高 朋美 2, 田村 美子 2, 堤 伸浩 2, 有村 慎一 2 (1. 東京大学農学部, 2. 東京大学 大学院農学生命科学研究科)	606	TILLING を用いたダイズ <i>isoflavone synthase</i> (IFS) 変異体のスクリーニング ○吉川 貴徳 1, 寺石 政義 1, 穴井 豊昭 2, 奥本 裕 1 (1. 京大院農, 2. 佐賀大・農)	10:15
407	自家和合性 <i>Brassica juncea</i> 'C451' 系統の S ハプロタイプ解析 ○北柴 大泰, 木幡 龍弥, 伊藤 進, 金澤 弘晃, 山本 雅也 (東北大学大学院農学研究科)	507	様々な植物ウイルスの増殖を抑制できるダイズモザイクウイルス抵抗性遺伝子 <i>Rsv4</i> 石橋 和太 1, 猿田 正恭 1, 清水 武彦 1, 叔 森 1, 穴井 豊昭 2, 小松 邦彦 1, 山田 直弘 3, 片寄 裕一 1, 石川 雅之 1, 石本 政男 1, ○加賀 秋人 1 (1. 農研機構, 2. 佐賀大, 3. 長野県農試)	607	イネの分げつ開度動態に関する数値モデル構築 ☆徳山 芳樹 1, 大西 一光 2, 小出 陽平 3 (1. 北海道大学農学部, 2. 帯広畜産大学, 3. 北海道大学農学研究院)	10:30
408	タンパク質立体構造情報を元にした変異 BrSRK9 と変異 BrSCR9 発現シロイヌナズナの <i>in planta</i> 解析 ○山本 雅也, 北柴 大泰 (東北大学大学院農学研究科)	508	ダイズ早結系統の分子遺伝学的解析 ☆山谷 浩史 1, 2, Titnang Heng 1, 山田 哲也 3, 草場 信 2, 加賀 秋人 1 (1. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 2. 広島大学・院・統合生命, 3. 北海道大学・院・農)	608	植物 3 次元器官生長モデルの遺伝的アルゴリズムによる最適化 ○小出 陽平 (北海道大学大学院農学研究院)	10:45
409	◆座長 北柴 大泰 (東北大・院農) 野生種と栽培種の交雑 F ₂ における雄性不稔ダイコンとクロダイコンの出現 ○山岸 博 1, 橋本 純子 2, 福永 明日美 1, 寺地 徹 1 (1. 京産大・生命科学部, 2. 京産大・植物ゲノム科学研究センター)	510	◆座長 草場 信 (広島大・院統合生命) イネのシュート形成における <i>Oryza sativa</i> <i>Smith-like1</i> 遺伝子機能の解析 ☆菊地 美希 1, 岡本 理沙 2, 山崎 莊 2, 春原 英彦 3, 我彦 廣悦 1, 2, 永澤 信洋 1, 2, 佐藤 (永澤) 奈美子 1, 2 (1. 秋田県立大・院生物資源科学, 2. 秋田県立大・生物資源科学, 3. 熊大・院農学生命科学)	609	◆座長 小出 陽平 (北大・院農) イネヘテロ 3 量体 G タンパク質による種子サイズと草丈の制御 ☆茶谷 弦輝, 山口 航平, 岩崎 行玄, 三浦 孝太郎 (福井県立大学・生物資源)	11:00
411	栽培イチゴの雄性不稔性を支配する <i>qMS4.3</i> のファインマッピング 磯部 祥子 1, 白澤 健太 1, ○和田 卓也 2, 末吉 孝行 2, 門田 日陽里 2, 平田 千春 2, 森 美幸 2, 永松 志朗 2, 田中 幹大 2 (1. かずさ DNA 研究所, 2. 福岡県農林業総合試験場)	509	Hayai-Annotation Plants v1.0.2: 陸上植物および藻類の機能アノテーションシステムの更新 ○ Andrea Ghelfi, 白澤 健太, 平川 英樹, 磯部 祥子 (かずさ DNA 研究所)	610	イネ胚乳形成過程における細胞の分裂と分化に異常を示す <i>abnormal cell division 1 (abc1)</i> 突然変異体の解析 ☆鈴木 俊哉 1, 伊澤 康太郎 2, 高藤 良典 2, 服部 東穂 2, 野坂 実鈴 1, Kim Nhung Tai 1, 佐藤 (志水) 佐江 1, 佐藤 豊 1 (1. 国立遺伝学研究所, 2. 名古屋大学大学院生命農学研究科)	11:15
410	ビート花粉粘性回復遺伝子誕生には遺伝子重複が関与した 荒河 匠 1, 2, 菅谷 元 1, 松井 克憲 1, 北崎 一義 1, ○久保 友彦 1 (1. 北大・院農学, 2. 岐阜・中山間農研)	511	QTL analysis of stay green in sorghum using a RIL population derived from Takakibi NOG ☆荊子 恒, 坂本 亘 (岡山大学 資源植物科学研究所)	611	イネの発生を制御する <i>Elongator</i> 遺伝子の機能解析 ☆松本 光梨 1, 安居 佑季子 1, 大森 良弘 2, 田中 若奈 1, 3, 石川 哲也 4, 沼 寿隆 4, 白澤 健太 4, 5, 谷口 洋二郎 4, 田中 淳一 4, 鈴木 保宏 4, 平野 博之 1 (1. 東大・院理, 2. 東大・院農学生命, 3. 広島大・院統合生命, 4. 農研機構, 5. 現・かずさ DNA 研)	11:30

3月29日(日)午前 口頭発表プログラム						
第4会場(フードサイエンス棟中島ホール)		第5会場(7号館104/105教室)		第6会場(7号館114/115教室)	3月29日	
◆座長 藤本 龍(神戸大・院農)		◆座長 森田 竜平(理研・仁科センター)		◆座長 辻 寛之(横浜市大・木原生研)		
412	Callose accumulation at onset of meiosis is crucial for normal meiosis progression in Rice ☆ Harsha Somashekar1,2, Manaki Mimura1, Ken-Ichi Nonomura1,2 (1.Natl. Inst. Genet., 2.Grad. Univ. Adv. Stds. (SOKENDAI))	512	2倍体ヒトツブコムギにおける重イオンビーム突然変異体作出のための最適処理条件 ○村井 耕二1, 風間 裕介1, 阿部 知子2 (1. 福井県大・生物資源, 2. 理研・仁科センター)	612	オオムギ MANY-NODED DWARF 遺伝子群による葉間期制御 ○松原 健一郎1, 武田 真2, 伊藤 純一3 (1. 吉備国際大・農, 2. 岡山大学・資源植物科学研究所, 3. 東京大・農学生命科学)	9:00
413	イネ白葉枯病抵抗性突然変異系統 XM6 の持つ抵抗性遺伝子 XA20 の連鎖解析 ☆ Jessey Anderson Msami1, 一谷 勝之2, Shameel Ali Shah1, 阿部 洋介2, 湯山 祐樹2, 田浦 悟3 (1. 鹿児島大学農学部農林水産学研究所, 2. 鹿児島大学農学部, 3. 鹿児島大学遺伝子実験施設)	513	ゲノム編集によるシロイヌナズナへの 758 kb の逆位の導入 渡邊 遼1, 大部 澄江1, 阿部 知子1, ○風間 裕介1,2 (1. 理研・仁科センター, 2. 福井県大・生物資源)	613	イネ <i>adaxial-abaxial bipolar leaf 2</i> 変異体を用いた異所的メリステム分化抑制機構についての分子遺伝学的解析 ☆佐藤 理絵1, 春原 英彦2, 伊藤 純一3, 我彦 廣悦1, 永澤 信洋1, 佐藤(永澤) 奈美子1 (1. 秋田県立大・院生物資源科学, 2. 熊本・先端科学, 3. 東大・院農学生命科学)	9:15
414	講演取り消し	514	オオムギ種子休眠性遺伝子の標的ゲノム改変による発芽抑制 ○久野 裕1, Robert Hoffie2, 山根 美樹1, 宗森 広美1, Jochen Kumlehn2, 佐藤 和広1 (1. 岡山大・植物研, 2. ドイツ・ライプニッツ植物遺伝作物学研究所)	614	リンドウの未受精胚珠培養における胚様体発生機構の遺伝学的・組織学的解析 ☆高村 祐太郎1,2, 高橋 亮2, 日影 孝志2, 畠山 勝徳1, 高畑 義人1 (1. 岩手大学農学部, 2. 八幡平市花き研究開発センター)	9:30
415	イネ白葉枯病抵抗性突然変異系統の生育段階の違いによる抵抗性の差異 ☆湯山 祐樹1, 秋山 勇希1, 田浦 悟2, 一谷 勝之1 (1. 鹿大・農学, 2. 鹿大・遺伝子実験施設)	515	ミトコンドリア移行 TALEN を用いた細胞質雄性不稔性関連遺伝子 <i>orf352</i> の破壊と表現型の調査 ☆大向 詩穂1, 島山 欽哉1, 有村 慎一2, 風間 智彦1,3 (1. 東北大・院・農, 2. 東大・院・農生命, 3. 現: 九大・院・農)	615	イネ穂発芽耐性 QTL・ <i>qSdr6a</i> の候補遺伝子の同定 ☆佐野 舜一1, 飯島 信繁1, 杉本 和彦2, 星野 友紀1 (1. 山形大・農・食料生命環境, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	9:45
416	◆座長 小林 麻子(福井県農試) <i>Brassica rapa</i> L. における白さび病抵抗性遺伝子の遺伝様式の解明と抵抗性遺伝子候補の探索 ☆宮路 直実1, 清水 元樹2, 安田(高崎) 剛志1, 中馬 いづみ3, 藤本 龍1 (1. 神戸大院農学, 2. 岩手生工研, 3. 帯広畜産大)	516	◆座長 市田 裕之(理研・仁科センター) オオムギのゲノム編集における催芽時の高温処理期間と標的変異効率との関係 ○小川 泰一(農研機構・生物研)	616	◆座長 松原 健一郎(吉備国際大・農) キャベツにおける春化応答性の品種間差と <i>BoFLC2</i> 遺伝子の関係 ☆板橋 悦子1, シェイ ダニエル2, 吹野 伸子1,3, 藤本 龍4, 岡崎 桂一2, 柿崎 智博1, 小原 隆由1 (1. 農研機構・野菜花き研究部門, 2. 新潟大・院自然科学, 3. 農研機構・本部, 4. 神戸大・院農学)	10:00
417	アメリカのイネ品種「Dawn」に由来するイネごま葉枯病抵抗性に関する QTL 解析 ○太田 雄也1, 松本 憲悟1, 中山 幸則1, 大野 鉄平1, 山川 智大1, 溝淵 律子2, 佐藤 宏之3 (1. 三重農研, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 3. 農水省)	517	辛味が変動したししとう(<i>Capsicum annuum</i>) 果実におけるカプサイシンノイド合成関連遺伝子の発現解析 ☆近藤 文哉1, 根本 和洋2, 松島 憲一2 (1. 信州大・院総合理工学, 2. 信州大・学術研究院(農))	617	イネの根が示す栄養屈性の特徴とその役割 ○大森 良弘1, 山崎 清志1, 藤原 徹(東京大学大学院農学生命科学研究科)	10:15
418	スリランカ在来イネ Rathu Heenati 由来のトピロウシカ抵抗性に関する QTL 解析 ☆グエン デイックン1, 岡野 都史己2, 真田 幸代3, 松村 正哉3, 鄭 紹輝2, 安井 秀4, 藤田 大輔2 (1. 鹿大・院連合農学, 2. 佐大・農, 3. 農研機構・九州沖縄農業研究センター, 4. 九大・院農)	518	PAM の自由度を改良した SaCas9 を用いた植物のゲノム編集技術 ☆根岸 克弥1, 西増 弘志2, 瀧水 理2, 土岐 精一1,3,4 (1. 農研機構・生物機能利用, 2. 東京大・院理学, 3. 横浜市大・院生命ナノ, 4. 横浜市大・木原生研)	618	多作期移行試験による感光性が異なるイネ4品種の不感光相の評価 ☆安部 学1, 小梶 裕之1, 齋藤 大樹2, 西村 和紗1, 清水 顕史3, 中川 博視4, 矢部 志央理5, 中野 龍平1, 滝澤 理仁1, 間合 絵里1, 元本 航1, 中崎 鉄也1(1. 京都大学大学院農学研究科植物生産管理学, 2. 国際農林水産業研究センター, 3. 滋賀県立大学大学院環境科学研究室, 4. 農研機構・農業環境変動研究センター, 5. 農研機構・次世代作物開発研究センター)	10:30
419	◆座長 山形 悦透(九大・院農) イネ品種銀坊主に見出された耐塩性系統に関与する <i>mPing</i> 挿入 ☆藤崎 稔史1, 佐橋 結2, 落合 久美子2, 吉川 貴徳2, 寺石 政義2, 奥本 裕2 (1. 京大農・資源生物, 2. 京大院農)	519	GmCHR5 に生じた一塩基欠損はダイズ種子におけるダイゼインに対するゲニステイン比を増大させる Rauf Sarkar1,2, 橋本 文雄2, 鈴木 章弘1, 穴井 豊昭1, ○渡邊 啓史1 (1. 佐賀大農, 2. 鹿児島大学大学院連合農学研究科)	619	ライブイメージングによるフロリゲンの細胞間移行の解析 ☆中村 珠里, 田中 真理, 辻 寛之(横浜市立大学木原生物学研究所)	10:45
420	ソナレシバのナトリウムトランスポーター <i>SvHKT1;1</i> は高濃度の NaCl 特異的に応答して耐塩性を強化する ○多田 雄一1, 川上 裕貴2 (1. 東京工科大学 応用生物学部, 2. 東京工科大学 大学院 バイオ情報メディア)	520	◆座長 風間 裕介(福井県大・生物資源) イネ長粒変異体 <i>lin1</i> の単離および原因遺伝子同定 ○森田 竜平1, 市田 裕之1, 石井 公太郎1, 林 依子1, 安部 弘1, 白川 侑希1, 一瀬 勝紀1, 常泉 和秀1, 風間 智彦2,3, 島山 欽哉2, 佐藤 雅志1,2, 阿部 知子1 (1. 理研・仁科センター, 2. 東北大・院農, 3. 九大・院農)	620	◆座長 大森 良弘(東大・院農生) エビゲノムの基底状態は茎頂メリステムの遺伝子発現によって規定される 肥後 あすか1, 才原 徳子1, 東 陽子2, 三浦 史仁3, 伊藤 隆司3, ○辻 寛之1 (1. 横浜市立大学・木原生物学研究所, 2. 奈良先端大・バイオサイエンス, 3. 九州大学・医学研究院)	11:00
421	異なる遺伝背景における水稻の高温登熟耐性遺伝子/QTL の集積効果 ○小林 麻子1, 圓山 恭之進2, 櫻井 哲也3, 水上 優子4, 濱頭 葵4, 富田 桂1(1. 福井県農業試験場, 2. 国際農林水産業研究センター, 3. 高知大学, 4. 愛知県農総試)	521	バルクシークエンシング法によるイネの多収突然変異系統の原因遺伝子候補の同定 ☆李 鋒1, 清水 明美1, 加藤 浩2 (1. 農研機構・作物研・放射線育種場, 2. 農研機構・資源C)	621	異なる発育ステージにおけるオオムギ出穂期関連遺伝子群の発現パターンに基づく新規早生 QTL の機能推定 岩本 健, 横田 真吾, 田部 涼太, 加藤 鎌司, ○西田 英隆(岡山大・院環境生命)	11:15
422	低温条件下で発現するオオムギ CISP 遺伝子の構造と機能 應 夢超, ○木藤 新一郎(名古屋市立大学大学院システム自然科学研究科)	522	<i>Brassica maurorum-2</i> 細胞質を導入した <i>Brassica rapa</i> において <i>maturase K</i> の RNAediting が不全となる ☆柏瀬 郁菜1, 須永 啓太1, 藤田 祥明1,2, 房 相佑1, 大西 孝幸1 (1. 宇都宮大・農, 2. 農工大・院連農)	622	オオムギにおける匍匐性 QTL の解析 ○加藤 鎌司, 下戸 航平, 西田 英隆(岡山大・院環境生命)	11:30
		523	DNA メチル化の状態が異なる植物同士の交雑によって漸進的な脱メチル化が進行する ☆松永 航1, 犬飼 剛1, 松村 健2, 増田 祝1(1. 北大・農学研究院, 2. 産業技術総合研究所 北海道センター)	623	オオムギの圃場生長動態の種内変異 ○最相 大輔1, 岡田 聡史1, 井藤 純2, 辻 寛之2, 高萩 航太郎3,4, 持田 恵一1,2,4, 平山 隆志1 (1. 岡山大学資源植物科学研究所, 2. 横浜市立大・木原生研, 3. 横浜市立大院・生命ナノ, 4. 理化学研究所環境資源科学研究所)	11:45
			グループ研究集会1 (16時45分～18時15分) 第49回生物進化・細胞遺伝談話会/第20回遺伝資源海外調査の現状と課題 世話人: 森 直樹(神戸大), 竹中 祥太郎(龍谷大), 石川 隆二(弘前大), 加藤 鎌司(岡山大) 話題提供: 「植物・病原菌の共進化: イネ-いもち病菌相互作用の例」 寺内 良平(京都大/岩手生工研)			

口頭発表 講演番号・座長一覧

会場 日程	第1会場 2-第1講義室	第2会場 2-第2講義室	第3会場 2-第3講義室	第4会場 中島ホール	第5会場 7-104/105教室	第6会場 7-114/115教室
3月28日 午前	101-104 白澤 健太 9:00-10:00	201-203 最相 大輔 9:00-9:45	301-304 三浦 孝太郎 9:00-10:00	401-404 野々村 賢一 9:00-10:00	501-504 久野 裕 9:00-10:00	601-604 吉川 貴徳 9:00-10:00
	105-108 藤田 大輔 10:00-11:00	204-207 田中 淳一 9:45-10:45				
	109-111 松村 英生 11:00-11:45	208-211 鐘ヶ江 弘美 10:45-11:45	309-311 石井 尊生 11:00-11:45	409-411 北柴 大泰 11:00-11:45	509-511 草場 信 11:00-11:45	609-611 小出 陽平 11:00-11:45
3月28日 午後	総会・受賞講演					

会場 日程	第1会場 2-第1講義室	第2会場 2-第2講義室	第3会場 2-第3講義室	第4会場 中島ホール	第5会場 7-104/105教室	第6会場 7-114/115教室
3月29日 午前	112-115 殿崎 薫 9:00-10:00	212-214 宇賀 優作 9:00-9:45	312-315 西田 英隆 9:00-10:00	412-415 藤本 龍 9:00-10:00	512-515 森田 竜平 9:00-10:00	612-615 辻 寛之 9:00-10:00
		215-218				
	116-118 深井 英吾 10:00-10:45	西内 俊策 9:45-10:45	316-319 内藤 健 10:00-11:00	416-418 小林 麻子 10:00-10:45	516-519 市田 裕之 10:00-11:00	616-619 桧原 健一郎 10:00-11:00
	119-121 山本 敏央 10:45-11:30	219-222 山本 雅也 10:45-11:45				
3月29日 午後	ポスター発表					

日本育種学会 優秀発表賞 投票方法の改正に関連した注意点

1. エントリー制を採用します。

演題登録時に優秀発表賞の選考対象演題としてエントリーした演題を審査の対象とします。

2. 発表者マークの変更

プログラムや要旨において優秀発表賞の選考対象としてエントリーした演題の発表者印は☆で表記されています。ポスターやスライド作成時に発表者印を表記する際にも統一した記号を使ってくださいますようお願いいたします。

ポスター発表プログラム（3月29日）

奇数番号 15:00-15:45 偶数番号 15:45-16:30（弥生講堂・弥生講堂アネックス）

01. 育種法・育種技術 (Breeding method・Breeding technology)

P001 パーティクルガンを用いたミトコンドリアゲノムへの外来遺伝子導入の試み

☆中里 一星 1, 肥塚 信也 3, 堤 伸浩 2, 有村 慎一 2 (1. 東京大学農学部, 2. 東京大学大学院農学生命科学研究科, 3. 玉川大学農学部)

P002 講演取り消し

P003 *Ba*遺伝子の集積による濃い青粒性コムギの育成

○渡部 信義 1, Petr Martinek 2 (1. The Little Nursery, 2. Agrotest Fyto Ltd.)

P004 小麦育種初期集団への DNA マーカー選抜による製粉性改良効果

○池永 幸子 1, 石川 吾郎 2, 伊藤 裕之 1, 中丸 観子 1, 谷口 義則 1, 高山 敏之 1 (1. 農研機構東北農業研究センター, 2. 農研機構次世代作物開発センター)

P005 両性生殖性系統と2つの生殖性連鎖マーカーを利用したニラ育種法の確立

○中澤 佳子, 柏谷 祐樹, 田崎 公久, 田口 久美子, 村川 雄紀 (栃木県農業試験場)

P006 コムギの収量性選抜指標としての群落表面温度 (CT) と従来法 (見た目の評価) の比較

○大西 志全, 森田 耕一, 其田 達也, 木内 均, 神野 裕信 (道総研・北見農業試験場)

P007 講演取り消し

P008 RNAサイレンシング接ぎ木トマトの特性解析 (1): *SIFAD7*

○西口 正通 1, 中村 真也 1, 本藤 加奈 2, 篠崎 良仁 3, 江面 浩 3, 小林 括平 1 (1. 愛媛大・農, 2. 愛媛大・学術支援セ, 3. 筑波大・生命環境系)

P009 イチゴ品種「佐賀 i5 号」の炭疽病・萎黄病抵抗性評価および品種識別

○木下 剛仁, 友貞 俊成, 西 美友紀, 古田 明子 (佐賀農試研セ)

P010 光沢計による炊飯米の光沢測定を試み

☆秋田 和則, 深沢 芳隆, 岡本 和之 (茨城県農業総合センター生物工学研究所)

02. 品種育成・遺伝資源 (Breeding・Genetic Resource)

P011 宮崎発のメロン育種に向けてのアプローチ～品種間交雑後代における優良系統の作出～

○陳 蘭庄 1,2, 小森山 翔太 1,2, 山脇 京介 2, 杉山 翔 2 (1. 南九州大学大学院園芸学・食品科学研究科, 2. 南九州大学 環境園芸学部)

P012 リン資源保全型イネ作出に向けた遺伝解析

☆伊藤 繪太郎 1, 佐々木 和浩 2, 吉田 薫 1 (1. 東京大学大学院農学生命科学研究科, 2. 国際農林水産業研究センター)

P013 水稻品種「あそみのり」に由来するもち病圃場抵抗性遺伝子 *Pias* と白葉枯病抵抗性遺伝子 *Xa1* を保有する「ひとめぼれ」準同質遺伝子系統「東北 IL17 号」の開発

☆中込 佑介, 遠藤 貴司, 町 直樹, 石森 裕貴, 島津 裕雄 (宮城県古川農業試験場)

P014 高温登熟耐性と耐冷性を両立させた異常気象対応型水稻系統の開発

○石森 裕貴 1, 遠藤 貴司 1, 町 直樹 1, 中込 佑介 1, 佐藤 浩子 2, 佐伯 研一 3 (1. 宮城県古川農業試験場, 2. 宮城県北部地方振興事務所, 3. 宮城県庁)

P015 多収で耐倒伏性に優れるインゲンマメ (金時類) 新品種「秋晴れ」の育成

○中川 浩輔 1, 齋藤 優介 2, 佐藤 仁 3, 島田 尚典 3, 奥山 昌隆 1 (1. 道総研・十勝農試, 2. 道総研・上川農試, 3. 道総研・中央農試)

P016 クラブコムギ由来のグルテニンサブユニット遺伝子を導入した温暖地向け軟質コムギ系統の育成

☆藤郷 誠 1, 小島 久代 1, 乙部 千雅子 1, 藤田 雅也 1, 高山 敏之 2, 池田 達哉 3 (1. 国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構次世代作物開発研究センター, 2. 国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構 東北農業研究センター, 3. 国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構 西日本農業研究センター)

P017 官学連携型系統保存事業の展開ー東京都三鷹市三鷹大沢ワサビを事例に

☆服部 愛佳, 國島 聡史, 羽賀 夏子, 山根 京子 (岐大・応生)

P018 ギニアのイネ遺伝資源の遺伝的変異

○福田 善通 1, 柳原 誠司 2, スグエン ニヤイ 3, スグエン オアン 3, バリ ママドウ 4, デアワラ ソウレイマネ 4, パー オウマー 4 (1. 国際農林水産業研究センター 熱帯・島嶼研究拠点, 2. 国際農林水産業研究センター, 3. ベトナム国農業農業遺伝学研究所, 4. ギニア農業研究所)

P019 *Qsd1* 強型アレルを導入した穂発芽に強いオオムギ育種素材の開発と新たな QTL の同定

☆石原島 由依 1, 加藤 常夫 1, 田中 剛 2, 福岡 修一 2, 正村 純彦 2, 青木 秀之 3, 塚原 俊明 1, 青木 純子 1, 長嶺 敬 3 (1. 栃木県農業試験場, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 3. 農研機構・中央農業研究センター)

P020 葉緑体 DNA を用いた *Nicotiana suaveolens* 8 系統の系統解析

☆定久 公美¹, 何 海¹, 横井 修二^{1,2,3}, 手塚 孝弘^{1,2} (1. 大阪府立大学・院生命環境科学, 2. 附属教育研究フィールド・大阪府立大学, 3. バイオエコノミー研究所・21 世紀科学研究センター・大阪府立大学)

P021 トウガラシ栽培種における SSR マーカーを用いた系統解析および雑種弱勢原因遺伝子の分布の調査

☆立田 智輝¹, 横井 修司^{1,2,3}, 手塚 孝弘^{1,2} (1. 大阪府大院・生命環境, 2. 大阪府大・附属教育研究フィールド, 3. 大阪府大・21 世紀科学研究センター・バイオエコノミー研究所)

P022 アワにおける猿手の遺伝子分析

齋藤 佑真, ○福永 健二 (県立広島大学生命環境学部)

P023 トウガラシ非赤色果実色の原因となる *Ccs* 遺伝子の変異の同定と DNA マーカーの開発

☆大森 史歩¹, 鶴巻 啓一^{1,2}, 笹沼 恒男^{1,2} (1. 山形大・農, 2. 岩手大・院連合農学)

03. ゲノム解析・ゲノム育種 (Genomic analysis・Genome-based breeding)

P024 de novo assembly による 2 種の野生種トマトの参照ゲノム配列構築

武井 瞳¹, 白澤 健太², 桑原 康介¹, 松澤 祐馬³, 飯岡 真司³, ○有泉 亨¹ (1. 筑波大学生命環境系, 2. かずさ DNA 研究所, 3. トキタ種苗株式会社)

P025 コシヒカリの短稈同質遺伝子系統の全ゲノム解析

徳山 諒太郎, ○富田 因則 (静岡大学グリーン科学技術研究所)

P026 スギ無花粉育種のためのマーカーを活用した育種リソースの構築

○三嶋 賢太郎¹, 平尾 知士¹, 坪村 美代子¹, 井城 泰一¹, 三浦 真弘¹, 栗田 学¹, 倉本 哲嗣¹, 渡辺 敦史², 高橋 誠¹ (1. 森林研究・整備機構 森林総合研究所 林木育種センター, 2. 九州大学)

P027 BC1F1 世代を用いたダイコン (*Raphanus sativus*) の根系肥大部着色に関する遺伝子領域同定

○高田 茉莉奈, 瀬川 天太, 片山 礼子, 笹塚 美紀子, 高木 宏樹 (石川県立大学)

P028 ゲノム情報を用いたキウイフルーツ近縁野生種 *Actinide rufa* のゲノムワイド SSR マーカーの作成

○杉田 (小西) 左江子¹, 佐藤 佳代¹, 森 悦子¹, 檀林 美穂¹, 五味 剣二¹, 田淵 光昭¹, 生咲 巖², 福田 哲生², 真鍋 徹郎², 濱野 康平², 大谷 衛², 秋光 和也¹, 片岡 郁雄¹ (1. 香川大学 農学部, 2. 香川県農業試験場 府中果樹研究所)

P029 Identification of candidate gene underlying a soybean flowering time QTL (qFT12.1) on chromosome 12

○劉 徳泉^{1,2}, 許 東河¹ (1. 国際農研, 2. Col. Plant Sci., Jilin U.)

P030 パン用小麦育種における GRAS-Di マーカーの作出と連鎖地図の構築

○鈴木 一代¹, 竹内 由枝¹, 榎 宏征¹, 席田 淳史² (1. トヨタ自動車株式会社, 2. ホクレン農業総合研究所)

P031 北海道春播き小麦における穂および種子形質の遺伝子座

○席田 淳史¹, 鈴木 一代², 田中 由紀¹, 竹之内 悠¹, 榎 宏征² (1. ホクレン農業総合研究所, 2. トヨタ自動車)

P032 Genetic Dissection of Aphid Resistance in a Sorghum Cultivar

☆EVERLYNE OMOLLO¹, NORIKAZU OHNISHI¹, MURAGE HUNJA³, HIROMI KANEGAE², IVAN GALIS¹, WATARU SAKAMOTO¹ (1. 岡山大学 資源植物科学研究所, 2. Research Center for Agricultural Information Technology, NARO, 3. Jomo Kenyatta University of Science and Technology)

P033 ”すずおとめ” × ”フクユタカ” の RILs を用いた青立ちに関与する QTL の解析

○緒方 大輔¹, 田口 文緒², 奥野 竜平¹, 内川 修³, 宮崎 真行¹ (1. 福岡県農林業総合試験場, 2. 農研機構・次世代作物開発研究センター, 3. 福岡県庁)

P034 *Spinacia* 属種間雑種後代を用いた花序形質の遺伝解析

☆藤田 拓希¹, 高橋 光彦¹, 小野寺 康之² (1. 北海道大学農学院, 2. 北海道大学大学院農学研究院)

P035 マレーシア原産 *Brassica rapa* 品種「CHOY SUM EX CHINA 3」の開花に関与する遺伝子領域の同定

☆伊藤 徳昭¹, 西川 みなみ¹, 瀬川 天太¹, 今村 智弘¹, 阿部 陽², 笹塚 美紀子¹, 高木 宏樹¹ (1. 石川県立大学, 2. 岩手生工研)

P036 たかきび RIL のイオノームを用いたソルガム種子の元素含量に関する QTL 解析

☆ワセラ フィオナ¹, 徹 藤原², 山崎 清志², 高梨 秀樹², 堤 伸浩², 鐘ヶ江 弘美³, 坂本 亘¹ (1. 岡山大学 資源植物科学研究所, 2. 東京大学, 3. 農研機構)

P037 米国品種に由来するダイズの分枝数に関する QTL の検出

○福田 篤徳¹, 奥野 竜平², 内川 修², 森田 茂樹², 杉本 琢真³, 菱沼 亜衣⁴, 加藤 信^{4,6}, 佐山 貴司⁵, 横田 郁子¹, 清水 武彦¹, 田口 文緒¹, 小木曾 映里¹, 加賀 秋人¹, 羽鹿 牧太¹, 石本 政男¹ (1. 農研機構・作物研, 2. 福岡県農林業総合試験場, 3. 兵庫県農林水産技術センター, 4. 農研機構・東北農研, 5. 農研機構・西日本農研, 6. 農水省)

P038 コムギ系統「谷系小 5121CD」由来の子実カドミウム低蓄積性に関する QTL 解析

○小島 久代^{1,2}, 乙部 千雅子^{1,2}, 石川 吾郎¹, 藤田 由美子¹, 藤田 雅也¹, 藤郷 誠¹, 高山 敏之³ (1. 農研機構・作物研, 2. 筑波大・生命環境科学研究科, 3. 農研機構・東北農研)

- P039 ハプロタイプベースの GWAS を応用したダイズのバイオマス関連遺伝子に対する系統関係の推定**
 ☆濱崎 甲資 1, 石森 元幸 1, 坂本 莉沙 1, 戸田 悠介 1, 大森 良弘 1, 山崎 裕司 2, 高橋 宏和 3, 高梨 秀樹 1, 津田 麻衣 4, 鐘ヶ江 弘美 5, 辻本 壽 2, 澤田 有司 6, 加賀 秋人 7, 中園 幹生 3, 藤原 徹 1, 岩田 洋佳 1 (1. 東京大・院農学生命科学, 2. 鳥取大・乾燥地研究センター, 3. 名大・院生命農学, 4. 筑波大・T-PIRC, 5. 農研機構・農業情報研究センター, 6. 理研環境資源科学研究センター, 7. 農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P040 世界のオオムギコアコレクションの複数環境下での出穂期に関する遺伝解析**
 ☆岡田 聡史 1, 最相 大輔 1, 井藤 純 2, 辻 寛之 2, 高萩 航太郎 3, 持田 恵一 1,3, 平山 隆志 1 (1. 岡山大学資源植物科学研究所, 2. 横浜市立大・木原生研, 3. 理化学研究所 CSRS)
- P041 出穂期以降に高温処理を行った日本のコムギコアコレクションの収量構成要素に関するゲノムワイド関連解析**
 ☆寺田 智彦 1, 飯沼 睦文 2, 山崎 健太 2, 西尾 善太 1,2 (1. 東京農大・院農, 2. 東京農大・農)
- P042 中島菜 (Brassica rapa) のベビーリーフ利用に向けた葉柄色の改良**
 ☆本郷 将太郎, 坂本 勝汰, 笹塚 美紀子, 伊藤 徳昭, 沓澤 寛人, 瀬川 天太, 高木 宏樹 (石川県大)
- P043 全ゲノム変異解析による重イオンビームの高頻度な変異誘発線量区の推定**
 ☆石井 公太郎, 大部 澄江, 白川 侑希, 阿部 知子 (理研・仁科センター)
- P044 カドミウム吸収性に関わる遺伝子に変異が生じたダイズ系統の探索**
 ☆平田 香里 1, 高木 恭子 1, 佐山 貴司 2, 加賀 秋人 3, 菊池 彰夫 1, 石本 政男 3 (1. 農研機構・東北農業研究センター, 2. 農研機構・西日本農業研究センター, 3. 農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P045 パンコムギのミトコンドリアゲノム上に散在するショートトリプートを介した組換えに関する研究**
 ☆辻村 真衣 1, 佐藤 南美 2, 永島 伊都子 1, 森 直樹 3, 寺地 徹 4 (1. 京産大・植物ゲノム科学研究センター, 2. 京産大・総合生命科学, 3. 神戸大学・院農学, 4. 京産大・生命科学)

04. 遺伝子機能 (Gene function)

- P046 イネ種子の形態形成に関わる新規な制御因子の探索**
 ☆鈴木 麟太郎 1, 今村 智弘 1,2, 野永 葉子 1, 草野 博彰 1,3, 寺村 浩 1, 関根 健太郎 4, 山下 哲郎 5, 島田 浩章 1 (1. 東京理科大・生物工, 2. 石川県立大・生物資源工, 3. 京都大・生存圏研, 4. 琉球大・農・亜熱帯生物, 5. 岩手大・農・応用生物化学)
- P047 トウジンビエの膜タンパク質遺伝子である *PgPM19* は乾燥ストレス応答と塩ストレス応答に関与する**
 ○于 培 1, Harshraj SHINDE1, Ambika DUDHATE1, SK GUPTA2, 津釜 大侑 1, 柳 参奎 3, 高野 哲夫 1 (1. 東大アジアセンター, 2. 国際半干旱熱帯作物研究センター, 3. 浙農林大)
- P048 トウジンビエのデヒドリン遺伝子の単離と機能解析**
 ○ク エイイ 1, Ambika Dudhate1, Harshraj Shinde1, SK Gupta2, 津釜 大侑 1, 柳 参奎 3, 高野 哲夫 1 (1. 東京大学アジアセンター環境ストレス耐性機構研究室, 2. 国際半乾燥熱帯作物研究所, 3. 浙江農林大学)
- P049 イネの強稈性を制御する *qGF1* に関する遺伝学的解析**
 ☆縣 歩美 1, 石原 亮太 1, 黒羽 剛 2, 西谷 和彦 3, 北野 英己 4, 保浦 徳昇 4 (1. 名大院生命農学, 2. 農研機構・生物機能利用, 3. 神奈川大学, 4. 名大生物機能開発利用研究センター)
- P050 ソルガム細胞壁におけるケイヒ酸エステル蓄積と遺伝子導入による細胞壁改変の試み**
 ○伊澤 かなな 1, Asma Osivand1, 伊藤 美幸 1, 中村 進一 1, 松本 隆 1, 江面 浩 2 (1. 東京農大・バイオサイエンス, 2. 筑波大・生命環境系 T-PIRC)
- P051 ゲノム編集におけるイネ種子形成初期での *OsSub53*、*63* の機能解析**
 ○西方 千佳, 東海林 愛美, 斎藤 靖史 (岩手大・農)
- P052 ゲノム編集によるシロツメクサ *SLM1* 遺伝子の複葉形成に関わる機能解析の試み**
 ☆和泉 宏彬, 田村 健, 斎藤 靖史 (岩手大・農)
- P053 シロイヌナズナにおける *FLOWERING LOCUS C* をターゲットとしたエピゲノム編集による花成時期の調節**
 ☆五十嵐 寛太 1, 土屋 徳司 2 (1. 日本大・院応用生命, 2. 日本大・生物資源)
- P054 CRISPR/Cas9 リボ核タンパク質複合体の直接導入によるパンコムギのゲノム編集法の確立**
 ☆三ツ村 葵 1, 神谷 容子 1, 土岐 精一 1,2, 遠藤 真咲 2, 加藤 悦子 3, 川浦 香奈子 1 (1. 横浜市大・木原生研, 2. 農研機構 生物機能利用研究部門, 3. 農研機構 高度解析センター)
- P055 胚乳高糖性を示す子実型ソルガム突然変異系統の解析**
 ☆橋本 舜平 1, 中村 (荒木) 聡子 2, 篠原 (大前) 梢 2, 田中 剛士 1, 中村 春貴 5, 三浦 孝太郎 3, 春日 重光 4, 佐塚 隆志 2 (1. 名大・院生命農学, 2. 名大生物機能開発利用研究センター, 3. 福井県大・生物資源, 4. 信大・農, 5. 名大・農)
- P056 Accumulation effects of mutations in the wheat *AP2* homoeologs on cleistogamous flowering**
 ☆Agetha Nanape, 渡邊 聖柁, Hlaing Moe Haine, 掛田 克行 (Graduate School of Bioresources, Mie University)
- P057 エピゲノム編集バレイショ先行系統の特性試験**
 ○山崎 宗郎 1, 田部井 豊 2, 若佐 雄也 1, 葛西 厚史 3, 原田 竹雄 3, 赤田 辰治 3 (1. 農研機構 生物機能利用研究部門, 2. 農研機構 本部, 3. 弘前大学 農学生命科学部)

- P058 葉緑体へ導入したプラスミドに自律複製能を付与する葉緑体 DNA 断片の特徴づけ**
☆馬場 裕士 1, 中元 海里 2, 植村 香織 3, 寺地 徹 3 (1.京産大・総合生命科学, 2.京産大・院生命科学, 3.京産大・生命科学)
- P059 プラスミドに自律複製能を付与する葉緑体 DNA 断片探索の過程で得られた予期せぬ形質転換体の解析**
☆植村 香織 1, 中元 海里 2, 馬場 裕士 3, 児島 和志 2, 寺地 徹 1 (1.京産大・生命科学, 2.京産大・院生命科学, 3.京産大・総合生命科学)

05. オミクス・データベース (Omics・Database)

- P060 大型グロースチャンバー内の位置効果がトランスクリプトームへ与える影響**
☆吉野 花奈美 1, 寺本 翔太 2, 沼尻 侑子 2, 西嶋 遼 1, 川勝 泰二 1 (1.農研機構・生物機能利用研究部門, 2.農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P061 Phos-tag 対角線電気泳動により明らかになったプロテアソームサブユニットのリン酸化状態**
○平野 久 1, 木村 鮎子 1, 佐藤 夏美 1, 長田 誠 1, 木下 英司 2, 藤田 清貴 1 (1.群馬バース大・院保健科学, 2.広島大・院医歯薬)
- P062 高温登熟耐性の評価を目指したイネ幼植物体のメタボローム解析**
○佐々木 一嘉 1,2, 若山 正隆 1, 曾我 朋義 1, 富田 勝 1 (1.慶應義塾大学先端生命科学研究所, 2.山形県農業総合研究センター)
- P063 ミカンゲノムデータベース (MiGD): カンキツのゲノム情報と DNA 多型マーカー情報をつなぐデータベース**
○川原 善浩 1,2, 遠藤 朋子 3, 大村 三男 4, 寺本 由美子 5, 伊藤 剛 2, 藤井 浩 3, 島田 武彦 3 (1.農研機構 次世代作物開発研究センター, 2.農研機構 高度解析センター, 3.農研機構 果樹茶業研究部門, 4.静岡大学 農学部, 5.(株) 情報数理バイオ)

06. 抵抗性・耐性 (Resistance・Tolerance)

- P064 育成中ダイズ系統の茎疫病抵抗性**
○河野 雄飛 1, 松岡 淳一 1, 高橋 真実 1, 菊池 彰夫 2, 高橋 浩司 3, 高田 吉丈 4 (1.農研機構・中央農業研究センター, 2.農研機構・東北農業研究センター, 3.農研機構・次世代作物開発研究センター, 4.農研機構・西日本農業研究センター)
- P065 GRAS-Di を用いたアズキ茎疫病抵抗性に関するバルク解析**
☆堀川 謙太郎 1, 山下 陽子 1, 相馬 ちひろ 1, 堀内 優貴 2, 鈴木 孝子 1 (1.道総研・中央農業試験場, 2.道総研・十勝農業試験場)
- P066 改良プロモーターを用いた *BSR1* 高発現イネの 2019 年度隔離圃場栽培試験. - いもち病抵抗性と農業形質の評価 -**
☆前田 哲, 林 長生, 山崎 宗郎, 西澤 洋子, 森 昌樹 (農研機構 生物機能利用研究部門)
- P067 水稻品種「秋はるか」のトビイロウンカ抵抗性に関する遺伝子座の検出**
☆中西 愛 1, 片岡 知守 1, 田村 克徳 1, 福岡 修一 2, 山内 歌子 2, 松村 正哉 3, 真田 幸代 1, 藤井 智久 1, 竹内 善信 1 (1.農研機構九州沖縄農業研究センター, 2.農研機構次世代作物開発研究センター, 3.農研機構)
- P068 「てんたかく」を遺伝的背景とした Davao1 由来の斑点米カメムシ抵抗性 QTL を持つ実験系統の評価**
○尾崎 秀宣, 青木 由美 (富山県農林水産総合技術センター)
- P069 穂発芽耐性小麦白粒系統育成の試み**
○伊藤 裕之, 池永 幸子, 中丸 観子, 谷口 義則, 高山 敏之 (農研機構東北農業研究センター)
- P070 異なる遺伝的背景における早朝開花性 qEMF3 の高温不稔回避効果**
○平林 秀介 1, 田之頭 拓 2, 田中 明男 2, 竹卒 禮 稔 2, 若松 謙一 2 (1.農研機構 作物研, 2.鹿児島農総セ)
- P071 マルチスペクトルデータを用いてダイズ遺伝資源の干ばつ耐性と成長を予測する**
☆櫻井 建吾 1, 戸田 悠介 2, 大森 良弘 2, 山崎 裕司 3, 高橋 宏和 4, 高梨 秀樹 2, 津田 麻衣 5, 石森 元幸 2, 辻本 壽 3, 加賀 秋人 6, 中園 幹生 4, 藤原 徹 2, 岩田 洋佳 2 (1.東京大・農, 2.東京大・院農学生命科学, 3.鳥取大・乾燥地研究センター, 4.名大・院生命農学, 5.筑波大・T-PIRC, 6.農研機構・次世代作物開発研究センター)
- P072 QTL analysis for salt tolerance in a RIL population derived from two salt tolerant soybean cultivars**
Thi Trang Nguyen1,2, Giriraj Kumawat1,3, ○ Donghe Xu1 (1.国際農研, 2.Agrivultural Genetics Institute, 3.Indian Institute of Soybean Research)
- P073 過度の高温で誘起されるシロイヌナズナ *argonaute1* 変異体の葉の異質化について**
○渡辺 明夫 1, 大西 真奈美 1, 高橋 秀和 2, 上田 健治 1, 櫻井 健二 1, 赤木 宏守 1 (1.秋田県立大学生物資源科学部, 2.福島大学農学)
- P074 Elm2 遺伝子を欠損したシロイヌナズナの熱-乾燥複合ストレス条件下における活性酸素制御機構**
☆ Hee Yong Lee, 鈴木 伸洋 (上智大学 理工学研究科 鈴木 (伸) 研究室)
- P075 活性酸素生成酵素 RBOHF を欠損したシロイヌナズナの熱 - 乾燥複合ストレスに対する応答**
☆藤川 陸, 鈴木 伸洋 (上智大学 理工学研究科 鈴木 (伸) 研究室)
- P076 シロイヌナズナにおける短時間の熱ストレス応答とその記憶**
☆湯瀬 真衣, 片野 和馬, 鈴木 伸洋 (上智大学 理工学研究科 鈴木 (伸) 研究室)
- P077 スーダンの高温環境下におけるダイズ高温耐性系統選抜のための評価方法の確立**
☆バラ モハメド 1,2, アブラヒム セフェルジン 1,2 (1.鳥取大・院連農, 2.鳥取大・乾地研)

- P078 シロイヌナズナのグループ I bZIP タンパク質遺伝子の四重欠損変異体の特徴づけ
○尹 赫晟 1, 藤野 介延 2, 高野 哲夫 1, 津釜 大侑 1 (1. 東京大学アジア生物資源環境研究センター, 2. 北海道大学大学院農学研究院 基盤研究部門 生物資源科学分野)
- P079 DNA マーカーを利用したジャガイモシロシストセンチュウ抵抗性遺伝子集積系統と多重式系統の選抜
○下坂 悦生, 浅野 賢治, 赤井 浩太郎, 岡本 智史, 田宮 誠司 (農研機構・北海道農業研究センター)
- P080 日本型イネ由来 4-HPPD 酵素阻害型除草剤抵抗遺伝子を導入したブロッコリーの特性評価
☆大嶋 雅夫 1,2, 大島 正弘 2, 関野 景介 3, 山崎 明彦 3, 田部井 豊 2 (1. 筑波大・生命環境系, 2. 農研機構, 3.(株) エス・ディー・エス・バイオテック)

07. 収量・品質 (Yield・Quality)

- P081 圃場栽培におけるサツマイモ (*Ipomoea batatas*) 塊根の収量、澱粉含量、乾物率およびアントシアニン含量に関する遺伝分析
☆ハク エムダドウ 1, 山本 英司 2, 白澤 健太 2, 田淵 宏朗 1, 尹 雄漢 3, 磯部 祥子 2, 田中 勝 1 (1. 農研機構九州沖縄農業研究センター, 2. かずさ DNA 研究所, 3. Nat. Inst. Agric. Sci., Korea)
- P082 *Arthrobacter* 属細菌培養液の植物生長促進作用の評価
○松平 理
- P083 イネデンプン構造変異系統の胚乳特性解析および原因遺伝子探索
☆永松 志朗 1, 和田 卓也 1, 松島 良 2, 藤田 直子 3, 三浦 聡子 3, クロフツ 尚子 3, 保坂 優子 3, 熊丸 敏博 4 (1. 福岡県農林試, 2. 岡山大・資源植物科学研究所, 3. 秋田県立大, 4. 九州大・院農)
- P084 食用サツマイモ品種「べにはるか」の塊根に生じる肉色変異の特性
☆末松 恵祐, 甲斐 由美 (農研機構・九州沖縄農業研究センター)
- P085 テンサイ初期生育におけるヘテロシス (雑種強勢) 発現機構の検証
大久保 めぐみ, 佐藤 宏亮, 久保 友彦, ○北崎 一義 (北海道大学大学院農学研究院)

08. 発生・生理 (Development・Physiology)

- P086 講演取り消し
- P087 コムギ種子のカテキン量と種子休眠との関係について
○氷見 英子 (吉備国際大学農学部)
- P088 早生型および晩生型タルホコムギにおける *WCO1 (WHEAT CONSTANS 1)* 遺伝子の構造変異とエピジェネティクス発現パターン変異
☆速水 小夜 1, 大山 貴裕 1, 水野 信之 2, 村井 耕二 1 (1. 福井県大・生物資源, 2. 京大大学院・農)
- P089 2 倍体ヒトツブコムギにおける重イオンビーム照射による超極早生変異体 *extra early-flowering 4* の原因遺伝子の同定
☆橋本 佳澄 1, 西浦 愛子 1, 風間 裕介 1, 市田 裕之 2, 阿部 知子 2, 村井 耕二 1 (1. 福井県大・生物資源, 2. 理研・仁科センター)
- P090 キャベツ BoFLC2 導入ハクサイ系統の春化特性
西田 菜美子 1, 岡崎 桂一 2, ○藤本 龍 1 (1. 神戸大・院農学, 2. 新潟大・院自然科学)
- P091 *strigosa* エンバク出穂性の異なる播種時期に対する環境応答
○上床 修弘, 高井 智之, 荒川 明, 桂 真昭 (農研機構九州沖縄農業研究センター)
- P092 複粒型澱粉粒を発達させるオオムギ変異体の単離と解析
○松島 良 1, 久野 裕 1, 三浦 聡子 2, クロフツ 尚子 2, 保坂 優子 2, 藤田 直子 2, 佐藤 和広 1 (1. 岡山大学資源植物科学研究所, 2. 秋田県立大学生物資源科学部)
- P093 イネの生育相転換に関与する qJA1, qJA2 が地域適応性に及ぼす効果
☆藤本 源 1, 渡部 太緒 1, 荒川 恵理 2, 小出 陽平 3, 門田 有希 4, 寺石 政義 5, 伊藤 純一 2, 桧原 健一郎 2,6, 長戸 康郎 2, 奥本 裕 5, 吉川 貴徳 5 (1. 京大農学部, 2. 東大院農生命科学, 3. 北大院農, 4. 岡山大院環境生命, 5. 京大院農, 6. 吉備国際大・農)
- P094 イネ胚乳発生過程における細胞運命特定機構について
☆高藤 良典 1, Kim Nhung Ta 2, 鈴木 俊哉 2, 佐藤 (志水) 佐江 2, 高橋 (野坂) 実鈴 2, 佐藤 豊 2, 木村 若菜 1, 大岩 徹郎 1, 武田 真 1, 服部 東穂 1 (1. 名大・院生命農学, 2. 遺伝研)
- P095 イネコアコレクションを用いた栄養生長期の相転移因子の解析
☆山本 真璃 1, 手塚 孝弘 1,2, 横井 修司 1,2,3 (1. 大阪府立大学・院生命環境科学, 2. 附属教育研究フィールド・大阪府立大学, 3. バイオエコノミー研究所・21 世紀科学研究センター・大阪府立大学)

09. 増殖・生殖 (Multiplication・Reproduction)

- P096 雑種致死性を克服したタバコ属種間雑種に見出された Q 染色体の末端欠失に同祖染色体間の相互転座が関与する可能性
☆中田 康貴 1, 長嶋 大貴 1, 丸橋 亘 2, 金勝 一樹 1, 山田 哲也 1 (1. 農工大・院農, 2. 明治大・農)

P097 緑茶品種の *in vitro*挿し木法の確立

☆大久保 日奈 1, 稲葉 蒼一郎 2, 古川 一実 1 (1. 沼津工業高等専門学校 物質工学科, 2. 沼津工業高等専門学校 専攻科)

P098 ハナミズキのカルス誘導における外植片の状態と植物ホルモン組成の影響

○大岡 久子 1, 横山 青南 1, 浅香 万里 1, 立見 勇樹 1, 長島 史歩 1,2, Erinn Sim Zixuan1,3, 高原 美規 4 (1. 群馬高専・物質工学, 2. 千葉大・共生応用化学, 3. 東工大院・生命理工, 4. 長岡技大・生物系)

P099 高温環境下で花粉稔性回復能力を失うテンサイ Rf1 対立遺伝子

○松平 洋明 1, 黒田 洋輔 1, 北崎 一義 2, 久保 友彦 2 (1. 農研機構・北海道農業研究センター, 2. 北海道大・院農)

P100 ホウレンソウ性決定候補遺伝子の発現パターンの解析

☆須藤 有紀 1, 長部 高之 2, 平川 英樹 3, 鈴木 稜 4, 小野寺 康之 1 (1. 北海道大学大学院農学院, 2. 北海道大学農学部, 3. かずさ DNA 研究所, 4. 東京大学新領域創成科学研究科)

口頭発表講演方法

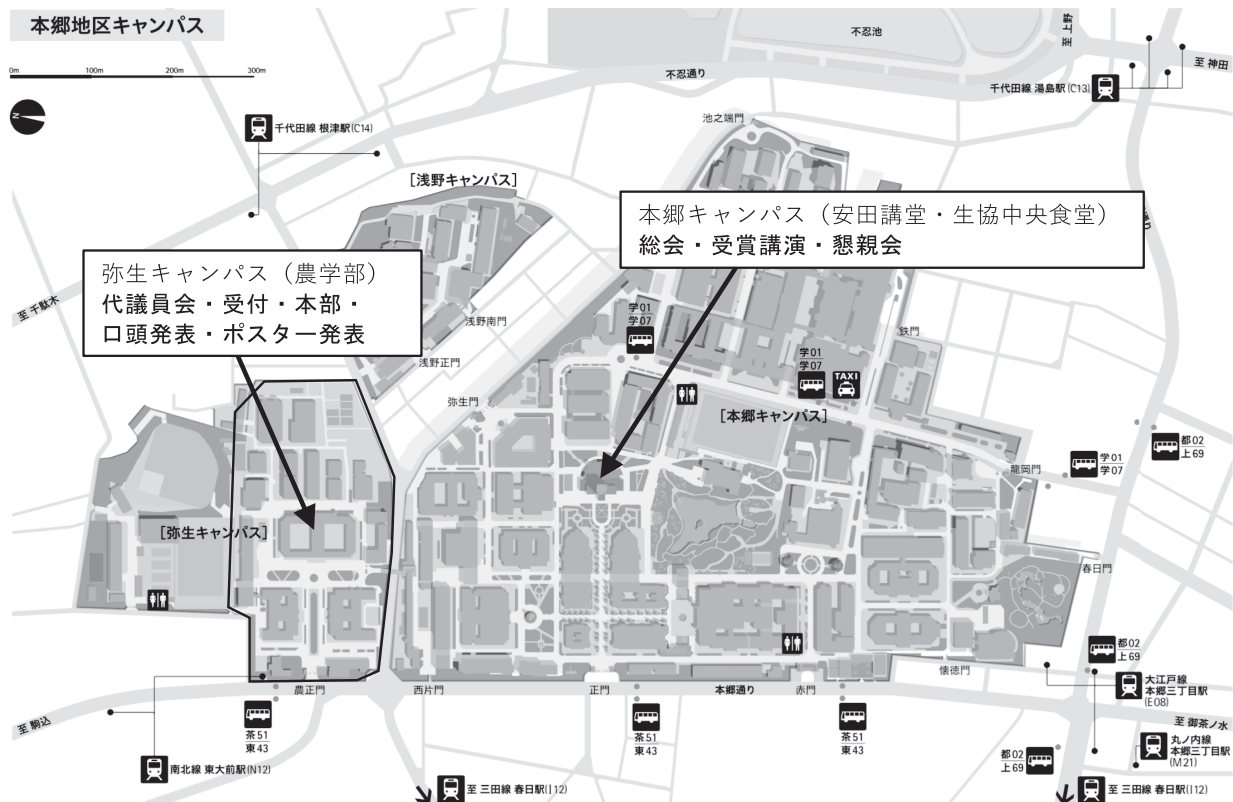
口頭発表の発表形式はプロジェクターによるプレゼンテーションのみです。発表にはご自分のパソコンをご使用ください。本大会では**試写室を設けません**。発表者は当日の朝や昼の休憩時間に会場で試写を行い、スライドのレイアウトや動作をご確認いただくとともに、パソコンの画面出力先の設定（ミラーリング）方法を必ずご確認ください。

また、パソコンの不具合に備えて大会運営委員会では予備のパソコン1台をご用意しますので、**データのバックアップを入れた USB メモリを必ずご準備ください**。

1. 使用するノートパソコンの「画面の解像度」を **XGA**（1024×768 ピクセル）に設定してからスライドのレイアウトを確認してください。これよりも大きい画面サイズやワイド画面のパソコンを使用すると、プロジェクターから正しく投影されないことがあります。
2. 画面出力端子の形状が **D-sub15 ピン（ミニ）** もしくは **HDMI (type-A)** であることを確認してください。この形状と異なる場合や、Mac をご使用になる場合は、変換アダプタを準備してください。
3. スクリーンセーバー、省電力設定は解除し、起動音を **ミュート（消音）** にしてください。
4. バッテリートラブルが生じないように電源タップを用意しますので、パソコンの電源コードを準備してください。
5. 次講演者席、次々講演者席に着席したら、電源コード、モニターケーブルを順に接続し、パソコンを起動してください。
6. 発表者の画面がプロジェクターから投影されない場合、発表者はミラーリングの変更を行ってください。なお、トラブルの時間も講演時間に含まれますのでご了承ください。
7. 動画はミラーリングによってプロジェクターから投影されないことがありますので、発表者は試写の際にミラーリング方法をご確認ください。
8. 不慮の事態における予備のパソコンの貸し出しにつきましては会場のスタッフにお申し付けください。

その他、ご不明の点は大会運営委員会（jsb137utokyo@gmail.com）にお問い合わせください。

講演会場（東京大学弥生/本郷キャンパス）へのアクセス



【 弥生キャンパスまでの交通 】

○羽田空港から

「羽田空港」(東京モノレール) → 「浜松町」(JR 山手線) → 「駒込」(地下鉄南北線) → 「東大前」(約 1 時間)

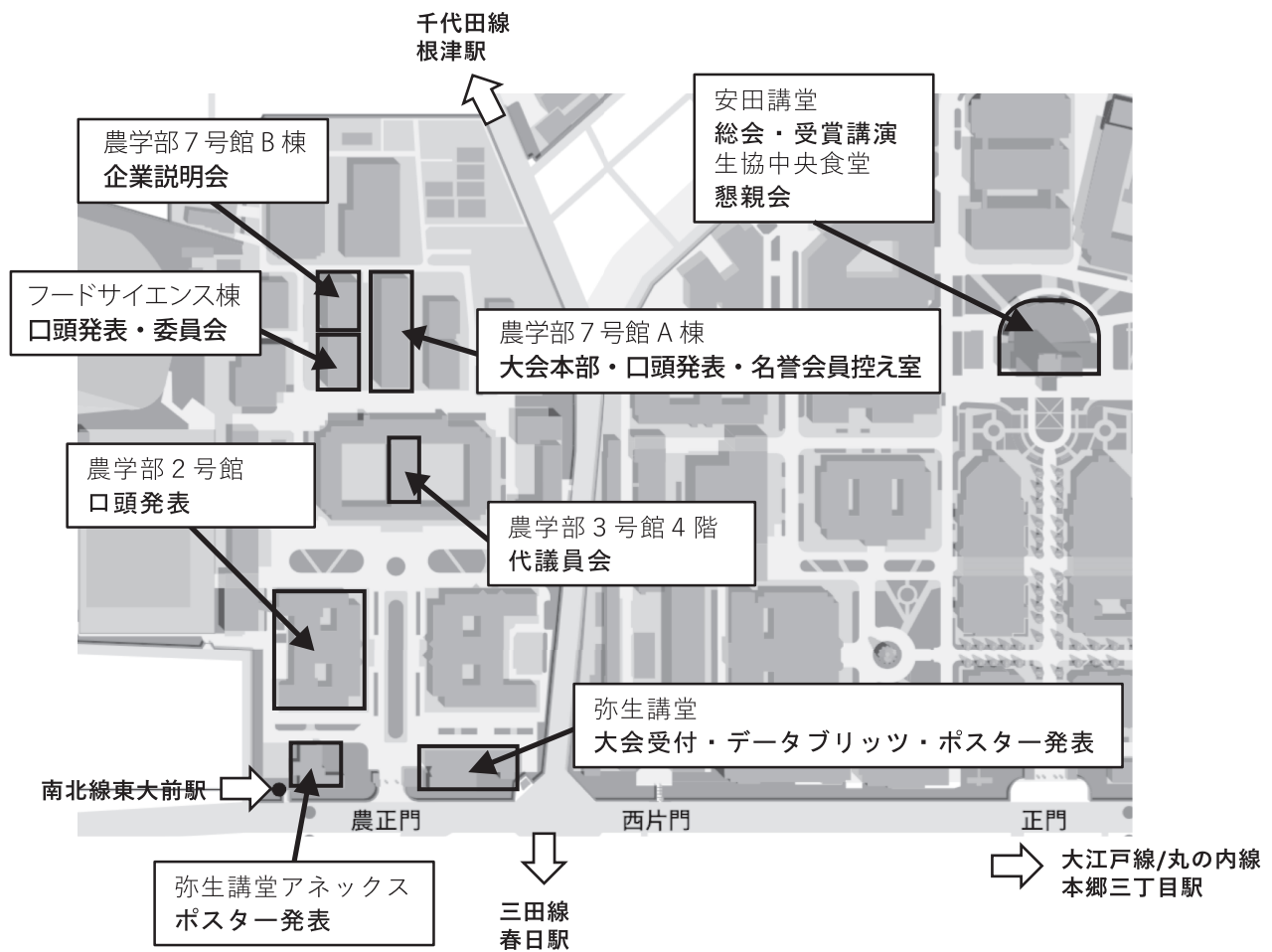
「羽田空港」(京急空港線) → 「泉岳寺」(都営浅草線) → 「三田」(都営三田線) → 「白金高輪」(地下鉄南北線) → 「東大前」(約 1 時間)

○東京駅から

「東京」(地下鉄丸の内線) → 「後楽園」(地下鉄南北線) → 「東大前」(約 20 分)

「東京」(JR 山手線) → 「駒込」(地下鉄南北線) → 「東大前」(約 30 分)

講演会場案内図（東京大学弥生/本郷キャンパス）

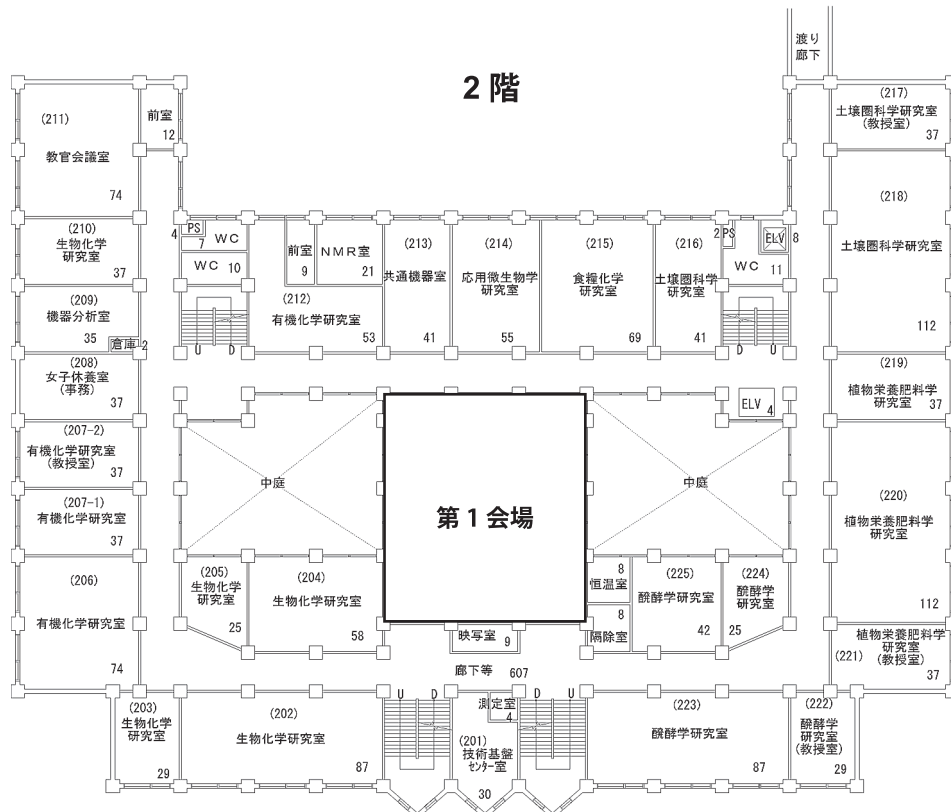
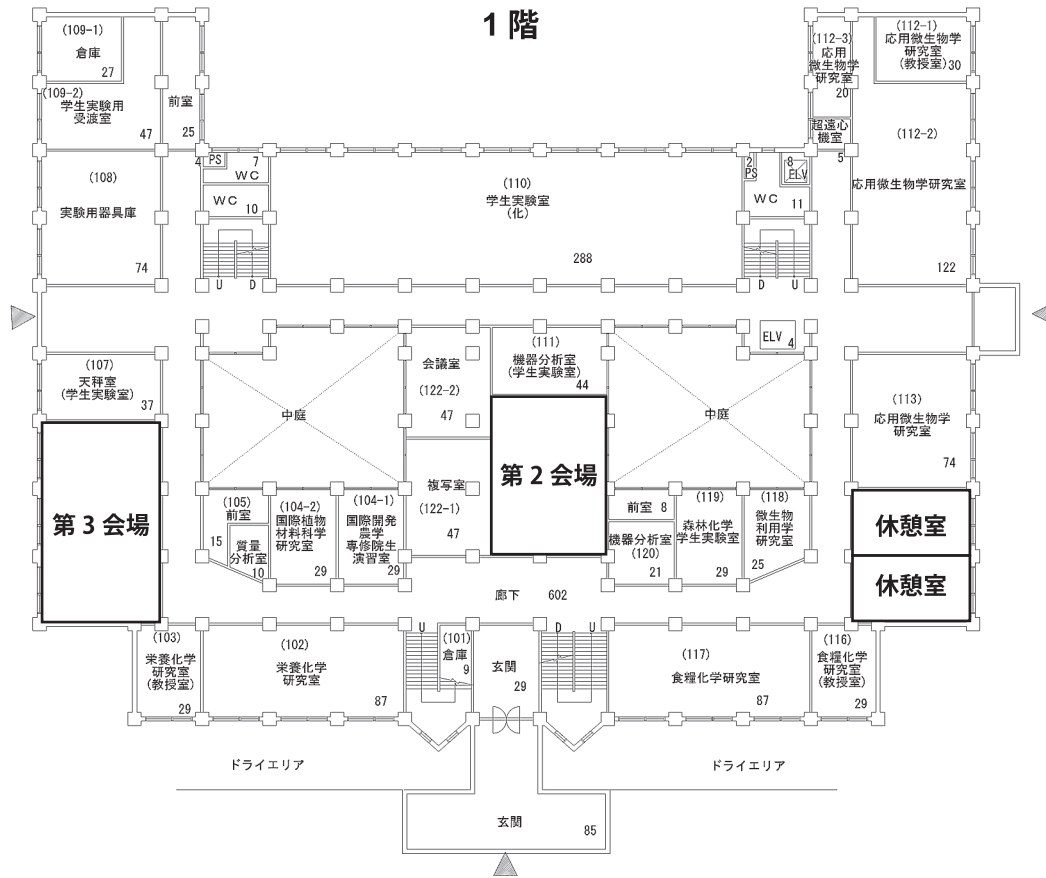


最寄り駅（弥生キャンパスまで）

東大前駅(地下鉄南北線)	徒歩 1 分
根津駅(地下鉄千代田線)	徒歩 8 分
本郷三丁目駅(地下鉄大江戸線)	徒歩 12 分
春日駅/白山駅(地下鉄三田線)	徒歩 12 分
本郷三丁目駅(地下鉄丸ノ内線)	徒歩 14 分

講演会場案内図

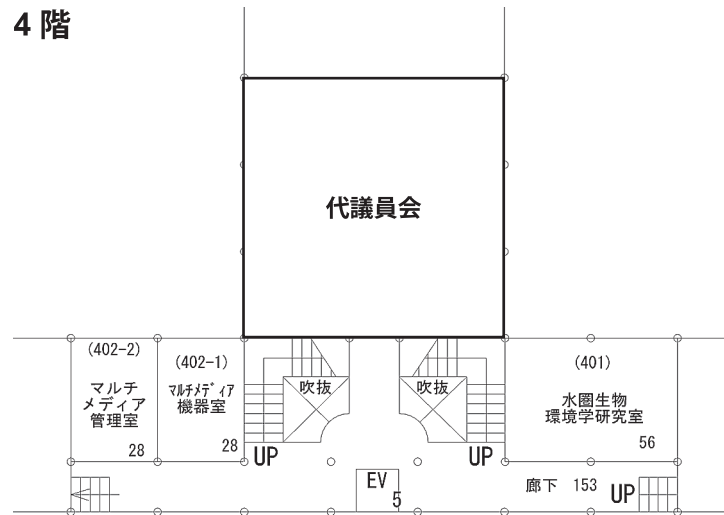
2 号館



講演会場案内図

3号館

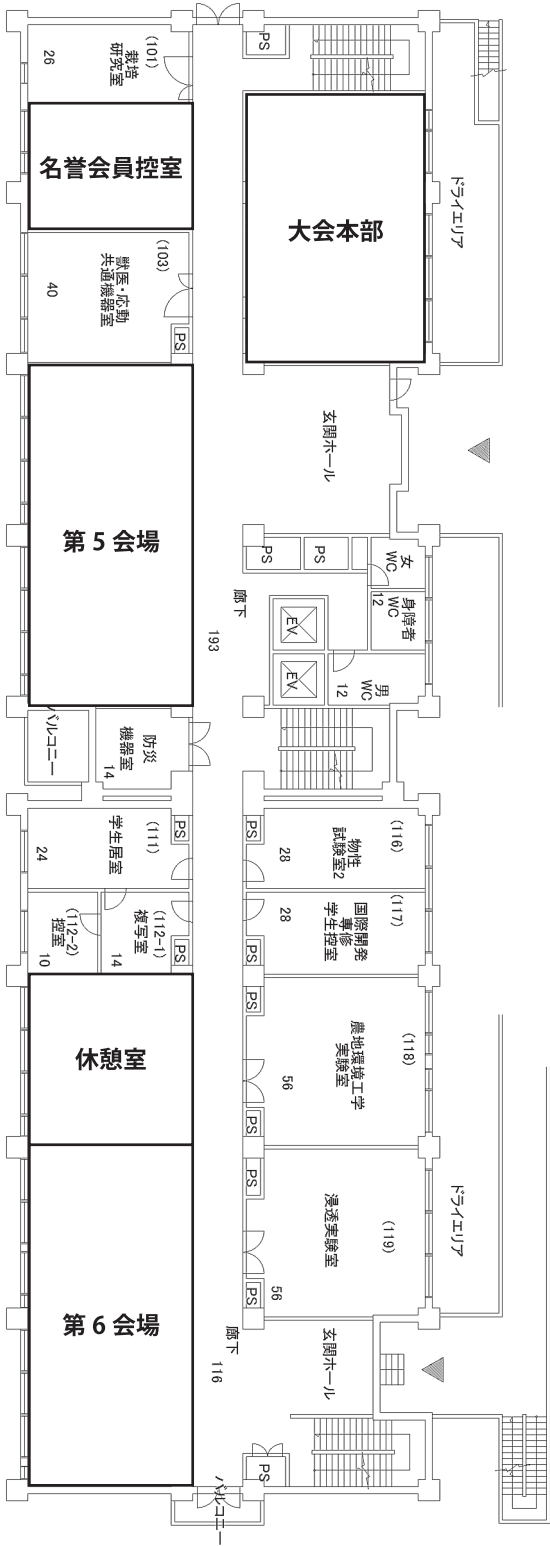
4階



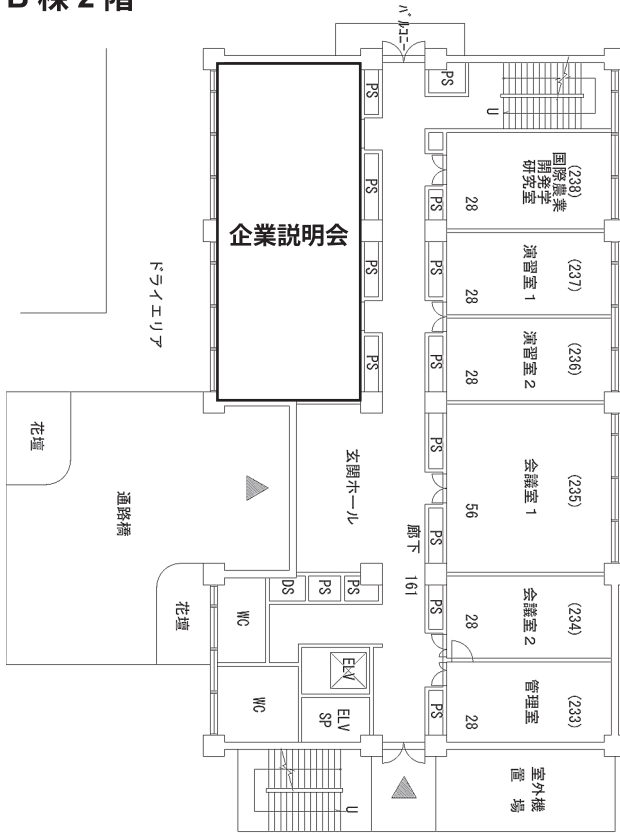
講演会場案内図

7 号館

A棟1階

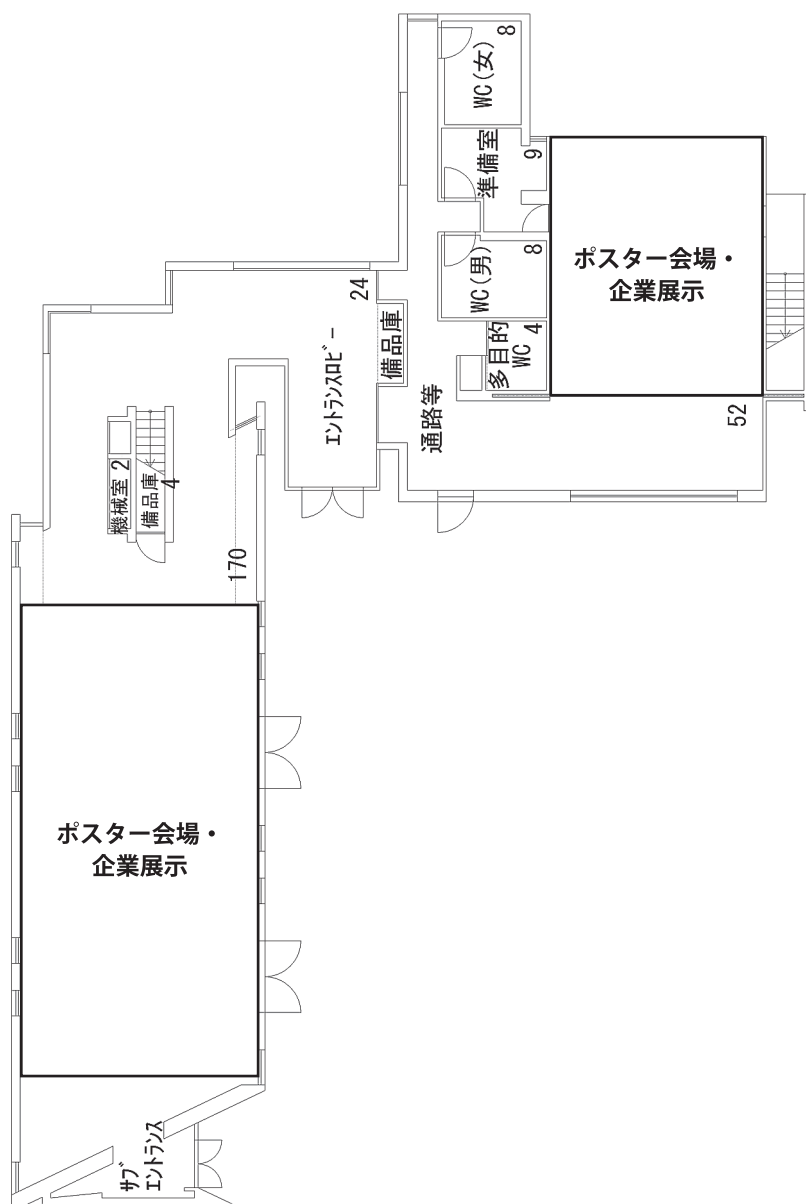


B棟2階



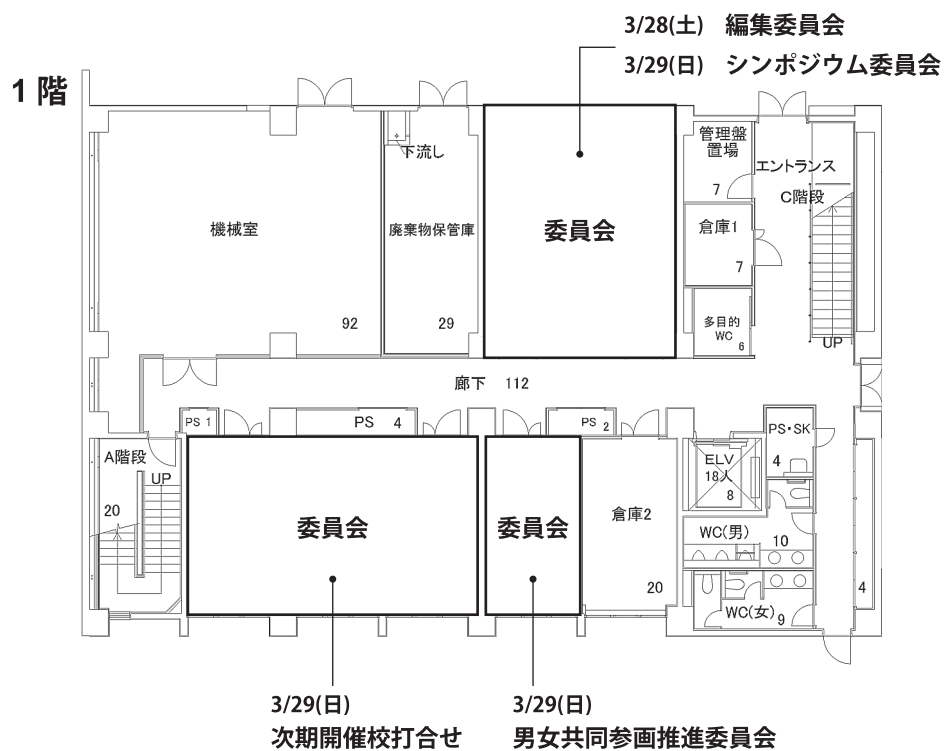
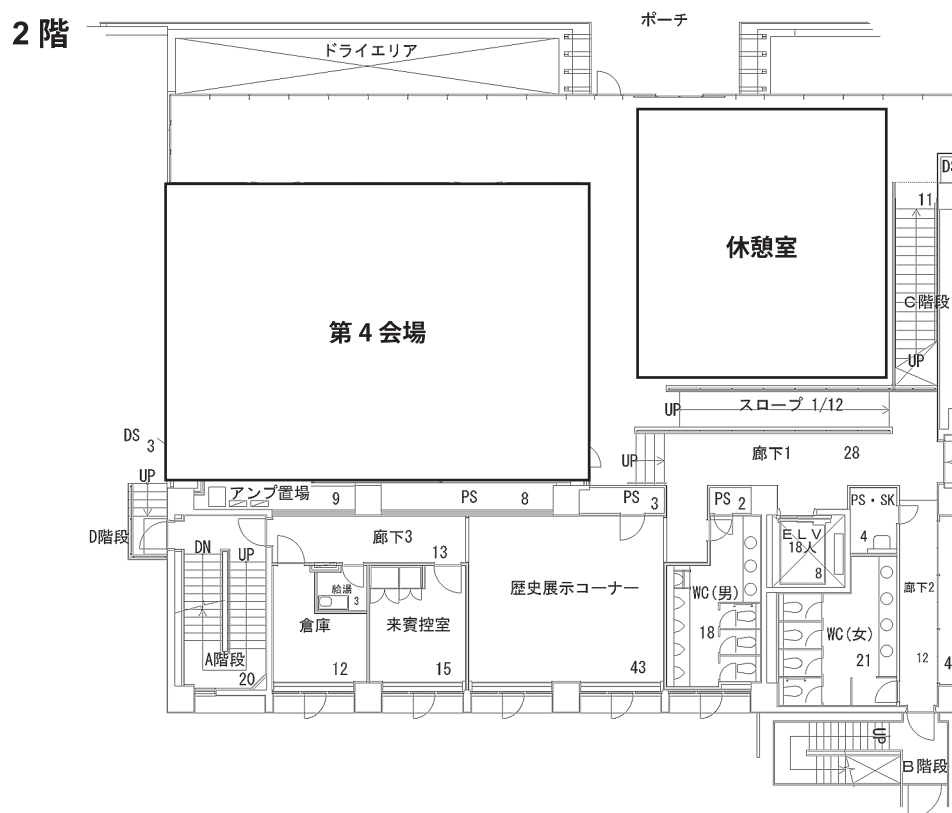
講演会場案内図

弥生講堂アネックス



講演会場案内図

フードサイエンス棟



講演会場案内図

彌生講堂

